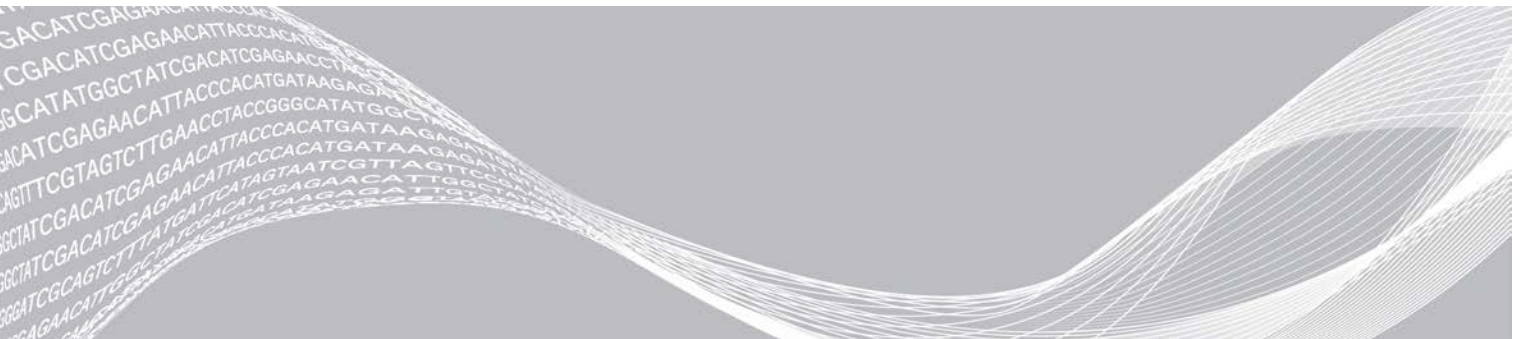


iSeq 100

Guía del sistema de secuenciación



Este documento y su contenido son propiedad de Illumina, Inc. y sus afiliados ("Illumina") y están previstos solamente para el uso contractual de sus clientes en conexión con el uso de los productos descritos en él y no para ningún otro fin. Este documento y su contenido no se utilizarán ni distribuirán con ningún otro fin ni tampoco se comunicarán, divulgarán ni reproducirán en ninguna otra forma sin el consentimiento previo por escrito de Illumina. Illumina no transfiere mediante este documento ninguna licencia bajo sus derechos de patente, marca comercial, copyright ni derechos de autor o similares derechos de terceros.

Para asegurar el uso correcto y seguro de los productos descritos en este documento, el personal cualificado y adecuadamente capacitado debe seguir las instrucciones incluidas en este de manera rigurosa y expresa. Se debe leer y entender completamente todo el contenido de este documento antes de usar estos productos.

SI NO SE LEE COMPLETAMENTE EL DOCUMENTO Y NO SE SIGUEN EXPRESAMENTE TODAS LAS INSTRUCCIONES DESCRITAS EN ESTE, PODRÍAN PRODUCIRSE DAÑOS EN EL PRODUCTO, LESIONES PERSONALES, INCLUIDOS LOS USUARIOS U OTRAS PERSONAS Y DAÑOS EN OTROS BIENES Y QUEDARÁ ANULADA TODA GARANTÍA APLICABLE AL PRODUCTO.

ILLUMINA NO ASUME RESPONSABILIDAD ALGUNA DERIVADA DEL USO INCORRECTO DE LOS PRODUCTOS AQUÍ DESCRITOS (INCLUIDAS LAS PIEZAS O EL SOFTWARE).

© 2019 Illumina, Inc. Todos los derechos reservados.

Todas las marcas comerciales pertenecen a Illumina, Inc. o a sus respectivos propietarios. Para obtener información específica sobre las marcas comerciales, consulte www.illumina.com/company/legal.html.

Historial de revisiones

Documento	Fecha	Descripción del cambio
N.º de documento 1000000036024 v05	Marzo de 2019	<p>Actualización de las descripciones de software a las del iSeq Control Software v1.4:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Se han actualizado instrucciones sobre la configuración de ajustes del sistema, incluidos el cambio de ubicación y de nombre de algunos elementos de la interfaz de usuario. • Se han añadido descripciones de las mediciones Porcentaje de grupos que superan el filtro y Porcentaje de ocupación, que aparecen en la pantalla Sequencing (Secuenciación). • Se ha permitido el uso de unidades de red asignadas para ubicaciones de las hojas de muestras y las carpetas de resultados. • Se ha indicado que el software cambia automáticamente el nombre de las hojas de muestras a SampleSheet.csv. Se han añadido enlaces a las siguientes páginas: • La plantilla de hoja de muestras del sistema iSeq 100 para el modo manual. • Las páginas de asistencia del software de conversión bcl2fast. <p>Se han añadido volúmenes de 100 % de PhiX a 1 nM y de AmpliSeq Library PLUS para la preparación de bibliotecas de Illumina.</p> <p>Se ha añadido la instrucción de mover el repositorio de genomas de referencia para Local Run Manager a una ubicación distinta a la unidad C cuando se restablezca la configuración de fábrica del sistema.</p> <p>Se ha aumentado el número de ciclos máximos recomendados para Lectura de Índice 1 y Lectura de Índice 2 a 10 ciclos cada uno.</p> <p>Se ha aumentado a 322 el número de ciclos admitidos por el cartucho.</p> <p>Se ha indicado la <i>Guía de optimización de densidad de grupos</i> (n.º de documento 1000000071511) como consulta para obtener información detallada sobre la optimización de la concentración de carga.</p> <p>Se ha aclarado que los cartuchos que se vayan a descongelar con un baño de agua deben almacenarse a una temperatura de entre -25 °C y -15 °C durante al menos un día antes de la descongelación.</p> <p>Se ha corregido AmpliSeq for Illumina Library PLUS a AmpliSeq Library PLUS for Illumina.</p>

Documento	Fecha	Descripción del cambio
N.º de documento 1000000036024 v04	Octubre de 2018	<p>Se han añadido las concentraciones de carga recomendadas e instrucciones de dilución para bibliotecas Nextera DNA Flex for Enrichment, TruSeq DNA Nano y TruSeq DNA PCR-Free.</p> <p>Se ha añadido información sobre el uso de un método de normalización que no de como resultado bibliotecas de una sola cadena.</p> <p>Se han añadido descripciones de los dos modos de experimento, Local Run Manager y Manual.</p> <p>Se ha agregado una adición opcional del 5 % de PhiX y se ha definido el propósito de cada porcentaje de adición.</p> <p>Se han añadido los siguientes pasos:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Cambio a la cuenta de sistema operativo sbsadmin para instalar el software de control, los módulos de análisis y otro software. • Ciclo de apagado y encendido al restablecer la configuración de fábrica. <p>Se ha añadido la referencia a las instrucciones sobre <i>secuencias de los adaptadores de Illumina (n.º de documento 1000000002694)</i> para determinar las orientaciones de Index 2 (Índice 2) (i5) para una hoja de muestras.</p> <p>Se han aclarado los siguientes puntos:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Los cartuchos deben usarse inmediatamente después de descongelarlos. • Las concentraciones de carga especificadas para las bibliotecas Nextera DNA Flex y Nextera Flex for Enrichment no son aplicables a otros tipos de biblioteca de Nextera. • La biblioteca SureCell WTA 3' no es compatible.

Documento	Fecha	Descripción del cambio
N.º de documento 1000000036024 v03	Agosto de 2018	<p>Actualización de las descripciones de software a las del iSeq Control Software v1.3:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Se han añadido instrucciones de configuración para el servicio de copia universal. • Se ha cambiado el nombre de la ficha Network Configuration (Configuración de red) a Network Access (Acceso a la red). • Se han añadido instrucciones para abrir Local Run Manager desde el software de control. <p>Se ha actualizado la ubicación predeterminada de la carpeta de resultados a D:\SequencingRuns.</p> <p>Se han añadido instrucciones para conectar el sistema a un servidor proxy.</p> <p>Se ha añadido el requisito de especificar una ruta UNC para las ubicaciones de red de las carpetas de resultados y las hojas de muestra.</p> <p>Se han indicado los requisitos exclusivos para configurar la ubicación de una carpeta de resultados en una unidad interna, una unidad externa o una ubicación de red.</p> <p>Se han elaborado instrucciones para crear una hoja de muestras para el modo manual, el primer paso de la configuración del experimento.</p> <p>Se han corregido las instrucciones sobre el uso del asistente de instalación del paquete de sistemas.</p> <p>Se ha corregido la descripción de los archivos de vistas en miniatura de resultados.</p>
N.º de documento 1000000036024 v02	Junio de 2018	<p>Se han actualizado los tubos usados para diluir bibliotecas a tubos de baja adherencia de Fisher Scientific, n.º de catálogo 14-222-158 (o equivalentes).</p> <p>Se ha añadido una sección en la que se describe la disponibilidad regional de Intercambio avanzado.</p> <p>Se ha aclarado que las bibliotecas diluidas a la concentración de carga se deben secuenciar ese día.</p> <p>Se ha aclarado que el cartucho de reactivos se debe retirar de la caja para descongelarlo.</p>

Documento	Fecha	Descripción del cambio
N.º de documento 1000000036024 v01	Mayo de 2018	<p>Actualización de las descripciones de software a las del iSeq Control Software v1.2:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Se ha añadido la opción de buscar un instalador de software que se haya descargado desde el software de control. • Se han añadido instrucciones para guardar las vistas en miniatura. • Se ha trasladado la configuración de red a la ficha Network Configuration (Configuración de red). • Se ha aumentado el número máximo de usos de componentes de pruebas reutilizables a 36 y se ha indicado que el número restante de usos aparece en pantalla. <p>Actualización de la información de Local Run Manager:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Se han añadido los pasos para abrir Local Run Manager y configurar el experimento. • Se ha añadido RNA Amplicon como módulo de análisis preinstalado y DNA Enrichment and Resequencing como otros módulos compatibles. • Se ha actualizado la documentación de referencia a <i>Guía del software Local Run Manager</i> (n.º de documento 100000002702). <p>Actualización de las instrucciones para descongelar cartuchos:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Se ha añadido una opción de descongelación a temperatura ambiente. • Se han proporcionado instrucciones más detalladas sobre los baños de agua, incluido el almacenamiento antes de descongelar. <p>Actualización de las instrucciones sobre la preparación de bibliotecas para la secuenciación:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Se ha actualizado la concentración de carga de Nextera DNA Flex a 200 pM. • Se ha añadido la concentración de carga inicial para tipos de bibliotecas que no se indican en la lista. • Se ha añadido información sobre el criterio de medición del % de ocupación. • Se ha aumentado el volumen de PhiX a 1 nM hasta los 50 µl. <p>Actualización de los números de catálogo de Illumina de los componentes siguientes:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Almohadilla de bandeja para gotas de repuesto del sistema iSeq 100 al n.º 20023927. • Filtro de aire de repuesto del sistema iSeq 100 al n.º 20023928. <p>Actualización de las recomendaciones relativas a las pipetas y las puntas de pipeta.</p>

Documento	Fecha	Descripción del cambio
N.º de documento 1000000036024 v01	Mayo de 2018	<p>Se han añadido las siguientes instrucciones:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Realización de experimentos de validación. • Creación de una hoja de muestras al realizar una secuenciación en modo manual. • Minimización del software de control para acceder a otras aplicaciones. <p>Se han añadido los siguientes pasos al procedimiento de comprobación del sistema:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Descarga y almacenamiento de componentes de pruebas reutilizables. • Limpieza de residuos visibles en la celda de flujo de pruebas reutilizable. <p>Se ha reorganizado el siguiente contenido para mejorar la continuidad:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Se han combinado las instrucciones para realizar un experimento solo de PhiX con las de secuenciación estándar. • Se han combinado las instrucciones para preparar celdas de flujo con las instrucciones para diluir bibliotecas. • Se han consolidado las instrucciones para añadir PhiX. • Se ha trasladado la información sobre el número de ciclos de una lectura. • Se ha trasladado el apéndice Análisis en tiempo real y se le ha cambiado el nombre a <i>Resultados de Secuenciación</i>. <p>Se ha simplificado el diagrama de flujo de trabajo de mensajes de error.</p> <p>Se ha eliminado información sobre los modos para tabletas y equipos de escritorio. El sistema operativo se ejecuta en el modo para equipos de escritorio de forma predeterminada y no se requiere el modo para tabletas.</p> <p>Se ha eliminado el requisito de finalizar y devolver un certificado de descontaminación para el intercambio avanzado.</p> <p>Se ha corregido el tamaño medio de experimento a 2 GB.</p>
N.º de documento 1000000036024 v00	Febrero de 2018	Publicación inicial.

Contenido

Capítulo 1 Descripción general	1
Introducción	1
Recursos adicionales	2
Componentes del instrumento	3
Reactivo i1 de iSeq 100	7
Capítulo 2 Primeros pasos	11
Primera configuración	11
Minimizar el software de control	12
Ajustes de configuración del experimento	12
Personalización del instrumento	15
Configuración de red	16
Consumibles y equipos proporcionados por el usuario	18
Capítulo 3 Secuenciación	20
Introducción	20
Descongelar el cartucho en bolsa	21
Preparar la celda de flujo y las bibliotecas	22
Cargar consumibles en el cartucho	24
Configurar un experimento de secuenciación (Local Run Manager)	26
Configurar un experimento de secuenciación (modo Manual)	30
Capítulo 4 Mantenimiento	34
Liberar espacio de disco duro	34
Actualizaciones de software	34
Sustituir el filtro de aire	36
Cambiar de ubicación el instrumento	38
Directivas de restricción de software	39
Apéndice A Resultados de secuenciación	42
Descripción general de Análisis en tiempo real	42
Flujo de trabajo de análisis en tiempo real	45
Apéndice B Solución de problemas	48
Resolución de mensajes de error	48
Cancelar un experimento empezado	49
Ciclo de apagado y encendido del instrumento	49
Realizar una comprobación del sistema	50
Mitigar fugas	52
Restablecer la configuración de fábrica	55

Apéndice C Intercambio avanzado	56
Intercambio del sistema iSeq 100	56
Recibir un sistema de sustitución	56
Preparar el sistema original para su devolución	56
Devolver el sistema original	60
Índice alfabético	63
Asistencia técnica	69

Capítulo 1 Descripción general

Introducción	1
Recursos adicionales	2
Componentes del instrumento	3
Reactivo i1 de iSeq 100	7

Introducción

El sistema de secuenciación iSeq™ 100 de Illumina® le ofrece un método centrado en la secuenciación de próxima generación (NGS). Este sistema basado en aplicaciones incorpora la tecnología de secuenciación de Illumina en un instrumento de escritorio rentable.

Funciones

- ▶ **Accesibilidad y fiabilidad:** El sistema iSeq 100 ocupa poco espacio; además, resulta fácil de instalar y usar. Los componentes de adquisición de imágenes y de fluidica están integrados en los consumibles, con la consiguiente simplificación del mantenimiento del instrumento.
- ▶ **Carga de consumibles en un solo paso:** Hay un cartucho de un solo uso precargado con todos los reactivos necesarios para llevar a cabo un experimento. La celda de flujo equipada con un sensor y la biblioteca se cargan directamente en el cartucho, el cual posteriormente se carga en el instrumento. La identificación integrada permite un seguimiento preciso.
- ▶ **Software del sistema iSeq 100:** Un paquete de software integrado controla el funcionamiento del instrumento, procesa las imágenes y genera las llamadas de bases. Este paquete incluye herramientas de análisis y transferencia de datos integradas en el instrumento para poder llevar a cabo análisis externos.
 - ▶ **Análisis integrado en el instrumento:** Local Run Manager introduce la información de la muestra y, posteriormente, analiza los datos del experimento con el módulo de análisis especificado en el experimento. El software incluye un paquete de módulos de análisis.
 - ▶ **Análisis basado en la nube:** El flujo de trabajo de secuenciación se encuentra integrado en BaseSpace Sequence Hub, el entorno informático basado en la nube de Illumina para la supervisión de experimentos, el análisis de datos, el almacenamiento y la colaboración. Los archivos de resultados se transmiten en tiempo real a BaseSpace Sequence Hub para analizarlos.

Desde la obtención de la muestra hasta el análisis

El siguiente diagrama ilustra el flujo de trabajo completo de la secuenciación, desde el diseño de experimento hasta el análisis de datos. En cada paso figuran las herramientas y la documentación correspondientes. En esta guía se trata el paso de las bibliotecas de secuenciación. Para obtener otros documentos de referencia, visite support.illumina.com.

Figura 1 Flujo de trabajo desde la obtención de la muestra hasta el análisis



Recursos adicionales

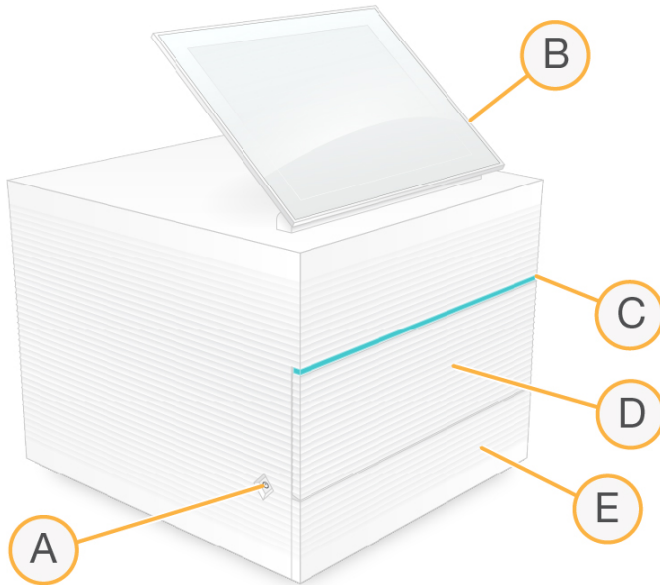
Las [páginas de asistencia del sistema de secuenciación iSeq 100](#) del sitio web de Illumina proporcionan recursos adicionales del sistema. Estos recursos incluyen el software, la formación, los productos compatibles y la siguiente documentación. Revise siempre las páginas de asistencia para obtener las versiones más recientes.

Recurso	Descripción
Herramienta de selección de protocolos personalizados	Una herramienta para generar instrucciones integrales adaptadas al método de preparación de bibliotecas, a los parámetros del experimento y al método de análisis, con opciones para refinar el nivel de detalle.
Cartel de configuración del sistema de secuenciación iSeq 100 (n.º de documento 1000000035963)	Proporciona instrucciones para la instalación del instrumento y la primera configuración.
Guía de preparación del centro para el sistema de secuenciación iSeq 100 (n.º de documento 1000000035337)	Proporciona especificaciones para el espacio del laboratorio, los requisitos eléctricos y las consideraciones medioambientales y de red.
Guía de cumplimiento y seguridad del sistema de secuenciación iSeq 100 (n.º de documento 1000000035336)	Proporciona información sobre las consideraciones de seguridad operativa, las declaraciones de cumplimiento normativo y el etiquetado del instrumento.
Guía de cumplimiento del lector de RFID (n.º de documento 100000002699)	Proporciona información sobre el lector de RFID del instrumento, incluidas las certificaciones de cumplimiento normativo y las consideraciones de seguridad.

Componentes del instrumento

El sistema de secuenciación iSeq 100 se compone de un botón de encendido, un monitor, una barra de estado, un compartimento de consumibles y bandeja para gotas.

Figura 2 Componentes externos del sistema



- A **Botón de encendido:** Controla el encendido del instrumento e indica si el sistema está activado (se ilumina), desactivado (apagado) o desactivado con alimentación de CA (parpadea).
- B **Monitor con pantalla táctil:** Permite la configuración integrada en el instrumento y el ajuste mediante el uso de la interfaz del software de control.
- C **Barra de estado:** Indica el estado del sistema: listo para secuenciar (verde), procesamiento en curso (azul) o hace falta asistencia (naranja).
- D **Compartimento de consumibles:** Contiene los consumibles durante un experimento.
- E **Puerta de bandeja para gotas:** Proporciona acceso a la bandeja para gotas, que captura los líquidos fugados.

Conexiones de alimentación y auxiliares

Puede mover el instrumento para acceder a los puertos USB y a otros componentes del panel trasero.

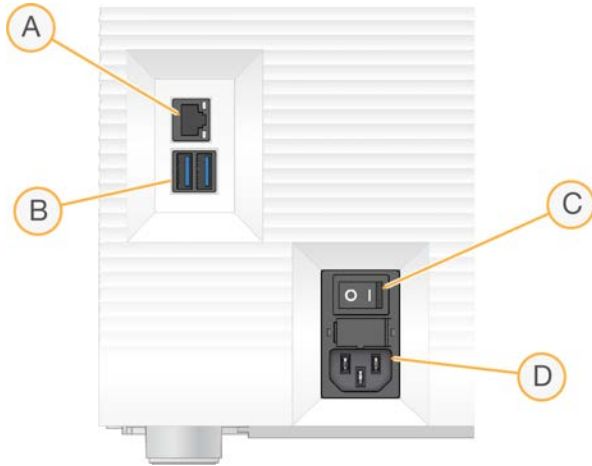
La parte posterior del instrumento cuenta con el interruptor y la entrada que controlan la alimentación al instrumento, así como con un puerto Ethernet para una conexión Ethernet opcional. Los dos puertos USB le ofrecen la opción de conectar un ratón y un teclado, o de cargar y descargar datos con un dispositivo portátil.



NOTA

Si se conecta el sistema a un teclado y un ratón, se anulará el teclado en pantalla.

Figura 3 Componentes del panel trasero

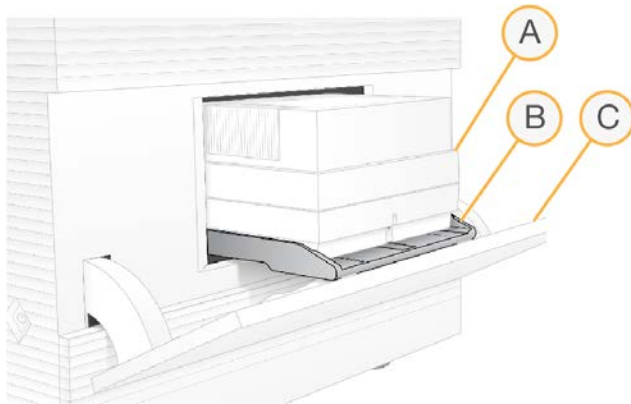


- A **Puerto Ethernet:** Conexión opcional del cable Ethernet.
- B **Puertos USB:** Dos puertos para conectar componentes auxiliares.
- C **Interruptor de alimentación:** Enciende y apaga el instrumento.
- D **Entrada de alimentación de CA:** Conexión del cable de alimentación.

Compartimento de consumibles

El compartimento de consumibles contiene el cartucho para un experimento de secuenciación.

Figura 4 Compartimento de consumibles cargado



- A **Cartucho:** Contiene la celda de flujo, la biblioteca y los reactivos y recoge los reactivos utilizados durante el experimento.
- B **Bandeja:** Alberga el cartucho durante la secuenciación.
- C **Puerta:** Se abre en un ángulo de 60 grados para acceder al compartimento de consumibles.

El software abre y cierra la puerta del compartimento y coloca el cartucho para la adquisición de imágenes. La puerta se abre por su parte inferior por las bisagras hacia la base del instrumento. No coloque objetos sobre la puerta abierta, ya que no se ha diseñado para utilizarse como estante.

Celda de flujo y cartucho de pruebas reutilizables

El instrumento se envía con la celda de flujo de pruebas reutilizable del sistema iSeq 100 y el cartucho de pruebas reutilizable del sistema iSeq 100 para su uso en las comprobaciones del sistema.

- ▶ Almacénelos en su embalaje original a temperatura ambiente.
- ▶ Reutilícelos hasta 36 veces o durante 5 años a partir de la fecha de fabricación, lo que ocurra primero.
 - ▶ Durante una comprobación del sistema, el software muestra el número restante de usos.
 - ▶ Reemplace los componentes de pruebas reutilizables que hayan caducado con el kit de pruebas del sistema iSeq 100.

Figura 5 Componentes de pruebas reutilizables



- A Celda de flujo de pruebas reutilizable
- B Cartucho de pruebas reutilizable

Los componentes de pruebas reutilizables tienen un aspecto similar al de los componentes de secuenciación proporcionados en el Reactivo i1 del sistema iSeq 100 y las orientaciones de carga son las mismas. Sin embargo, el cartucho de pruebas no contiene un depósito de bibliotecas y el componente de prueba tampoco incluye la composición química necesaria para realizar un experimento.

Software del sistema

El paquete de software del sistema incluye aplicaciones integradas que realizan experimentos de secuenciación y análisis en el instrumento.

- ▶ **iSeq Control Software:** Controla el funcionamiento del instrumento y ofrece una interfaz para configurar el sistema, configurar un experimento de secuenciación y supervisar las estadísticas del experimento conforme progresa la secuenciación.
- ▶ **Local Run Manager:** Define los parámetros de ejecución y el método de análisis antes de realizar la secuenciación. Después de la secuenciación, el análisis de datos integrado en el instrumento comenzará automáticamente.
 - ▶ El sistema se envía con DNA Amplicon, RNA Amplicon y los módulos de análisis de Generate FASTQ instalados.
 - ▶ El sistema también es compatible con los módulos de análisis DNA Enrichment and Resequencing, que se encuentran disponibles en las [páginas de asistencia de Local Run Manager](#).
 - ▶ Para obtener más información sobre Local Run Manager y los módulos de análisis, consulte la *Guía del software Local Run Manager* (n.º de documento 100000002702).
- ▶ **Análisis en tiempo real (RTA2):** Realiza análisis de imágenes y llamadas de bases durante el experimento. Para obtener más información, consulte [Resultados de secuenciación en la página 42](#).

- ▶ **Servicio de copia universal:** Copia los archivos de resultados de secuenciación de la carpeta de experimentos a BaseSpace Sequence Hub (si corresponde) y a la carpeta de resultados, donde puede acceder a ellos.

Análisis en tiempo real y Servicio de copia universal solo ejecutan procesos en segundo plano. Local Run Manager y el software de control pueden al usuario que introduzca información.

Información del sistema

El menú de software de control tiene una sección About (Acerca de) en la que puede ver la información de contacto de Illumina y la siguiente información del sistema:

- ▶ Número de serie
- ▶ Nombre de ordenador y dirección IP
- ▶ Versión del fragmento de la fórmula
- ▶ Recuento de experimentos

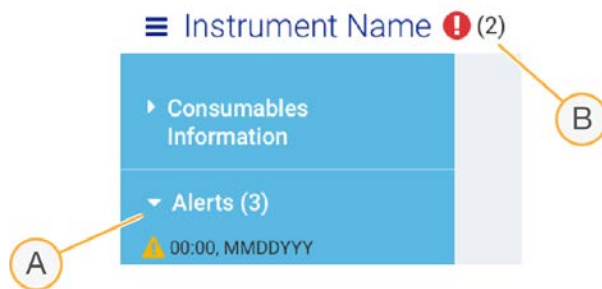
Notificaciones y alertas

Un icono aparece junto al nombre del instrumento para indicar notificaciones. Seleccione el icono para ver una lista de las notificaciones, que incluyen advertencias y errores.

- ▶ Es necesario prestar atención a las advertencias, aunque no hacen que se detenga un experimento ni es necesario hacer otra acción más que confirmar.
- ▶ Con los errores sí es necesario actuar antes de iniciar o continuar con el experimento.

Un panel en el lado izquierdo de las pantallas de configuración del experimento muestra alertas específicas de comprobaciones previas al experimento y de la carga del cartucho.

Figura 6 Ubicaciones en pantalla



- A Alertas de configuración del experimento
- B Otras notificaciones

Process Management (Gestión del proceso)

La pantalla Process Management (Gestión del proceso) muestra el espacio en disco duro (unidad D) y el estado del experimento, de manera que se identifica cada experimento por su nombre, ID y fecha. La pantalla se actualiza de manera automática cada tres minutos.

La columna Status (Estado) indica si el experimento está en curso o se ha finalizado, en función del procesamiento de los archivos BCL. En cada experimento, Process Management (Gestión del proceso) también muestra el estado de los procesos en segundo plano servicio de copia universal, BaseSpace Sequence Hub y Local Run Manager.

Los procesos no aplicables no aparecen en la pantalla. Por ejemplo, si un experimento no está conectado a BaseSpace Sequence Hub, la pantalla Process Management (Gestión del proceso) no mostrará el estado de BaseSpace para ese experimento.

- ▶ Para solucionar problemas con el estado, consulte *Estado de la gestión del proceso en la página 48*.
- ▶ Para eliminar experimentos y liberar espacio, consulte *Liberar espacio de disco duro en la página 34*.

Estado de Servicio de copia universal

El Servicio de copia universal muestra el estado de los archivos que se van a copiar en la carpeta de resultados:

- ▶ **In Progress** (En curso): El Servicio de copia universal está copiando archivos en la carpeta de resultados.
- ▶ **Complete** (Finalizado): El Servicio de copia universal ha copiado correctamente todos los archivos en la carpeta de resultados.

Estado de BaseSpace Sequence Hub

BaseSpace Sequence Hub muestra el estado de carga:

- ▶ **In Progress** (En curso): El software de control está cargando archivos en BaseSpace Sequence Hub.
- ▶ **Complete** (Finalizado): Se han cargado correctamente todos los archivos en BaseSpace Sequence Hub.

Estado de Local Run Manager

Local Run Manager muestra el estado del análisis en el software de control:

- ▶ **Not Started** (No iniciado): El análisis se pone en cola para comenzar o Local Run Manager está esperando a que termine el análisis en tiempo real.
- ▶ **In Progress** (En curso): Local Run Manager está analizando archivos. Consulte el software Local Run Manager para obtener un estado más detallado.
- ▶ **Stopped** (Detenido): El análisis se ha detenido, pero no se ha finalizado.
- ▶ **Complete** (Finalizado): Local Run Manager ha finalizado el análisis correctamente.

Para obtener más información sobre el estado del análisis, consulte el software Local Run Manager.

Reactivo i1 de iSeq 100

Para hacer un experimento en el sistema iSeq 100 hace falta el kit de reactivos i1 del sistema iSeq 100 de un solo uso. El kit está disponible en un solo tamaño (300 ciclos) y en dos paquetes:

- ▶ **Single** (Único): Incluye consumibles para un experimento.
- ▶ **Four-pack** (Paquete de cuatro): Incluye consumibles para cuatro experimentos.

Contenido y almacenamiento

El kit de reactivos i1 del sistema iSeq 100 incluye el cartucho y la celda de flujo para la secuenciación. Cuando reciba el kit:

- ▶ Durante los procedimientos de preparación de celdas de flujo y descongelación del cartucho, no abra el embalaje metálico blanco hasta que se le indique. El cartucho se descongela en la bolsa.
- ▶ Almacene rápidamente los componentes a las temperaturas indicadas para garantizar un rendimiento adecuado.
- ▶ Almacene los cartuchos con las etiquetas de los embalajes orientadas hacia arriba.

- ▶ Almacene los cartuchos durante al menos un día antes de descongelarlos en un baño de agua.

Tabla 1 Componentes del kit

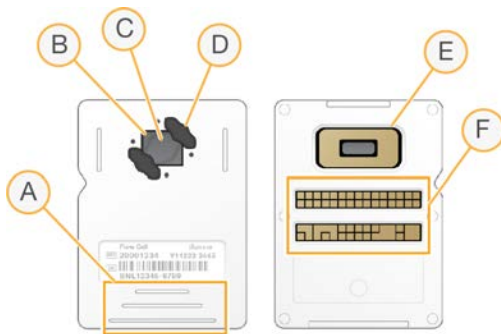
Paquete	Consumible	Cantidad	Temperatura de almacenamiento
Único	Cartucho	1	Entre -25 °C y -15 °C
	Celda de flujo	1	Entre 2 °C y 8 °C*
Paquete de cuatro	Cartucho	4	Entre -25 °C y -15 °C
	Celda de flujo	4	Entre 2 °C y 8 °C*

* Se envía a temperatura ambiente.

Ambos consumibles tienen identificadores para su seguimiento y para garantizar la compatibilidad. El cartucho utiliza tecnología de seguimiento de identificación de radiofrecuencia (RFID). La celda de flujo utiliza una interfaz eléctrica: memoria de solo lectura programable y borrable por medios electrónicos (EEPROM).

Celda de flujo

La celda de flujo i1 del sistema iSeq 100 es una celda de flujo con un único carril en tramas incorporado a un sensor óptico semiconductor de óxido de metal complementario (CMOS). Un cartucho de plástico alberga la celda de flujo basada en vidrio. Los puntos de agarre en relieve en dicho cartucho de plástico garantizan una manipulación segura.

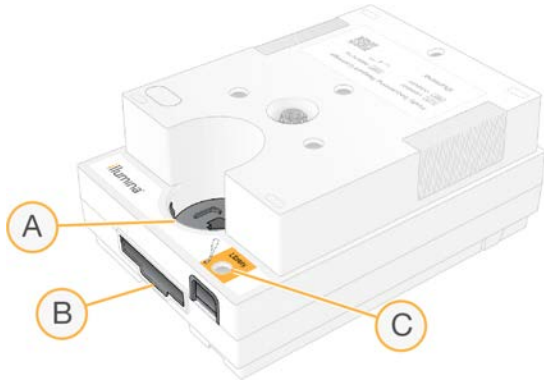


- A Puntos de agarre
- B Sensor CMOS (parte superior)
- C Área de adquisición de imágenes
- D Junta (una de las dos)
- E Sensor CMOS (parte inferior)
- F Interfaz eléctrica

Millones de nanopocillos cubren la superficie de la celda de flujo. Los grupos se generan en los nanopocillos desde los cuales se lleva a cabo posteriormente la reacción de secuenciación. La disposición en orden de los nanopocillos aumenta los datos y las lecturas de resultados. Durante la secuenciación, el sensor CMOS captura imágenes para su análisis.

Cartucho

El cartucho de reactivo i1 del sistema iSeq 100 viene precargado con reactivos de agrupación, secuenciación, "paired-end" y de indexado. El depósito con cierre metálico está reservado para las bibliotecas y dispone de una ranura en la parte frontal para la celda de flujo. La luz del iluminador alcanza la celda de flujo a través de la ventana de acceso en la parte superior del cartucho.



- A Ventana de acceso
- B Ranura de la celda de flujo
- C Depósito de bibliotecas

El cartucho contiene todos los consumibles necesarios para un experimento: reactivos, biblioteca y celda de flujo. La biblioteca y la celda de flujo se cargan en el cartucho descongelado, que posteriormente se carga en el instrumento. Una vez iniciado el experimento, los reactivos y la biblioteca se transfieren de forma automática del cartucho a la celda de flujo.

Un depósito en la cara inferior recoge los reactivos usados. El cartucho también contiene bombas, válvulas y toda la fluídica del sistema. Puesto que el cartucho se desecha después de realizar un experimento, no es necesario lavar el instrumento.



Número de ciclos admitido








La etiqueta de 300 ciclos del cartucho indica el número de ciclos que se analizan, no el número de ciclos que se lleva a cabo. La celda de flujo es compatible con cualquier número de ciclos y cualquier tipo de lectura.

El cartucho proporciona reactivos suficientes para hasta 322 ciclos de secuenciación. Los 322 ciclos incluyen 151 ciclos cada uno para la lectura 1 y la lectura 2, además de hasta diez ciclos para el índice 1 y el índice 2. Para obtener más información sobre el número de ciclos que secuenciar, consulte *Número de ciclos recomendado en la página 21*.

Descripción de símbolos

La siguiente tabla describe los símbolos que aparecen en los consumibles o el embalaje de los consumibles.

Símbolo	Descripción
	La fecha en que caduca el consumible. Para unos resultados óptimos, utilice el consumible antes de esta fecha.
	Indica el fabricante (Illumina).

Símbolo	Descripción
	La fecha de fabricación del consumible.
	El uso previsto es Solo para uso en investigaciones.
	Indica el número de referencia para poder identificar el consumible.*
	Indica el código de lote para identificar el lote en que se fabricó el consumible.*
	Indica si es necesario tomar medidas de precaución.
	Indica un peligro para la salud.
	Rango de temperatura de almacenamiento en grados Celsius. Almacena el consumible dentro del rango indicado.

* REF indica el componente individual; mientras que LOT identifica el lote al que pertenece el componente.

Capítulo 2 Primeros pasos

Primera configuración	11
Minimizar el software de control	12
Ajustes de configuración del experimento	12
Personalización del instrumento	15
Configuración de red	16
Consumibles y equipos proporcionados por el usuario	18

Primera configuración

La primera vez que enciende el sistema, el software de control se inicia con una serie de pantallas que le guían por la primera configuración. En la primera configuración se incluye una comprobación del sistema para confirmar el rendimiento del instrumento y la configuración del sistema.

Si desea modificar la configuración del sistema tras la primera configuración, seleccione el comando System Settings (Configuración del sistema) en el software de control. El comando abre las fichas Settings (Configuración), Network Access (Acceso a la red) y Customization (Personalización), desde las que podrá acceder a todas las configuraciones del software de control y de la red de Windows.

Cuentas del sistema operativo

El sistema operativo Windows tiene dos cuentas: una cuenta de administrador (sbsadmin) y una cuenta de usuario (sbsuser).

La cuenta de administrador está pensada para realizar tareas de TI, actualizaciones de sistema e instalación del software de control, de los módulos de análisis de Local Run Manager y de otro software. Lleve a cabo el resto de funciones, incluida la secuenciación, con la cuenta de usuario.

Requisitos de las contraseñas

El sistema operativo le solicitará que cambie la contraseña para ambas cuentas, sbsadmin y sbsuser, en el primer inicio de sesión. Actualice cada contraseña cada 180 días, cuando se le solicite.

Tabla 2 Políticas de contraseña predeterminadas

Política	Ajuste
Aplicar historial de contraseñas	Cinco contraseñas almacenadas en memoria
Umbral de bloqueo	Diez intentos de inicio de sesión fallidos
Longitud mínima de la contraseña	Diez caracteres
La contraseña debe cumplir los requisitos de complejidad	Desactivado
Guardar las contraseñas con cifrado reversible	Desactivado

Experimentos de validación

De manera opcional, realice un experimento de validación antes de llevar a cabo la secuenciación de bibliotecas experimentales por primera vez. El experimento de validación secuencia un 100 % de PhiX, que funciona como biblioteca de control, para confirmar el funcionamiento del sistema. Para obtener instrucciones, consulte [Secuenciación en la página 20](#).

Minimizar el software de control

Minimice el software de control para acceder a otras aplicaciones. Por ejemplo, para buscar la carpeta de salida en el explorador de archivos o buscar una hoja de muestras.

- 1 Deslice el dedo hacia arriba en la pantalla táctil para abrir la barra de tareas de Windows.
- 2 Seleccione el icono del **sistema iSeq 100** o de otra aplicación.
El software de control se minimiza.
- 3 **[Opcional]** Conecte un teclado y un ratón al instrumento para facilitar la navegación y la escritura fuera del software de control.
- 4 Para maximizar el software de control, deslice el dedo hacia arriba y seleccione el **sistema iSeq 100**.

Ajustes de configuración del experimento

Establezca las opciones para configuración de experimentos, supervisión de experimentos y análisis de datos en la ficha Settings (Configuración) de System Settings (Configuración del sistema). Esta ficha muestra la configuración rápida recomendada, que podrá aplicar si selecciona la opción de configuración rápida. Otra posibilidad es seleccionar la opción de configuración manual para personalizar la configuración.

Si elige la configuración rápida se aplicará la siguiente configuración y se enviarán a BaseSpace Sequence Hub los archivos InterOp, los archivos de registro y los datos de rendimiento del instrumento:

- ▶ **Asistencia del servicio de supervisión proactiva de Illumina:** Facilite la solución de problemas y la detección de posibles fallos, permitiendo un mantenimiento proactivo y maximizando el tiempo de actividad del instrumento. Si activa la Asistencia del servicio de supervisión proactiva de Illumina, se enviarán a BaseSpace Sequence Hub los datos de rendimiento del instrumento (no los datos de secuenciación). Para obtener más información, consulte la *Nota técnica del servicio de supervisión proactiva de Illumina (n.º de documento 1000000052503)*.
- ▶ **Local Run Manager:** Use el software Local Run Manager para crear experimentos y analizar los datos de los experimentos para obtener un flujo de trabajo simple y optimizado. No se requieren hojas de muestras ni aplicaciones de análisis independientes.
- ▶ **Remote Run Monitoring:** Use BaseSpace Sequence Hub para la supervisión remota de los experimentos.
- ▶ **Run Analysis, Collaboration, and Storage:** Use BaseSpace Sequence Hub para almacenar y analizar datos de experimentos y colaborar con sus colegas.



NOTA

Local Run Manager inicia automáticamente los análisis cuando se completa el experimento. No obstante, también puede analizar los datos en BaseSpace Sequence Hub.

Aplicar configuración rápida

La configuración rápida reemplaza la configuración de experimento actual con la configuración de experimento recomendada y la configuración localizada para BaseSpace Sequence Hub. Para estas opciones hace falta una conexión a Internet y una cuenta de BaseSpace Sequence Hub. Para obtener instrucciones sobre la configuración de la cuenta, consulte la *ayuda en línea de BaseSpace Sequence Hub (n.º de documento 1000000009008)*.

- 1 En el menú del software de control, seleccione **System Settings** (Configuración del sistema).
- 2 En la ficha Settings (Configuración), seleccione **Use Express Settings** (Usar configuración rápida).

- 3 En la lista Set Region (Establecer región), seleccione la ubicación geográfica en la que reside el sistema o la ubicación más cercana al lugar en el que reside el sistema.
Esta opción garantiza que los datos se almacenen en la ubicación adecuada para BaseSpace Sequence Hub.
- 4 Si cuenta con una suscripción Enterprise, introduzca en el campo Enter Private Domain (Introducir dominio privado) el nombre del dominio (URL) utilizado para el inicio de sesión único en BaseSpace Sequence Hub.
Por ejemplo: <https://yourlab.basespace.illumina.com>.
- 5 Seleccione **Next** (Siguiente).
- 6 Revise las configuraciones. Para modificar una configuración:
 - a Seleccione **Edit** (Editar) para abrir la configuración.
 - b Modifique la configuración según sea necesario y, a continuación, seleccione **Next** (Siguiente).
 - c Seleccione **Next** (Siguiente) para continuar pasando por las pantallas subsiguientes.

En la pantalla Settings Review (Revisión de configuración) una marca de color verde señalará las configuraciones que estén activadas.
- 7 Seleccione **Save** (Guardar).
- 8 Para cerrar System Settings (Configuración del sistema), seleccione **Exit** (Salir).

Configuración manual

La configuración Manual le guía por cada pantalla de la ficha Settings (Configuración) para configurar los experimentos, con los siguientes requisitos:

- ▶ Si activa la Asistencia del servicio de supervisión proactiva de Illumina y BaseSpace Sequence Hub, será necesaria una conexión a Internet. También deberá tener una cuenta en BaseSpace Sequence Hub. Para obtener instrucciones sobre la configuración de la cuenta, consulte la *ayuda en línea de BaseSpace Sequence Hub* (n.º de documento 100000009008).
- ▶ Si usa BaseSpace Sequence Hub para análisis de datos con el sistema configurado para el modo Manual, necesitará una hoja de muestras. Para obtener más detalles, consulte *Requisitos de la hoja de muestras en la página 15*.

- 1 En el menú del software de control, seleccione **System Settings** (Configuración del sistema).
- 2 Seleccione **Set Up Manually** (Configurar manualmente).

- 3 Seleccione si desea activar o no la Asistencia del servicio de supervisión proactiva de Illumina:
 - ▶ Para activarla, seleccione la casilla de verificación **Turn on Illumina Proactive Support** (Activar la Asistencia del servicio de supervisión proactiva de Illumina).
 - ▶ Para desactivarla, anule la selección de la casilla de verificación **Turn on Illumina Proactive Support** (Activar la Asistencia del servicio de supervisión proactiva de Illumina).

El servicio envía a Illumina los datos de rendimiento del instrumento, como la temperatura y el tiempo de ejecución. Estos datos ayudan a Illumina a detectar posibles fallos y facilitan la solución de problemas. No se envían los datos del experimento. Para obtener más información, consulte la *Nota técnica del servicio de supervisión proactiva de Illumina* (n.º de documento 1000000052503).

- 4 Seleccione **Next** (Siguiente).

- 5 Elija si desea conectar los experimentos a BaseSpace Sequence Hub:
 - ▶ Para conectar los experimentos, seleccione una de las siguientes casillas de verificación:
 - ▶ **Turn on run monitoring from anywhere only** (Activar solo supervisión de experimentos desde cualquier lugar): Use BaseSpace Sequence Hub para la supervisión remota.
 - ▶ **Turn on run analysis, collaboration, and storage also** (Activar análisis, colaboración y también almacenamiento de experimentos): Use BaseSpace Sequence Hub para supervisión y análisis remotos.
 - ▶ Para desconectar los experimentos desactive las casillas de verificación **Turn on run monitoring from anywhere only** (Activar solo supervisión de experimentos desde cualquier lugar) ni **Turn on run analysis, collaboration, and storage also** (Activar análisis, colaboración y también almacenamiento de experimentos).

Cuando está conectado, el software de control envía a BaseSpace Sequence Hub los archivos InterOp y de registro. También se envían los datos de experimentos con la opción de análisis, colaboración y también almacenamiento de experimentos.
- 6 En la lista Set Region (Establecer región), seleccione la ubicación geográfica en la que reside el sistema o la ubicación más cercana al lugar en el que reside el sistema.
Esta opción garantiza que los datos se almacenen en la ubicación adecuada para BaseSpace Sequence Hub.
- 7 Si cuenta con una suscripción Enterprise, introduzca en el campo Enter Private Domain (Introducir dominio privado) el nombre del dominio (URL) utilizado para el inicio de sesión único en BaseSpace Sequence Hub.
Por ejemplo: <https://yourlab.basespace.illumina.com>.
- 8 Seleccione **Next** (Siguiente).
- 9 Elija si integrar o no el software de control con Local Run Manager:
 - ▶ Para crear experimentos y analizar los datos en Local Run Manager, seleccione **Use Local Run Manager** (Usar Local Run Manager).
 - ▶ Para crear experimentos en el software de control y analizar los datos en otra aplicación, seleccione **Use Manual Mode** (Usar el modo Manual).

Local Run Manager ofrece el flujo de trabajo más optimizado, pero no es una función del software de control. Se trata de un software integrado para registrar las muestras para secuenciar, crear experimentos y analizar los datos. Antes de iniciar la secuenciación, consulte la *Guía del software Local Run Manager* (n.º de documento 1000000002702).
- 10 Seleccione **Next** (Siguiente).
- 11 Revise las configuraciones. Para modificar una configuración:
 - a Seleccione **Edit** (Editar) para abrir la configuración.
 - b Modifique la configuración según sea necesario y, a continuación, seleccione **Next** (Siguiente).
 - c Seleccione **Next** (Siguiente) para continuar pasando por las pantallas subsiguientes.

En la pantalla Settings Review (Revisión de configuración) una marca de color verde señalará las configuraciones que estén activadas.
- 12 Seleccione **Save** (Guardar).
- 13 Para cerrar System Settings (Configuración del sistema), seleccione **Exit** (Salir).

Requisitos de la hoja de muestras

Cuando el sistema se configura para el modo manual y se analizan los datos en BaseSpace Sequence Hub, hace falta una hoja de muestras para cada experimento. Cree una hoja de muestras editando la *plantilla de hoja de muestras del sistema iSeq 100 para el modo manual* y, a continuación, importándola en el software de control durante la configuración del experimento. Después de importar, el software cambia automáticamente el nombre de la hoja de muestras a **SampleSheet.csv**.

Descargue la plantilla de hoja de muestras desde las páginas de asistencia del sistema de secuenciación iSeq 100: [Plantilla de hoja de muestras del sistema iSeq 100 para el modo manual](#).



PRECAUCIÓN

Introduzca las secuencias de los adaptadores Index 2 (Índice 2) (i5) en la orientación correcta para el sistema de secuenciación iSeq 100. Para obtener instrucciones sobre los índices, consulte el documento sobre *secuencias de los adaptadores de Illumina (n.º de documento 1000000002694)*.

También hace falta una hoja de muestras cuando el sistema se configura para el modo Local Run Manager. No obstante, Local Run Manager crea la hoja de muestras y la guarda en la ubicación apropiada. Para todas las demás circunstancias, la hoja de muestras es opcional.

Personalización del instrumento

Asigne un nombre a su instrumento y configure el audio, las imágenes de vistas en miniatura y las actualizaciones de software en la ficha Customization (Personalización) de System Settings (Configuración del sistema).

Asignar nombre al instrumento

- 1 En el menú del software de control, seleccione **System Settings** (Configuración del sistema).
- 2 Seleccione la ficha Customization (Personalización).
- 3 En el campo Instrument Nickname (Sobrenombre del instrumento), introduzca el nombre de instrumento deseado.
El nombre aparecerá en la parte superior de cada pantalla.
- 4 Seleccione **Save** (Guardar).
- 5 Para cerrar System Settings (Configuración del sistema), seleccione **Exit** (Salir).

Activar o desactivar audio

- 1 En el menú del software de control, seleccione **System Settings** (Configuración del sistema).
- 2 Seleccione la ficha Customization (Personalización).
- 3 Elija si desea silenciar el sistema:
 - ▶ Para desactivar el sonido, seleccione **Off** (Desactivar).
 - ▶ Para activar el sonido, seleccione **On** (Activar).
- 4 Seleccione **Save** (Guardar).
- 5 Para cerrar System Settings (Configuración del sistema), seleccione **Exit** (Salir).

Guardar vistas en miniatura

- 1 En el menú del software de control, seleccione **System Settings** (Configuración del sistema).

- 2 Seleccione la ficha Customization (Personalización).
 - 3 Elija si desea guardar las imágenes de vistas en miniatura:
 - ▶ Si desea guardar todas las vistas en miniatura, marque la casilla de verificación **Save all thumbnail images** (Guardar todas las imágenes de vistas en miniatura).
 - ▶ Si no desea guardar las vistas en miniatura, desactive la casilla de verificación **Save all thumbnail images** (Guardar todas las imágenes de vistas en miniatura).
- Guardar las imágenes de las vistas en miniatura ayuda a la hora de solucionar problemas, pero aumenta levemente el tamaño del experimento. De forma predeterminada, se guardan todas las imágenes de las vistas en miniatura.
- 4 Seleccione **Save** (Guardar).
 - 5 Para cerrar System Settings (Configuración del sistema), seleccione **Exit** (Salir).

Configurar actualizaciones de software

El sistema puede comprobar automáticamente si hay actualizaciones de software disponibles y descargarlas para que se instalen, o bien puede comprobarlo el usuario de manera manual. Para obtener más información, consulte [Actualizaciones de software en la página 34](#).

- 1 En el menú del software de control, seleccione **System Settings** (Configuración del sistema).
 - 2 Seleccione la ficha Customization (Personalización).
 - 3 Seleccione si desea que el sistema compruebe automáticamente la existencia de actualizaciones de software:
 - ▶ Para que el sistema lo compruebe automáticamente, seleccione la casilla de verificación **Autocheck for software updates** (Comprobar automáticamente las actualizaciones de software).
 - ▶ Para comprobar las actualizaciones manualmente, anule la selección de la casilla de verificación **Autocheck for software updates** (Comprobar automáticamente las actualizaciones de software).
- La comprobación automática necesita conexión a Internet.
- 4 Seleccione **Save** (Guardar).
 - 5 Para cerrar System Settings (Configuración del sistema), seleccione **Exit** (Salir).

Configuración de red

Para que el sistema funcione y para transferir datos solo hace falta una conexión WiFi o Ethernet con la configuración de red predeterminada. No hace falta actualizar esta configuración a menos que su organización tenga requisitos de red personalizados. Si es así, consúltelo con su representante de TI para obtener ayuda sobre cómo cambiar la configuración de red predeterminada.

En la *guía de preparación del centro para el sistema de secuenciación iSeq 100* (n.º de documento 1000000035337), se ofrecen directrices sobre los ajustes de red y la seguridad del ordenador de control.

Especificar la ubicación de la carpeta de resultados

El Servicio de copia universal copia los archivos de resultados de secuenciación de la carpeta de experimentos a BaseSpace Sequence Hub (cuando corresponda) y a la carpeta de resultados, donde puede acceder a ellos.

A menos que el sistema se haya configurado para la monitorización, el análisis, la colaboración y el almacenamiento del experimento en BaseSpace Sequence Hub, es necesario especificar una carpeta de resultados. Si no se especifica una carpeta de resultados, el Servicio de copia universal copiará los archivos a D:\SequencingRuns.

- 1 En el menú del software de control, seleccione **System Settings** (Configuración del sistema).
- 2 Seleccione la ficha Network Access (Acceso a la red).
- 3 En el campo Output Folder (Carpeta de resultados), introduzca una ubicación predeterminada para la carpeta de resultados o seleccione **Browse** (Examinar) para desplazarse a una ubicación.
 - ▶ **Internal drive** (Unidad interna): Introduzca una ubicación de la unidad D. No hay suficiente espacio en la unidad C.
 - ▶ **External drive** (Unidad externa): Introduzca la ubicación de una unidad USB conectada al instrumento.
 - ▶ **Network location** (Ubicación de red): Introduzca una ubicación de red.

Puede cambiar la ubicación predeterminada para cada experimento.
- 4 Continúe del modo indicado a continuación.
 - ▶ Si ha especificado una ubicación de unidad interna o externa, seleccione **Save** (Guardar) y, a continuación, **Exit** (Salir) para guardar la ubicación y cerrar System Settings (Configuración del sistema).
 - ▶ Si ha especificado una ubicación de red, continúe con los pasos 5–8 para conectar el Servicio de copia universal a una cuenta que tenga acceso a la ubicación especificada.
- 5 En Universal Copy Service (Servicio de copia universal), seleccione un tipo de cuenta:
 - ▶ **Local System Account** (Cuenta de sistema local): La carpeta de resultados reside en un directorio accesible con una cuenta local, que tiene acceso a la mayoría de las ubicaciones locales.
 - ▶ **Network Account** (Cuenta de red): La carpeta de resultados reside en un directorio que requiere credenciales de inicio de sesión.

Esta configuración se aplica a la ubicación predeterminada de la carpeta de resultados y a cualquier ubicación que se especifique durante la configuración del experimento.
- 6 Si ha seleccionado Network Account (Cuenta de red), introduzca el nombre de usuario y la contraseña de la cuenta.
- 7 Seleccione **Save** (Guardar).
- 8 Para cerrar System Settings (Configuración del sistema), seleccione **Exit** (Salir).

Conectarse a Internet

Configure una conexión a Internet WiFi o Ethernet en la configuración de red e Internet de Windows, que puede abrir desde el software de control. La conexión a Ethernet predeterminada transfiere los datos de forma más fiable.

- 1 En el menú del software de control, seleccione **System Settings** (Configuración del sistema).
- 2 Seleccione la ficha Network Access (Acceso a la red).
- 3 Seleccione **Network Configuration** (Configuración de red) para minimizar el software de control y abrir la configuración de red e Internet de Windows.
- 4 Configure una conexión WiFi o Ethernet.
 - ▶ Si está configurando WiFi, cambie la opción del adaptador a **Wi-Fi**.
 - ▶ Para obtener instrucciones de configuración detalladas, consulte la ayuda de Windows 10 en el sitio web de Microsoft.

- 5 Una vez finalizada la configuración, cierre la configuración de Windows y maximice el software de control.
- 6 En la ficha Network Access (Acceso a la red), seleccione **Save** (Guardar).
- 7 Para cerrar System Settings (Configuración del sistema), seleccione **Exit** (Salir).

Conectarse a un servidor proxy

- 1 Minimice el software de control.
- 2 En Windows Start (Inicio de Windows), abra el cuadro de diálogo Run (Ejecutar).
- 3 Escriba **cmd** y, a continuación, seleccione **OK** (Aceptar).
- 4 Escriba los siguientes comandos:


```
C:\windows\System32\bitsadmin.exe /Util /SetIEProxy LocalSystem Manual_proxy http://<servidorproxy>:<puertoproxy> NULL
```
- 5 Sustituya `http://<servidorproxy>:<puertoproxy>` por la dirección de su servidor proxy y su puerto de proxy, y `NULL` por cualquier bypass.
- 6 Pulse Intro para ejecutar el comando.
- 7 Apague y encienda el instrumento. Para obtener instrucciones, consulte *Ciclo de apagado y encendido del instrumento* en la página 49.

Consumibles y equipos proporcionados por el usuario

Los siguientes equipos y consumibles suministrados por el usuario se utilizan para la secuenciación, el mantenimiento y la solución de problemas.

Consumibles para secuenciación

Consumible	Proveedor	Finalidad
Guantes desechables sin talco	Proveedor de laboratorio general	Usos múltiples.
Reactivo i1 de iSeq 100	llumina, n.º de catálogo: <ul style="list-style-type: none"> • 20021533 (individual) • 20021534 (paquete de cuatro) 	Los reactivos y la celda de flujo necesarios para un experimento.
Microtubos, 1,5 ml	Tubos de baja adherencia de Fisher Scientific, n.º de catálogo 14-222-158 (o equivalente)	Dilución de bibliotecas para la concentración de carga.
Papel absorbente	Proveedor de laboratorio general	Secado del cartucho tras un baño de agua.
Puntas de pipeta (20 µl)	Proveedor de laboratorio general	Dilución y carga de bibliotecas.
Puntas de pipeta (100 µl)	Proveedor de laboratorio general	Dilución y carga de bibliotecas.
Tampón de resuspensión (RSB)	llumina, proporcionado con los kits de preparación de bibliotecas	Dilución de bibliotecas para la concentración de carga.
[Opcional] 10 mM de Tris-HCl pH 8,5	Proveedor de laboratorio general	Substitución del RSB para diluir las bibliotecas a la concentración de carga.
[Opcional] Control PhiX v3	llumina, n.º de catálogo FC-110-3001	Realización de un experimento solo de PhiX o una adición en un control PhiX.

Consumibles para mantenimiento y solución de problemas

Consumible	Proveedor	Finalidad
Toallitas con lejía, 10 %	WWR, n.º de catálogo 16200-218 (o equivalente)	Descontaminación del instrumento y limpieza de superficies de trabajo.
Guantes desechables sin talco	Proveedor de laboratorio general	Usos múltiples.
Almohadilla de bandeja para gotas de repuesto de i1 del sistema iSeq 100 ¹	llumina, n.º de catálogo 20023927	Revestimiento de la bandeja para gotas para absorber cualquier líquido que se fugue.
Filtro de aire de repuesto de i1 del sistema iSeq 100 ¹	llumina, n.º de catálogo 20023928	Sustitución del filtro de aire cada seis meses.
Kit de pruebas ² del sistema iSeq 100	llumina, n.º de catálogo 20024141	Realización de una comprobación del sistema.
Paños humedecidos en alcohol isopropilo al 70 %	WWR, n.º de catálogo 95041-714 (o equivalente)	Limpieza del instrumento y de la celda de flujo de pruebas reutilizable.
Toallita de laboratorio sin pelusa	WWR, n.º de catálogo 21905-026 (o equivalente)	Secado de la bandeja para gotas y de la celda de flujo de pruebas reutilizable.
Papel absorbente	Proveedor de laboratorio general	Secado de líquido alrededor del instrumento.
[Opcional] Solución de lejía, 10 %	WWR, n.º de catálogo 16003-740 (32 oz), 16003-742 (16 oz) (o equivalente)	Limpieza de superficies de trabajo después de la descontaminación.
[Opcional] Paños humedecidos en etanol, 70 %	Fisher Scientific, n.º de catálogo 19-037-876 (o equivalente)	Sustituto de los paños humedecidos en alcohol isopropilo para limpiar el instrumento y la celda de flujo reutilizable.

¹ El instrumento incluye un componente montado de serie y otro de repuesto. Si no está en periodo de garantía, los repuestos los debe suministrar el usuario. Conserve los componentes en el envase hasta que los utilice.

² Sustituye a los componentes de pruebas reutilizables suministrados con el instrumento cuando estos caducan al cabo de 5 años o 36 usos.

Equipo

Elemento	Proveedor	Finalidad
Congelador, entre -25 °C y -15 °C	Proveedor de laboratorio general	Almacenamiento del cartucho.
Hielera	Proveedor de laboratorio general	Reserva de las bibliotecas.
Pipeta (10 µl)	Proveedor de laboratorio general	Dilución de bibliotecas para la concentración de carga.
Pipeta (20 µl)	Proveedor de laboratorio general	Dilución de bibliotecas para la concentración de carga.
Pipeta (100 µl)	Proveedor de laboratorio general	Dilución de bibliotecas para la concentración de carga.
Refrigerador, entre 2 °C y 8 °C	Proveedor de laboratorio general	Almacenamiento de la celda de flujo.
[Opcional] Teclado	Proveedor de laboratorio general	Complemento del teclado que aparece en pantalla.
[Opcional] Ratón	Proveedor de laboratorio general	Complemento de la interfaz de la pantalla táctil.
[Opcional] Baño de agua	Proveedor de laboratorio general	Descongelación del cartucho.

Capítulo 3 Secuenciación

Introducción	20
Descongelar el cartucho en bolsa	21
Preparar la celda de flujo y las bibliotecas	22
Cargar consumibles en el cartucho	24
Configurar un experimento de secuenciación (Local Run Manager)	26
Configurar un experimento de secuenciación (modo Manual)	30

Introducción

La generación de grupos, su secuenciación y análisis comprenden la secuenciación en el sistema de secuenciación iSeq 100. Cada paso se lleva a cabo de manera automática durante un experimento de secuenciación. En función de la configuración del sistema, se llevan a cabo más análisis fuera del instrumento después de haber finalizado el experimento.

- ▶ **Generación de grupos**—La biblioteca se desnaturaliza de manera automática en cadenas individuales y se diluye posteriormente en el instrumento. Durante la generación de grupos, las moléculas únicas de ADN se unen a la superficie de la celda de flujo y se amplifican para formar grupos.
- ▶ **Secuenciación:** Se adquieren imágenes de los grupos con composiciones químicas de un solo colorante, los cuales utilizan una etiqueta fluorescente y dos ciclos de adquisición de imágenes para codificar los datos para los cuatro nucleótidos. El primer ciclo de imágenes detecta la adenina (A) y la timina (T). A continuación, un ciclo químico separa el colorante de la A y a la vez añade un colorante similar a la citosina (C). El segundo ciclo de adquisición imágenes detecta la C y la T. Tras este segundo ciclo, el software Real-Time Analysis realiza una llamada de bases, un filtrado y una puntuación de calidad. Este proceso se repite para cada ciclo de secuenciación. Para obtener más información sobre el proceso químico con un colorante, consulte *Llamada de bases en la página 45*.
- ▶ **Análisis:** A medida que el experimento avanza, el software de control transfiere de forma automática archivos de llamada de bases (*.bcl) a la ubicación de salida especificada para el análisis de los datos. El método de análisis de datos depende de la configuración del sistema y de la aplicación.

Concentración y volumen de carga

El volumen de carga es de 20 µl. La concentración de carga varía según el tipo de biblioteca.

Tipo de biblioteca	Concentración de carga (pM)
100 % de PhiX	60
AmpliSeq Library PLUS for Illumina	50
Nextera DNA Flex	200
Nextera Flex for Enrichment	100
TruSeq DNA Nano	100
TruSeq DNA PCR-Free	100

Para otros tipos de biblioteca, Illumina recomienda 50 pM como concentración de carga inicial. Optimice esta concentración en los experimentos subsiguientes para identificar una concentración de carga que produzca, de manera uniforme, datos que cumplan con las especificaciones.

Las concentraciones de carga demasiado altas o demasiado bajas tienen como resultado agrupaciones y mediciones de experimentos deficientes. Para obtener más información, consulte la *Guía de descripción general de optimización de grupos (n.º de documento 1000000071511)*.

Número de ciclos recomendado

Para cada lectura, introducir un mínimo de 26 ciclos y un máximo de 151 ciclos ayudará a garantizar unos datos de calidad. El número exacto de ciclos dependerá del experimento.

En los números de ciclo mínimo y máximo se incluye un ciclo adicional. Añada siempre un ciclo a la longitud de lectura deseada para corregir los efectos de hebra retrasada y hebra adelantada. La longitud de lectura es el número de ciclos de **secuenciación** en la lectura 1 y la lectura 2, la cual excluye los ciclos adicionales y los ciclos de índices.

Ejemplo de configuración de experimento:

- ▶ Para una longitud de lectura de 36 ciclos (lectura individual), introduzca **37** en el campo Read 1 (lectura 1).
- ▶ Para una longitud de lectura de 150 ciclos por lectura ("paired-end"), introduzca **151** en el campo Read 1 (lectura 1) y **151** en el campo Read 2 (lectura 2).

Prácticas óptimas

- ▶ Cuando manipule reactivos y otras sustancias químicas, utilice gafas de seguridad, una bata de laboratorio y guantes sin talco. Cámbiese de guantes cuando se le solicite para evitar que se produzca una contaminación cruzada.
- ▶ Asegúrese de que cuenta con el equipo y los consumibles necesarios antes de iniciar un protocolo. Consulte *Consumibles y equipos proporcionados por el usuario en la página 18*.
- ▶ Siga los protocolos en el orden mostrado, con los volúmenes, las temperaturas y las duraciones que se especifiquen.
- ▶ A menos que se haya especificado un punto de parada, continúe inmediatamente con el siguiente paso.

Descongelar el cartucho en bolsa

- 1 Si va a descongelar el cartucho con un baño de agua, almacénelo a una temperatura entre $-25\text{ }^{\circ}\text{C}$ y $-15\text{ }^{\circ}\text{C}$ durante al menos un día antes de descongelarlo. El baño de agua es el método de descongelación más rápido de los tres métodos descritos en el paso 5.



PRECAUCIÓN

Si se descongela un cartucho con un baño de agua directamente tras el envío, cuando se ha almacenado en hielo seco, puede afectar negativamente al rendimiento del cartucho.

- 2 Utilice un nuevo par de guantes sin talco.
- 3 Extraiga el cartucho almacenado a una temperatura entre $-25\text{ }^{\circ}\text{C}$ y $-15\text{ }^{\circ}\text{C}$.
- 4 Si el cartucho se encuentra en una caja, sáquelo de ella, pero **no abra la bolsa metálica blanca**.



- 5 Descongele el cartucho en bolsa con uno de los siguientes métodos. Úselo inmediatamente después de descongelarlo y no vuelva a congelarlo ni almacenarlo.

Método	Tiempo de descongelación	Instrucción
Baño de agua a una temperatura entre 20 °C y 25 °C	6 horas, no exceder las 18 horas	<ul style="list-style-type: none"> • Use 6 l de agua por cartucho. • Realice un baño de agua con temperatura controlada a 25 °C o mezcle agua caliente y fría para alcanzar de 20 °C a 25 °C. • Coloque la etiqueta de la bolsa hacia arriba, sumerja el cartucho por completo y aplique aproximadamente 2 kg de peso para evitar que flote. • No apile los cartuchos en el baño de agua a menos que sea de temperatura controlada.
Refrigerador, entre 2 y 8 °C	36 horas, no exceder las 72 horas	Coloque el cartucho de forma que la etiqueta quede hacia arriba y el aire pueda circular por todos los lados, incluida la parte inferior.
Aire a temperatura ambiente (entre 20 y 25 °C)	9 horas, no exceder las 18 horas	Coloque el cartucho de forma que la etiqueta quede hacia arriba y el aire pueda circular por todos los lados, incluida la parte inferior.

- 6 Si está mojado por el baño de agua, seque con papel absorbente.

Preparar la celda de flujo y las bibliotecas

Antes de cargar la celda de flujo y las bibliotecas en el cartucho, lleve la celda de flujo a temperatura ambiente, diluya las bibliotecas y realice una adición opcional de PhiX. Las bibliotecas se desnaturalizan de manera automática en el instrumento.

Las siguientes instrucciones de dilución se aplican a las bibliotecas de Illumina admitidas que sean de cadena doble. Realice siempre un análisis de control de calidad, optimice la concentración de carga en función del tipo de biblioteca y use un método de normalización que genere bibliotecas de cadena doble. La normalización basada en bolas que genera bibliotecas de una sola cadena no es compatible con la desnaturalización integrada.

Diluir biblioteca a 1 nM

- 1 Prepare la celda de flujo tal como se explica a continuación.
 - a Extraiga una nueva celda de flujo de su almacenamiento a una temperatura de entre 2 °C y 8 °C.
 - b Deje reposar el paquete sin abrir a temperatura ambiente durante un periodo de entre 10 y 15 minutos para evitar la condensación.

Si se prepara ahora la celda de flujo, se asegura que alcance la temperatura ambiente a tiempo.
- 2 Retire el tampón de resuspensión (RSB) de su almacenamiento a unas temperaturas entre -25 °C y -15 °C. Otra posibilidad es utilizar 10 mM de Tris-HCl, pH 8,5 en lugar del RSB.
- 3 **[Opcional]** Retire el control PhiX a 10 nM preparado del almacenamiento con unas temperaturas comprendidas entre -25 °C y -15 °C.
Solo se requiere PhiX para una adición opcional o si se va a realizar un experimento solo de PhiX.
- 4 Descongele el RSB y el PhiX opcional a temperatura ambiente durante 10 minutos.

- 5 Si usa el RSB como diluyente, prepare el volumen aplicable de biblioteca a 1 nM en un microtubo de **baja adherencia**:

Tipo de biblioteca	Volumen de biblioteca a 1 nM que preparar (µl)
100 % de PhiX (para un experimento solo de PhiX)	8
AmpliSeq Library PLUS for Illumina	7
Nextera DNA Flex	25
Nextera Flex for Enrichment	12
TruSeq DNA Nano	12
TruSeq DNA PCR-Free	12

La dilución de bibliotecas en microtubos de baja adherencia es fundamental para una secuenciación correcta.

- 6 Agite en vórtice brevemente y, a continuación, centrifugue a 280 × g durante un minuto.
- 7 **[Opcional]** Almacene una biblioteca a 1 nM a unas temperaturas entre -25 °C y -15 °C durante un periodo de un mes como máximo.

Diluir biblioteca a 1 nM para la concentración de carga

- 1 Combine los volúmenes siguientes en un microtubo de baja adherencia para preparar 100 µl de biblioteca diluida con la concentración de carga correspondiente:

Tipo de biblioteca*	Concentración de carga (pM)	Volumen de biblioteca a 1 nM (µl)	Volumen de RSB (µl)
100 % de PhiX	60	6	94
AmpliSeq Library PLUS for Illumina	50	5	95
Nextera DNA Flex	200	20	80
Nextera Flex for Enrichment	100	10	90
TruSeq DNA Nano	100	10	90
TruSeq DNA PCR-Free	100	10	90

* En el caso de tipos de biblioteca que no se encuentren en la lista, incluidas otras bibliotecas de Nextera, comience con una concentración de carga de 50 pM y optimícela en experimentos posteriores.

En esta tabla se proporcionan ejemplos de concentraciones de carga. El sistema iSeq 100 es compatible con todos los kits de preparación de bibliotecas de Illumina excepto SureCell WTA 3', pero la concentración de carga óptima puede variar.

- 2 Agite en vórtice brevemente y, a continuación, centrifugue a 280 × g durante un minuto.
- 3 Reserve la biblioteca diluida en hielo para la secuenciación. Secuencie las librerías diluidas a la concentración de carga el mismo día en que se diluyen.
- 4 Si **no** va a añadir PhiX o si el experimento es solo de PhiX, omita la siguiente sección y pase a **Cargar consumibles en el cartucho en la página 24**.

Añadir un control PhiX (opcional)

PhiX es una biblioteca de Illumina, pequeña y lista para usar, con una representación equilibrada de nucleótidos. Con una adición opcional del 2 % de PhiX a su biblioteca, podrá obtener más mediciones. En el caso de bibliotecas de poca diversidad, se recomienda una adición opcional del 5 % para aumentar la diversidad de la base.



NOTA

Una adición opcional de solo el 1 % es eficaz para obtener más mediciones, pero complica el pipeteo.

- 1 Combine los siguientes volúmenes en un microtubo de baja adherencia para preparar 50 µl de PhiX a 1 nM:
 - ▶ PhiX a 10 nM (5 µl)
 - ▶ RSB (45 µl)
- 2 Agite en vórtice brevemente y, a continuación, centrifugue a 280 × g durante un minuto.
- 3 **[Opcional]** Almacene PhiX a 1 nM a unas temperaturas entre –25 °C y –15 °C durante un periodo de un mes como máximo.
- 4 Combine los volúmenes siguientes en un microtubo de baja adherencia para diluir PhiX con la misma concentración de carga que la biblioteca, por ejemplo:

Concentración de carga de PhiX (pM)	Volumen de PhiX a 1 nM (µl)	Volumen de RSB (µl)
50	5	95
100	10	90
200	20	80

- 5 Combinar PhiX y biblioteca:
 - ▶ Para una adición opcional del 2 % añada 2 µl de PhiX diluido a 100 µl de biblioteca diluida.
 - ▶ Para una adición opcional del 5% añada 5 µl de PhiX diluido a 100 µl de biblioteca diluida. El porcentaje de PhiX real varía en función de la calidad y la cantidad de la biblioteca.
- 6 Agite en vórtice brevemente y, a continuación, centrifugue a 280 × g durante un minuto.
- 7 Reserve la biblioteca con la adición de PhiX en hielo.

Cargar consumibles en el cartucho

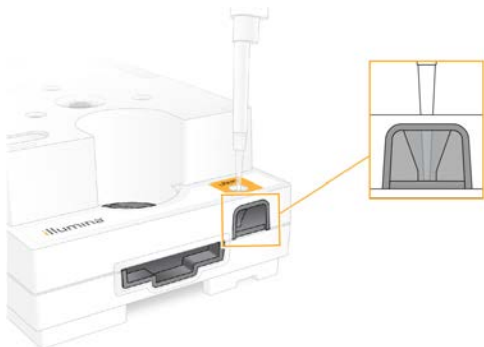
- 1 **[Opcional]** Para ver un vídeo de instrucciones sobre la preparación y carga de cartuchos, seleccione **Sequence** (Secuencia).
- 2 Abra la bolsa del cartucho por las ranuras.
- 3 Retire el cartucho de la bolsa y evite la ventana de acceso de la parte superior del cartucho. Deseche la bolsa.
- 4 Invierta el cartucho cinco veces para mezclar los reactivos. Los componentes internos pueden hacer ruido durante la inversión, pero es normal.
- 5 Golpee cinco veces el cartucho (con la etiqueta hacia arriba) en la mesa u otra superficie dura para asegurar la aspiración del reactivo.

Cargar biblioteca

- 1 Con una nueva punta de pipeta, perfora el depósito de bibliotecas y presione el cierre metálico hacia los extremos para agrandar el agujero.



- 2 Deseche la punta de pipeta para evitar la contaminación.
- 3 Añada 20 µl de biblioteca diluida en la *parte inferior* del depósito. Evite tocar el cierre metálico.

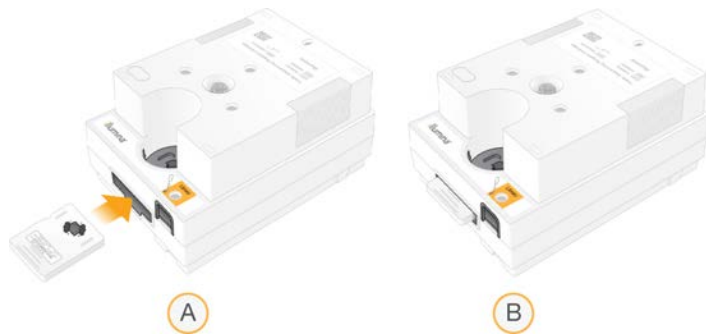


Cargar la celda de flujo

- 1 Abra el embalaje metálico blanco por las ranuras. Utilícela en un periodo de 24 horas como máximo desde su apertura.
- 2 Tire de la celda de flujo para extraerla del embalaje.
Toque solo el plástico cuando manipule la celda de flujo. Evite tocar la interfaz eléctrica, el sensor CMOS, el vidrio y las juntas a ambos lados del vidrio.



- 3 Sujete la celda de flujo por los puntos de agarre con la etiqueta orientada hacia arriba.
- 4 Inserte la celda de flujo en la ranura de la parte delantera del cartucho.
Oirá un clic que indica que la celda de flujo está en su sitio. Cuando se haya cargado correctamente, el agarre sobresaldrá del cartucho y el vidrio podrá verse desde la ventana de acceso.



- A Carga de la celda de flujo
- B Celda de flujo cargada

- 5 Deseche el embalaje como se indica a continuación.
 - a Retire el estuche del envase metálico.
 - b Retire el desecante del estuche protector.
 - c Recicle el estuche y deseche el envase metálico y el desecante.
- 6 Continúe, según si el sistema está integrado o no con Local Run Manager:
 - ▶ Si está usando Local Run Manager, siga las instrucciones de *Configurar un experimento de secuenciación (Local Run Manager)* en la página 26.
 - ▶ Si no está usando Local Run Manager, siga las instrucciones de *Configurar un experimento de secuenciación (modo Manual)* en la página 30.

Configurar un experimento de secuenciación (Local Run Manager)

La configuración de un experimento mediante Local Run Manager implica crear y guardar el experimento en Local Run Manager y, a continuación, volver al software de control para cargar los consumibles y seleccionar el experimento. Los datos se guardan en la carpeta de resultados especificada para su análisis, que llevará a cabo Local Run Manager automáticamente una vez se complete el experimento.

- 1 Abra Local Run Manager de forma local en el monitor del instrumento o de manera remota en otro ordenador:

Acceso	Abrir Local Run Manager
Local	En el menú del software de control, seleccione Local Run Manager y, a continuación, Open Local Run Manager (Abrir Local Run Manager).
Remoto	En el menú del software de control, seleccione About (Acerca de) para obtener la dirección IP del sistema. Desde un ordenador que se encuentre en la misma red que el instrumento, abra Local Run Manager en Chromium. Use la dirección IP del sistema para conectarse.

- 2 Si Chromium aparece en blanco en el monitor del instrumento, apáguelo y enciéndalo, y vuelva a iniciar la configuración del instrumento. Consulte *Ciclo de apagado y encendido del instrumento* en la página 49 para obtener instrucciones.
- 3 En Local Run Manager, cree y guarde el experimento.
 - ▶ Consulte la *Guía del software Local Run Manager (n.º de documento 1000000002702)* para obtener instrucciones.
 - ▶ Configure un experimento solo de PhiX para que no esté indexado.
 Local Run Manager envía automáticamente los experimentos guardados al software de control.

- 4 En el software de control, seleccione **Sequence** (Secuencia).
El software abre la puerta con un ángulo determinado, expulsa la bandeja e inicia la serie de pantallas de configuración del experimento.
- 5 **[Opcional]** Seleccione **Help** (Ayuda) para ver ventanas con indicaciones en pantalla.
Aparecen mensajes de ayuda en cada pantalla con indicaciones adicionales.

Cargar cartucho en el instrumento

- 1 Asegúrese de que el cartucho está descongelado y contiene la celda de flujo y la biblioteca diluida.
- 2 Coloque el cartucho en la bandeja de manera que la ventana de acceso esté orientada hacia arriba y la celda de flujo se encuentre dentro del instrumento. No presione el cartucho o la bandeja para introducirlos en el instrumento.



- 3 Seleccione **Close Door** (Cerrar puerta) para retraer el cartucho y cerrar la puerta.
Un panel aparece en el lado izquierdo de la pantalla para mostrar información de los consumibles escaneados.

Iniciar sesión en BaseSpace Sequence Hub

La pantalla de BaseSpace Sequence Hub aparece cuando el sistema se configura para la supervisión de un experimento o el almacenamiento y la supervisión de un experimento.

- 1 Para desconectar el experimento actual de BaseSpace Sequence Hub, seleccione **Skip BaseSpace Sequence Hub Sign In** (Omitir inicio de sesión en BaseSpace Sequence Hub).
Los datos de rendimiento del instrumento sí se envían a Illumina.
- 2 Para cambiar la conectividad del experimento actual, seleccione una opción de la configuración:
 - ▶ **Run Monitoring** (Solo supervisión del experimento): Envía solo los archivos InterOp a BaseSpace Sequence Hub para permitir su supervisión remota.
 - ▶ **Run Monitoring and Storage** (Almacenamiento y supervisión de experimentos): Envía los datos del experimento a BaseSpace Sequence Hub para permitir el análisis y la supervisión remota de los datos.
- 3 Introduzca sus credenciales de BaseSpace Sequence Hub (dirección de correo electrónico y contraseña) y, a continuación, seleccione **Sign In** (Iniciar sesión).
- 4 Si aparece la lista Available Workgroups (Grupos de trabajo disponibles), seleccione un grupo de trabajo para cargar los datos del experimento.
La lista aparece cuando el usuario pertenece a varios grupos de trabajo.
- 5 Seleccione **Run Setup** (Configuración del experimento).

Seleccionar un experimento

- 1 Si aparece la pantalla de inicio de sesión de Local Run Manager, introduzca su nombre de usuario y contraseña, y, a continuación, seleccione **Log In** (Iniciar sesión).
Esta pantalla aparece si se ha configurado Local Run Manager para que solicite el inicio de sesión. De forma predeterminada, el inicio de sesión no es necesario.
- 2 Seleccione un experimento de la lista Run Name (Nombre del experimento), en la que se recogen los experimentos que se han guardado en Local Run Manager.
 - ▶ Para ver una lista actualizada, seleccione **Refresh** (Actualizar).
 - ▶ Si la lista está vacía, seleccione **Open Local Run Manager** (Abrir Local Run Manager) para crear un experimento.

Al seleccionar Open Local Run Manager (Abrir Local Run Manager), se minimiza el software de control y se abre Local Run Manager en Chromium.
- 3 Si abandonó el software de control para crear un experimento, vuelva a él y seleccione dicho experimento. Haga clic en **Refresh** (Actualizar) para ver una lista actualizada.
- 4 **[Opcional]** Seleccione **Edit** (Editar) y modifique los parámetros del experimento:
 - a Para cambiar el tipo de lectura, seleccione **Single Read** (Lectura única) o **Paired End**.
 - b Para cambiar el ciclo de lectura, introduzca entre **26** y **151** ciclos cada vez para la lectura 1 y la lectura 2. Añada un ciclo al número de ciclos deseado.
 - c Para cambiar la carpeta de resultados del experimento actual, introduzca la ruta a la ubicación o seleccione **Browse** (Examinar) y vaya hasta ella.
 - d Seleccione **Save** (Guardar) para actualizar el experimento tanto en el software de control como en Local Run Manager.
- 5 Seleccione **Start Run** (Iniciar experimento) para iniciar la comprobación previa al experimento.

Revisar comprobaciones previas al experimento

Las comprobaciones previas al experimento incluyen una comprobación del instrumento y una comprobación del flujo. La comprobación del flujo perfora los sellos del filtro y atraviesa con el reactivo la celda de flujo de manera que los consumibles no se pueden reutilizar una vez iniciada la comprobación del flujo.

- 1 Espere unos 15 minutos a que finalicen las comprobaciones previas al experimento.
El experimento comienza de manera automática después de finalizar correctamente las comprobaciones. A menos que el sistema esté silenciado, un sonido de timbre indica que el experimento ha comenzado.



PRECAUCIÓN

Si se abre la puerta durante la comprobación previa al experimento o el experimento, puede hacer que se produzca un error en el experimento.

- 2 Si se produce un error durante la comprobación del instrumento, seleccione **Retry** (Reintentar) para repetir la comprobación.
La comprobación del instrumento precede a la comprobación del flujo. Cuando hay una comprobación en curso, aparece una animación de progreso en la barra de dicha comprobación.
- 3 Si un error es persistente, consulte *Resolución de mensajes de error en la página 48* para solucionarlo.

Supervisar progreso del experimento

- 1 Supervise el progreso del experimento y las mediciones conforme aparecen en la pantalla Sequencing (Secuenciación) tras el ciclo 26.

Criterio de medición	Descripción
%Q30 Read 1 (Porcentaje Q30 Lectura 1)	El porcentaje de llamadas de bases de la Lectura 1 con una puntuación Q \geq 30.
%Q30 Read 2 (Porcentaje Q30 Lectura 2)	El porcentaje de llamadas de bases de la Lectura 2 con una puntuación Q \geq 30.
% Clusters PF (Porcentaje de grupos PF)	El porcentaje de grupos que pasaron los filtros de calidad.
% Occupancy (Porcentaje de ocupación)	El porcentaje de pocillos de celda de flujo que contienen grupos.
Rendimiento total proyectado	El número esperado de bases llamadas para el experimento.

- 2 Para supervisar la copia de archivos y otros procesos de experimentos, seleccione el menú del software de control y, a continuación, seleccione **Process Management** (Gestión del proceso).

Descargar consumibles

- 1 Cuando finalice la secuenciación, seleccione **Eject Cartridge** (Expulsar cartucho). El software expulsa el cartucho utilizado del instrumento.
- 2 Retire el cartucho de la bandeja.
- 3 Extraiga la celda de flujo del cartucho.
- 4 Deseche la celda de flujo, que contiene componentes electrónicos, de acuerdo con la normativa vigente de su zona geográfica.
- 5 Deseche el cartucho, que contiene reactivos utilizados, de acuerdo con la normativa vigente de su zona geográfica.

No es necesario realizar un lavado posterior al experimento porque los líquidos se desechan junto con el cartucho.



ADVERTENCIA

Este conjunto de reactivos contiene sustancias químicas potencialmente peligrosas. Evite su inhalación, ingestión y el contacto con la piel o los ojos, puesto que puede provocar lesiones. Utilice un equipo de protección adecuado para el riesgo de exposición, incluidas gafas, guantes y batas de laboratorio. Manipule los reactivos utilizados como residuos químicos y deséchelos de conformidad con las normativas y leyes regionales, nacionales y locales aplicables. Para obtener más información sobre seguridad, salud y medioambiente, consulte la hoja de datos de seguridad en support.illumina.com/sds.html.

- 6 Seleccione **Close Door** (Cerrar puerta) para volver a cargar la bandeja y volver a la pantalla Home (Inicio). El software vuelve a cargar de manera automática la bandeja y los sensores confirman la retirada del cartucho.

Configurar un experimento de secuenciación (modo Manual)

La configuración de un experimento mediante el modo Manual implica que los parámetros del experimento deben especificarse en el software de control y que los análisis deben realizarse fuera del instrumento mediante la aplicación que se prefiera. El software guarda los datos en la carpeta de resultados especificada para el análisis. Para generar archivos FASTQ hace falta otro paso más.

- 1 Si el sistema está configurado para análisis, colaboración y almacenamiento de experimentos mediante BaseSpace Sequence Hub, cree una hoja de muestras para el experimento:
 - a Descargue la *plantilla de hoja de muestras del sistema iSeq 100 para el modo manual* en las [páginas de asistencia del sistema de secuenciación iSeq 100](#).
 - b Modifique la plantilla según sea necesario y guárdela en formato de archivo CSV. Compruebe lo siguiente:
 - ▶ Las secuencias de los adaptadores Index 2 (Índice 2) (i5) están en la orientación correcta. Para obtener instrucciones, consulte el documento sobre *secuencias de los adaptadores de Illumina (n.º de documento 1000000002694)*.
 - ▶ Los valores de la hoja de muestras coinciden con los valores del software de control. Por ejemplo, introduzca 151 en el campo Read 1 (Lectura 1) de la hoja de muestras y de la pantalla Run Setup (Configuración del experimento).
- 2 En el software de control, seleccione **Sequence** (Secuencia).
El software abre la puerta con un ángulo determinado, expulsa la bandeja e inicia la serie de pantallas de configuración del experimento.
- 3 **[Opcional]** Seleccione **Help** (Ayuda) para ver ventanas con indicaciones en pantalla.
Aparecen mensajes de ayuda en cada pantalla con indicaciones adicionales.

Cargar cartucho en el instrumento

- 1 Asegúrese de que el cartucho está descongelado y contiene la celda de flujo y la biblioteca diluida.
- 2 Coloque el cartucho en la bandeja de manera que la ventana de acceso esté orientada hacia arriba y la celda de flujo se encuentre dentro del instrumento. No presione el cartucho o la bandeja para introducirlos en el instrumento.



- 3 Seleccione **Close Door** (Cerrar puerta) para retraer el cartucho y cerrar la puerta.
Un panel aparece en el lado izquierdo de la pantalla para mostrar información de los consumibles escaneados.

Iniciar sesión en BaseSpace Sequence Hub

La pantalla de BaseSpace Sequence Hub aparece cuando el sistema se configura para la supervisión de un experimento o el almacenamiento y la supervisión de un experimento.

- 1 Para desconectar el experimento actual de BaseSpace Sequence Hub, seleccione **Skip BaseSpace Sequence Hub Sign In** (Omitir inicio de sesión en BaseSpace Sequence Hub).
Los datos de rendimiento del instrumento sí se envían a Illumina.
- 2 Para cambiar la conectividad del experimento actual, seleccione una opción de la configuración:
 - ▶ **Run Monitoring** (Solo supervisión del experimento): Envía solo los archivos InterOp a BaseSpace Sequence Hub para permitir su supervisión remota.
 - ▶ **Run Monitoring and Storage** (Almacenamiento y supervisión de experimentos): Envía los datos del experimento a BaseSpace Sequence Hub para permitir el análisis y la supervisión remota de los datos (hace falta una hoja de muestras).
- 3 Introduzca sus credenciales de BaseSpace Sequence Hub (dirección de correo electrónico y contraseña) y, a continuación, seleccione **Sign In** (Iniciar sesión).
- 4 Si aparece la lista Available Workgroups (Grupos de trabajo disponibles), seleccione un grupo de trabajo para cargar los datos del experimento.
La lista aparece cuando el usuario pertenece a varios grupos de trabajo.
- 5 Seleccione **Run Setup** (Configuración del experimento).

Introducir parámetros del experimento

- 1 En el campo Run Name (Nombre del experimento), introduzca el nombre exclusivo que prefiera para identificar el experimento actual.
El nombre de experimento puede contener caracteres alfanuméricos, guiones y guiones bajos.
- 2 En Read Type (Tipo de lectura), seleccione una de las siguientes opciones:
 - ▶ **Single Read** (Lectura única): Realice una lectura de secuenciación, que es la opción más sencilla y rápida.
 - ▶ **Paired-End**: Realice dos lecturas de secuenciación, lo que genera datos de mayor calidad y le ofrece una alineación más precisa.
- 3 En Read Cycle (Ciclo de lectura), introduzca el número de ciclos que realizar en cada lectura.
 - ▶ En Read 1 (Lectura 1) y Read 2 (Lectura 2), añada un ciclo al número de ciclos deseado.
 - ▶ En el caso de un experimento solo de PhiX, introduzca **0** en ambos campos de índice.

Lectura	Número de ciclos
Lectura 1	26 - 151
Índice 1	Hasta 10
Índice 2	Hasta 10
Lectura 2	26 - 151

Normalmente el valor de Read 2 (Lectura 2) es el mismo que en Read 1 (Lectura 1), incluido el ciclo adicional. Index 1 (Índice 1) secuencia el adaptador de índice i7 e Index 2 (Índice 2) secuencia el adaptador de índice i5.

- 4 Para especificar la carpeta de resultados para el experimento actual o cargar una hoja de muestras, seleccione **Advanced** (Avanzado):

- ▶ En el campo Output Folder (Carpeta de resultados), introduzca la ruta de la ubicación de la carpeta de resultados o seleccione **Browse** (Examinar) y vaya hasta ella.
- ▶ En el campo Sample Sheet (Hoja de muestras), introduzca la ruta de la ubicación de la hoja de muestras o seleccione **Browse** (Examinar) y vaya hasta ella.

5 Seleccione **Start Run** (Iniciar experimento) para iniciar la comprobación previa al experimento.

Revisar comprobaciones previas al experimento

Las comprobaciones previas al experimento incluyen una comprobación del instrumento y una comprobación del flujo. La comprobación del flujo perfora los sellos del filtro y atraviesa con el reactivo la celda de flujo de manera que los consumibles no se pueden reutilizar una vez iniciada la comprobación del flujo.

- 1 Espere unos 15 minutos a que finalicen las comprobaciones previas al experimento. El experimento comienza de manera automática después de finalizar correctamente las comprobaciones. A menos que el sistema esté silenciado, un sonido de timbre indica que el experimento ha comenzado.



PRECAUCIÓN

Si se abre la puerta durante la comprobación previa al experimento o el experimento, puede hacer que se produzca un error en el experimento.

- 2 Si se produce un error durante la comprobación del instrumento, seleccione **Retry** (Reintentar) para repetir la comprobación. La comprobación del instrumento precede a la comprobación del flujo. Cuando hay una comprobación en curso, aparece una animación de progreso en la barra de dicha comprobación.
- 3 Si un error es persistente, consulte *Resolución de mensajes de error en la página 48* para solucionarlo.

Supervisar progreso del experimento

- 1 Supervise el progreso del experimento y las mediciones conforme aparecen en la pantalla Sequencing (Secuenciación) tras el ciclo 26.

Criterio de medición	Descripción
%Q30 Read 1 (Porcentaje Q30 Lectura 1)	El porcentaje de llamadas de bases de la Lectura 1 con una puntuación Q \geq 30.
%Q30 Read 2 (Porcentaje Q30 Lectura 2)	El porcentaje de llamadas de bases de la Lectura 2 con una puntuación Q \geq 30.
% Clusters PF (Porcentaje de grupos PF)	El porcentaje de grupos que pasaron los filtros de calidad.
% Occupancy (Porcentaje de ocupación)	El porcentaje de pocillos de celda de flujo que contienen grupos.
Rendimiento total proyectado	El número esperado de bases llamadas para el experimento.

- 2 Para supervisar la copia de archivos y otros procesos de experimentos, seleccione el menú del software de control y, a continuación, seleccione **Process Management** (Gestión del proceso).

Descargar consumibles

- 1 Cuando finalice la secuenciación, seleccione **Eject Cartridge** (Expulsar cartucho). El software expulsa el cartucho utilizado del instrumento.
- 2 Retire el cartucho de la bandeja.

- 3 Extraiga la celda de flujo del cartucho.
- 4 Deseche la celda de flujo, que contiene componentes electrónicos, de acuerdo con la normativa vigente de su zona geográfica.
- 5 Deseche el cartucho, que contiene reactivos utilizados, de acuerdo con la normativa vigente de su zona geográfica.
No es necesario realizar un lavado posterior al experimento porque los líquidos se desechan junto con el cartucho.



ADVERTENCIA

Este conjunto de reactivos contiene sustancias químicas potencialmente peligrosas. Evite su inhalación, ingestión y el contacto con la piel o los ojos, puesto que puede provocar lesiones. Utilice un equipo de protección adecuado para el riesgo de exposición, incluidas gafas, guantes y batas de laboratorio. Manipule los reactivos utilizados como residuos químicos y deséchelos de conformidad con las normativas y leyes regionales, nacionales y locales aplicables. Para obtener más información sobre seguridad, salud y medioambiente, consulte la hoja de datos de seguridad en support.illumina.com/sds.html.

- 6 Seleccione **Close Door** (Cerrar puerta) para volver a cargar la bandeja y volver a la pantalla Home (Inicio). El software vuelve a cargar de manera automática la bandeja y los sensores confirman la retirada del cartucho.

Capítulo 4 Mantenimiento

Liberar espacio de disco duro	34
Actualizaciones de software	34
Sustituir el filtro de aire	36
Cambiar de ubicación el instrumento	38
Directivas de restricción de software	39

Liberar espacio de disco duro

Para un experimento de secuenciación hacen falta alrededor de 2 GB de espacio en el disco duro. Cuando queda poco espacio libre, lleve a cabo los siguientes pasos para eliminar los experimentos finalizados y liberar espacio.

- 1 En el menú del software de control, seleccione **Process Management** (Gestión del proceso). La pantalla Process Management (Gestión del proceso) aparece con una lista de experimentos guardados en el disco duro.
- 2 Seleccione **Delete** (Eliminar) en el experimento que desee eliminar. Al eliminar un experimento, se elimina la carpeta local del experimento. La carpeta de resultados, que es una copia de la carpeta de experimentos, se mantiene.
- 3 En el cuadro de diálogo, seleccione **Yes** (Sí) para confirmar la eliminación del experimento.
- 4 Repita los pasos 2 y 3 para cada experimento que desee eliminar.
- 5 Cuando haya finalizado, cierre la pantalla Process Management (Gestión del proceso) para volver a la pantalla Sequence (Secuenciar).

Actualizaciones de software

La actualización del software garantiza que su sistema disponga de las funciones y correcciones más recientes. Las actualizaciones de software se integran en un paquete de sistemas, que incluye el siguiente software:

- ▶ iSeq Control Software
- ▶ Fórmulas del sistema iSeq 100
- ▶ Servicio de copia universal
- ▶ Análisis en tiempo real
- ▶ Local Run Manager (solo marco)



NOTA

Aunque Local Run Manager se encuentra incluido en el paquete del sistema, los módulos de análisis no lo están. Instálelos por separado según los necesite, a través de la cuenta sbsadmin. Acceda al software del módulo de análisis desde las páginas de asistencia de Local Run Manager.

El sistema está configurado para descargar de manera automática o manual las actualizaciones de software:

- ▶ **Automatic updates** (Actualizaciones automáticas): Las actualizaciones se descargan de manera automática de BaseSpace Sequence Hub para que las instale. Para esta opción hace falta una conexión a Internet, pero no una cuenta de BaseSpace Sequence Hub.
- ▶ **Manual updates** (Actualizaciones manuales): Las actualizaciones se descargan manualmente de la web, se guardan localmente o en un dispositivo portátil y se instalan desde la ubicación guardada. Para esta opción no hace falta una conexión a Internet.

Instalar una actualización automática del software

- 1 Cambie a la cuenta de sistema operativo sbsadmin.
- 2 Seleccione el menú del software de control y, a continuación, **Software Update** (Actualización de software) para abrir el cuadro de diálogo Software Update (Actualización de software).
Los sistemas configurados para actualizaciones automáticas muestran una alerta cuando hay una actualización de software disponible.
- 3 Para comprobar si existe una actualización, seleccione una de las siguientes opciones:
 - ▶ **Check for Update** (Comprobación de actualizaciones): Comprueba la existencia de una actualización del software.
 - ▶ **Autocheck for Updates** (Comprobación automática de actualizaciones): Comprueba si hay una actualización del software y configura el sistema para que compruebe de manera automática si hay actualizaciones futuras.Estas opciones son visibles en sistemas que están conectados a Internet, pero que no están configurados para realizar actualizaciones automáticas.
- 4 Seleccione **Update** (Actualizar) para descargar la nueva versión del software.
Una vez finalizada la descarga, el software de control se cierra y aparece el asistente de instalación.
- 5 En el asistente de instalación, seleccione **Install** (Instalar).



NOTA

Si cancela una actualización antes de que la instalación haya finalizado, la actualización se detendrá en el punto actual. Cualquier cambio realizado hasta el punto de cancelación se revierte a la versión anterior o no se instala.

- 6 Una vez finalizada la instalación, seleccione **Close** (Cerrar).
El software de control se reiniciará de manera automática. Después de reiniciar, todas las actualizaciones del firmware se llevarán a cabo automáticamente.

Instalar una actualización manual del software

- 1 Cambie a la cuenta de sistema operativo sbsadmin.
- 2 Cuando haya una actualización de software disponible, descargue el instalador del paquete (*.exe) de la **página de asistencia del sistema de secuenciación iSeq 100**. Guarde el instalador en una unidad local o portátil.
- 3 Si guardó el instalador en una unidad portátil, conéctela a un puerto USB de la parte posterior del instrumento. Mueva el instrumento según sea necesario para acceder a la parte posterior.
- 4 Seleccione **Software Update** (Actualización de software) en el menú del software de control.
- 5 En el cuadro de diálogo Software Update (Actualización de software), expanda **Install from local or portable drive** (Instalar desde una unidad local o portátil).
- 6 Seleccione **Browse** (Examinar) para ir hasta el instalador.
- 7 Seleccione **Update** (Actualizar) para iniciar la instalación.
El software de control se cierra y aparece el asistente de instalación.
- 8 En el asistente de instalación, seleccione **Install** (Instalar).



NOTA

Si cancela una actualización antes de que la instalación haya finalizado, la actualización se detendrá en el punto actual. Cualquier cambio realizado hasta el punto de cancelación se revierte a la versión anterior o no se instala.

- Una vez finalizada la instalación, seleccione **Close** (Cerrar).
El software de control se reiniciará de manera automática. Después de reiniciar, todas las actualizaciones del firmware se llevarán a cabo automáticamente.

Sustituir el filtro de aire

El filtro de aire es una pieza de espuma de un solo uso que cubre los dos ventiladores de la parte posterior del instrumento. Garantiza una refrigeración adecuada y evita que se introduzcan residuos en el sistema. El instrumento incluye un filtro de aire montado de serie y otro de repuesto. Los repuestos adicionales se incluyen en la garantía o puede adquirirlos en Illumina.

El software indica que debe cambiarse el filtro de aire cada seis meses desde el inicio de la primera configuración. Siga las instrucciones que se indican a continuación para sustituir un filtro de aire caducado.

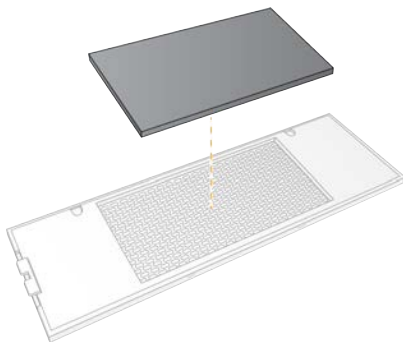
- Coloque el instrumento de manera que pueda acceder fácilmente a la parte posterior.
- En la parte posterior del instrumento, presione sobre el lado derecho del panel superior para desacoplarlo como se muestra en la siguiente ilustración.



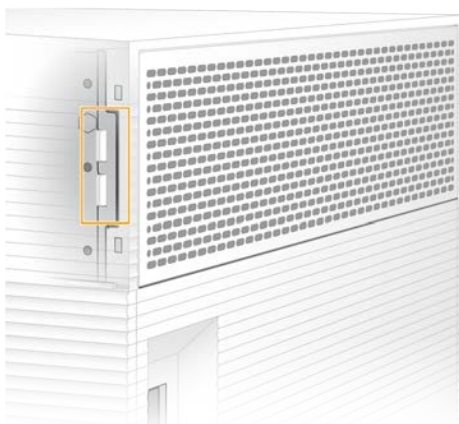
- Retire el panel del instrumento.



- 4 Retire el filtro de aire de espuma del centro del panel y deséchelo.



- 5 Coloque un nuevo filtro de aire y presione para fijar.
- 6 Inserte los dos ganchos del panel en los orificios del instrumento y presione para colocar el panel en su posición.



- 7 Vuelva a colocar el instrumento en la posición original.
- 8 Seleccione **Filter Changed** (Filtro cambiado) para continuar.

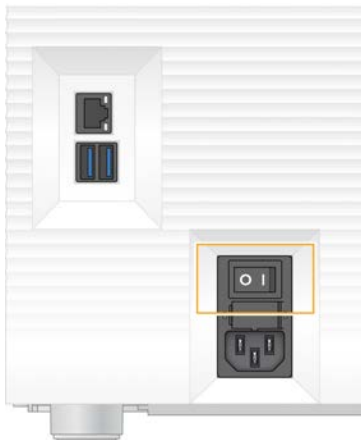
Cambiar de ubicación el instrumento

Siga las siguientes instrucciones para cambiar de ubicación el instrumento de manera segura. Asegúrese de que la nueva ubicación cumple los requisitos que se describen en la *Guía de preparación del centro para el sistema de secuenciación iSeq 100* (n.º de documento 1000000035337).

Si va a devolver un instrumento, omita esta sección y consulte *Intercambio avanzado en la página 56*.

- 1 En el menú, seleccione **Shut Down System** (Apagar sistema).
- 2 Si el sistema no se apaga, mantenga pulsado el botón de encendido en el lado izquierdo del instrumento hasta que la luz se apague.
- 3 Cuando el botón de encendido parpadee, pulse el lado de apagado (O) del interruptor en el panel trasero.
Puede que el botón de encendido siga parpadeando después de que se haya apagado la corriente.

Figura 7 Ubicación del interruptor



- 4 Desconecte el cable de alimentación de la toma de la pared y, a continuación, de la toma de alimentación de CA en el panel trasero.
- 5 Si procede, desconecte el cable Ethernet de la toma de la pared y, a continuación, del puerto Ethernet en el panel trasero.
- 6 Baje el monitor.
- 7 Cambie el instrumento al lugar que desee.
El instrumento pesa 15,9 kg y se necesitan dos personas para levantarlo.
- 8 Eleve el monitor.
- 9 Si el instrumento está conectado a una red, conecte el cable Ethernet a un puerto Ethernet.
- 10 Conecte el cable de alimentación a la entrada de alimentación de CA en el panel trasero y, a continuación, a una toma de pared.
- 11 Pulse el lado de encendido (I) del interruptor.

12 Cuando el botón de encendido parpadee, púselo.

Figura 8 Ubicación del botón de encendido



13 Cuando el sistema operativo se cargue, inicie sesión en Windows.

El software de control se abre e inicia el sistema. Cuando finaliza la inicialización, aparece la pantalla Home (Inicio).

Directivas de restricción de software

Las Directivas de restricción de software (SRP) de Windows utilizan reglas para permitir que se ejecute únicamente el software especificado. En el sistema iSeq 100, las reglas SRP se basan en certificados, nombres y extensiones de archivos y directorios.

De manera predeterminada, las SRP se activan para evitar que se ejecute software no deseado en el ordenador de control. Un representante de TI o un administrador del sistema puede añadir y quitar reglas para personalizar el nivel de seguridad. Si el sistema se añade a un dominio, el Objeto de directiva de grupo (GPO) local puede modificar automáticamente las reglas y desactivar las SRP.

Reglas SRP permitidas

En el sistema de secuenciación iSeq 100, se establecen de manera predeterminada las SRP para permitir las siguientes reglas.

Certificado

Certificado de aplicación iSeq

Archivos ejecutables

Portmon.exe

Procmon.exe

Procmon64.exe

Tcpview.exe

Extensiones de archivo

*.cfg

*.lnk

*.png

*.tif

Extensiones de archivo

*.txt
*.xml

Directorios

%HKEY_LOCAL_MACHINE\SOFTWARE\Microsoft\Windows\CurrentVersion\ProgramFilesDir%
%HKEY_LOCAL_MACHINE\SOFTWARE\Microsoft\Windows NT\CurrentVersion\SystemRoot%
C:\CrashDumps\
C:\Illumina Maintenance Logs\
C:\Illumina Manufacturing Test Results\
C:\Illumina\
C:\Archivos de programa (x86)\Chromium\Application\
C:\Archivos de programa (x86)\Illumina\
C:\Archivos de programa (x86)\Internet Explorer\
C:\Archivos de programa\Illumina\
C:\Archivos de programa\Internet Explorer\
C:\Archivos de programa\Jenoptik\
C:\Archivos de programa\Ophir Optronics\
C:\ProgramData\Illumina\
C:\ProgramData\Package Cache\
C:\ProgramData\webex\
C:\Users*\AppData\Local\GoToAssist Corporate\
C:\Users*\AppData\Local\Temp\Citrix\
C:\Users*\AppData\Local\Temp\CitrixLogs\
C:\Users*\AppData\Local\Temp\LogMeln\
C:\Users*\AppData\Local\Temp\LogMelnLogs\
D:\Recovery\
GoToAssist Corporate Opener*.exe
Turnover to customer.bat

Añadir y quitar reglas SRP

Añada y quite reglas SRP para personalizar la seguridad del sistema. Para modificar las reglas hay que desactivar temporalmente las SRP.



PRECAUCIÓN

La desactivación de las SRP omite las protecciones predeterminadas.

- 1 Inicie sesión en el sistema operativo con la cuenta de administrador.
La cuenta de administrador dispone de los privilegios necesarios para modificar las reglas SRP.
- 2 Desactive las SRP:
 - a Vaya al directorio C:\Illumina\Security.
 - b Haga doble clic en **Disable.reg**.
 - c Seleccione **Yes** (Sí) para confirmar los cambios.

Si utiliza la interfaz de la pantalla táctil, tocar y mantener pulsado el botón durante unos dos segundos equivale a un clic con el botón derecho del ratón.

- 3 Seleccione **Start** (Iniciar) y, a continuación, **Run** (Experimento).
- 4 En el campo Open (Abrir), introduzca **secpol.msc**.
- 5 En el cuadro de diálogo Local Security Policy (Directiva de seguridad local), expanda **Software Restriction Policies** (Directivas de restricción de software) y, a continuación, seleccione **Additional Rules** (Reglas adicionales).

- 6 Para añadir una regla:
 - a En el menú Action (Acción), seleccione **New Path Rule** (Nueva regla de ruta).
 - b En el campo Path (Ruta), introduzca el certificado, el nombre del archivo, la extensión del archivo o el directorio que desee permitir.
 - c En la lista Security level (Nivel de seguridad), seleccione **Unrestricted** (Sin restricciones).
 - d **[Opcional]** En el campo Description (Descripción), escriba el motivo para crear la regla.
 - e Seleccione **OK** (Aceptar) para añadir la regla.
- 7 Para eliminar una regla:
 - a Seleccione la regla que desee eliminar y, a continuación, seleccione **Delete** (Eliminar).
 - b Seleccione **Yes** (Sí) para confirmar la eliminación.
- 8 Cierre el cuadro de diálogo Local Security Policy (Directiva de seguridad local).
- 9 Vuelva a activar las SRP **de inmediato**:
 - a Vaya al directorio C:\Illumina\Security.
 - b Haga doble clic en **Enable.reg**.
- 10 Si se modificaron por primera vez las reglas SRP, cierre sesión y vuelva a iniciar sesión para que estas se hagan efectivas.

Apéndice A Resultados de secuenciación

Descripción general de Análisis en tiempo real	42
Flujo de trabajo de análisis en tiempo real	45

Descripción general de Análisis en tiempo real

El software de análisis en tiempo real se ejecuta en el ordenador de control del instrumento. Durante un experimento de secuenciación, extrae intensidades de imágenes para realizar llamadas de bases y, a continuación, asigna una puntuación de calidad a la llamada de bases.

El sistema de secuenciación iSeq 100 utiliza la implementación del análisis en tiempo real del RTA2. RTA2 y el software de control del sistema se comunican a través de una interfaz web HTTP y de archivos de memoria compartidos. Si RTA2 se interrumpe, el procesamiento no se reanuda y los datos del experimento no se guardan.



NOTA

No se calcula el rendimiento de desmultiplexado, por lo que la ficha Index (Índice) de Sequencing Analysis Viewer aparece vacía.

Archivos de entrada

RTA2 requiere los siguientes archivos de entrada para el procesamiento:

- ▶ Las imágenes de las placas contenidas en la memoria del sistema local.
- ▶ El archivo de configuración del **análisis en tiempo real** en formato XML.
- ▶ **RunInfo.xml**, que es un archivo que genera automáticamente el software de control al inicio del experimento.

RTA2 recibe comandos del software de control que incluyen información sobre la ubicación de **RunInfo.xml** y sobre si se ha especificado o no una carpeta de resultados. A partir de **RunInfo.xml**, RTA2 lee el nombre del experimento, el número de ciclos, si una lectura ha sido indexada y el número de placas de la celda de flujo.

Archivos de resultados

Las imágenes se pasan en una memoria a RTA2 en forma de placas, que son las áreas de imágenes pequeñas de la celda de flujo definidas por una vista de cámara. La celda de flujo i1 del sistema iSeq 100 tiene 16 placas.

A partir de estas imágenes, RTA2 produce como resultado elemental un conjunto de archivos de llamada de bases con puntuación de calidad y archivos de filtro. Con otros archivos también se pueden generar resultados elementales.

Tipos de archivo	Descripción, ubicación y nombre del archivo
Archivos de llamada de bases	Cada placa analizada se incluye en un archivo de llamada de bases, agregado en un archivo para cada ciclo. El archivo agregado contiene la llamada de bases y la puntuación de calidad asociada para cada grupo. Data\Intensities\BaseCalls\L001 [Ciclo].bcl.bgzf, donde [Ciclo] representa el número de ciclo de cuatro dígitos. Los archivos de llamadas de bases se comprimen mediante el uso de la compresión de bloques gzip.
Archivos de índice de llamadas de bases	Un archivo de índice de llamada de bases conserva la información de placa original. Para cada placa, el archivo de índice contiene el número de placa y el número de grupos. Data\Intensities\BaseCalls\L001 [Ciclo].bcl.bgzf.bci
Archivo de ubicación de grupos	Un archivo de ubicación de grupos (s.locs) contiene las coordenadas X e Y para cada grupo de la celda de flujo. Data\Intensities s.locs
Archivos de filtro	Los archivos de filtro determinan si los grupos superan o no el filtro. Para cada placa, se genera un archivo de filtro. Estos archivos se generan en el ciclo 26 mediante el uso de 25 ciclos de datos. Data\Intensities\BaseCalls\L001 s_[carril].filter
Archivos InterOp	Criterios de medición en tiempo real de la calidad del experimento que se actualizan en el transcurso del experimento. Estos archivos binarios contienen criterios de medición de placas, ciclos y nivel de lectura, y son necesarios para visualizar los criterios de medición en Sequencing Analysis Viewer. Carpeta InterOp
Archivo de configuración de RTA	Incluye los parámetros del experimento. El archivo, que se crea al comienzo del experimento, combina valores del archivo de configuración de entrada y valores definidos por RTA2. [Carpeta raíz], RTAConfiguration.xml
Archivo de información del experimento*	Indica el nombre del experimento, el número de ciclos de cada lectura, si la lectura es una Lectura del índice y el número de sectores y placas. Creado al principio del experimento. [Carpeta raíz], RunInfo.xml
Archivos de vistas en miniatura	Imágenes en miniatura de las placas de las celdas de flujo. Images\L001\C[X.1]: Los archivos se almacenan en una carpeta para cada carril y una subcarpeta para cada ciclo. s_[carril]_[placa].jpg: La imagen en miniatura incluye el número de placa.

* Creado por el software de control. RTA2 crea todos los demás archivos que figuran en la tabla.

Local Run Manager y BaseSpace Sequence Hub convierten automáticamente los archivos de llamada de bases en archivos FASTQ. Cuando se realice la secuenciación en el modo Manual, use la versión más reciente del software de conversión bcl2fastq2 para convertir los archivos FASTQ. Descargue el software desde las [páginas de asistencia del software de conversión bcl2fastq](#) en el sitio web de Illumina.

Nombre y ruta de la carpeta de resultados



















Para cada experimento el software de control genera de manera automática una carpeta del experimento y una carpeta de resultados. Acceda a los datos del experimento desde la carpeta de resultados, que es una copia de la carpeta del experimento. La carpeta del experimento se ha concebido para su uso por parte del sistema.

La ruta a la carpeta de resultados la define el usuario, pero su ubicación predeterminada es la unidad D:\. El software de control asigna un nombre a la carpeta de resultados utilizando el siguiente formato.

Formato	Ejemplo
<AAAAMDD>_<ID de instrumento>_<Número de experimento>_<ID de celda de flujo>	20180331_FFSP247_4_BNS417-05-25-12

El número del experimento aumenta de uno en uno cada vez que el sistema lleva a cabo un experimento. Los números de serie identifican el instrumento y la celda de flujo.

Estructura de la carpeta de resultados

-  **Recipe** (Fórmula): Archivo de la fórmula específico del experimento.
-  **Logs** (Registros): Archivos de registro que describen la analítica del instrumento, los pasos operativos y otros eventos.
-  **Config** (Configuración): Parámetros de configuración del experimento.
-  RunParameters.xml
-  RunInfo.xml
-  CopyComplete.txt
-  RunCompletionStatus.txt
-  RTAComplete.txt
-  RTAConfiguration.xml
-  **Data** (Datos)
 -  **Intensities** (Intensidades)
 -  **BaseCalls** (Llamada de bases)
 -  L001
 -  s.locs
-  **InterOp**
-  **Images** (Imágenes)
-  SampleSheet.csv: Hoja de muestras o el manifiesto de la muestra.
-  **RTALogs**: Archivos de registro que describen los eventos de RTA2.

Gestionar errores

RTA2 crea archivos de registro y los guarda en la carpeta RTALogs (Registros de RTA). Los errores se registran en un archivo de errores con formato TSV.

Los archivos de errores y de registro siguientes se transfieren a la ubicación de destino de los resultados finales tras completar el procesamiento:

- ▶ *GlobalLog*.tsv contiene un resumen de los eventos importantes del experimento.
- ▶ *Error*.tsv enumera los errores que se han producido durante un experimento.
- ▶ *WarningLog*.tsv enumera las advertencias que se han producido durante un experimento.

Flujo de trabajo de análisis en tiempo real

Extracción de intensidad	Determina un valor de intensidad para cada grupo.
↓	
Corrección de hebra retrasada	Corrige los efectos de hebra retrasada y hebra adelantada.
↓	
Llamada de bases	Determina una llamada de bases para cada grupo.
↓	
Puntuación de calidad	Asigna una puntuación de calidad a cada llamada de bases.

Extracción de intensidad

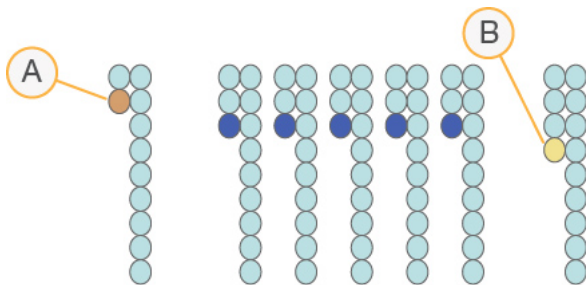
La extracción de intensidad calcula un valor de intensidad para cada nanopocillo en una imagen determinada.

Corrección de hebra retrasada

Durante la reacción de secuenciación, cada cadena de ADN de un grupo se amplía en una base por cada ciclo. Las hebras retrasadas y hebras adelantadas se producen cuando una cadena queda fuera de su lugar con respecto al ciclo de incorporación.

- ▶ La hebra retrasada se produce cuando una base se atrasa.
- ▶ La hebra adelantada se produce cuando una base se avanza.

Figura 9 Hebra retrasada y hebra adelantada



- A Lectura con una base con hebra retrasada
- B Lectura con una base con hebra adelantada

RTA2 corrige los efectos de la fase de hebra retrasada y de la fase de hebra adelantada, lo que aumenta al máximo la calidad de los datos en cada uno de los ciclos del experimento.

Llamada de bases

La llamada de bases determina una base (A, C, G o T) para cada grupo de una placa determinada en un ciclo específico. El sistema iSeq 100 utiliza la secuenciación con un solo colorante, lo que se traduce en el uso de un solo colorante y dos imágenes para codificar los datos de las cuatro bases.

Las intensidades extraídas de una imagen en comparación con una segunda imagen redundan en cuatro poblaciones distintas, cada una de las cuales corresponde a un nucleótido. La llamada de bases determina a qué población pertenece cada grupo.

Figura 10 Visualización de intensidades de grupos

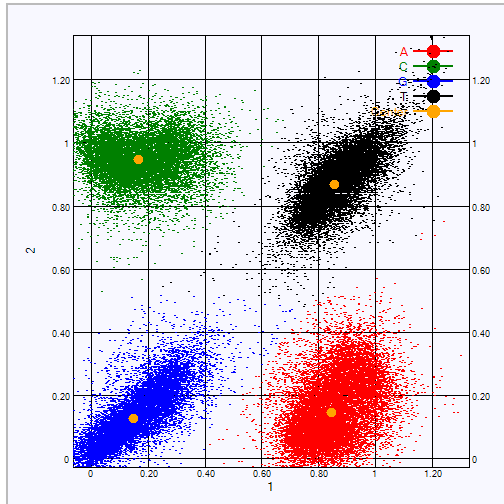


Tabla 3 Llamadas de bases en secuenciación con un solo colorante

Base	Colorante en la primera imagen	Colorante en la segunda imagen	Conclusión de imágenes comparadas
T	Presencia	Presencia	Los grupos que presentan intensidad en ambas imágenes son bases T.
A	Presencia	Ausencia	Los grupos que presentan intensidad solo en la primera imagen son bases A.
C	Ausencia	Presencia	Los grupos que presentan intensidad solo en la segunda imagen son bases C.
G	Ausencia	Ausencia	Los grupos que no presentan intensidad en ninguna imagen son bases G.

Grupos que superan el filtro

Durante el experimento, RTA2 filtra incidencias para eliminar las lecturas que no satisfagan el umbral de calidad de los datos. Los grupos que se solapan o de baja calidad se eliminan.

En el caso de una secuenciación de un colorante, RTA2 utiliza un sistema basado en la población para determinar la castidad (medición de pureza de la intensidad) de una llamada de bases. Los grupos que superan el filtro (PF) cuando solo una llamada de bases de los primeros 25 ciclos tiene un valor de castidad inferior al umbral fijado.

La alineación de PhiX se lleva a cabo en el ciclo 26 en un subconjunto de placas de grupos que superan el filtro. Los grupos que no superan el filtro no se alinean ni se realiza en ellos la llamada de bases.

Lecturas de índices

El proceso de llamada de bases de las lecturas de índice difiere del de llamada de bases de las lecturas de secuenciación. Los primeros dos ciclos de una lectura del índice no se pueden iniciar con dos bases G; de hacerlo, no se generaría intensidad. Para garantizar el rendimiento de desmultiplexado, debe haber intensidad en uno de los dos primeros ciclos.

Asegúrese de que **al menos** una secuencia del adaptador de índice en un grupo de bibliotecas no comienza con dos bases G. Seleccione las secuencias de adaptadores de índice equilibradas, de manera que la señal esté presente al menos en una imagen (preferiblemente en ambas imágenes) para cada ciclo. La disposición de placas y las secuencias que se proporcionan en IDT para índices UD TruSeq de Illumina están diseñadas para contar con el equilibrio adecuado.

Para obtener más información sobre la indexación y la agrupación, consulte la *Guía de agrupación de adaptadores indexados* (n.º de documento 1000000041074).

Puntuación de calidad

Una puntuación de calidad, o puntuación Q, es una predicción de la probabilidad de obtener una llamada de bases incorrecta. Una puntuación Q superior implica que la llamada de bases tiene una calidad mayor y es más probable que sea correcta.

La puntuación Q es una forma concisa de comunicar probabilidades de error pequeñas. Q(X) representa puntuaciones de calidad, donde X es la puntuación. En la siguiente tabla, figura la relación entre la puntuación de calidad y la probabilidad de error.

Puntuación Q, Q(X)	Probabilidad de error
Q40	0,0001 (1 entre 10 000)
Q30	0,001 (1 entre 1000)
Q20	0,01 (1 entre 100)
Q10	0,1 (1 entre 10)



NOTA

La puntuación de calidad se basa en una versión modificada del algoritmo Phred.

Para la puntuación de calidad, se calcula un conjunto de predictores para cada llamada de bases y, a continuación, se utilizan los valores de los predictores para determinar la puntuación Q en la tabla de calidad. Las tablas de calidad se crean para proporcionar predicciones de calidad con una precisión óptima de experimentos generados mediante una configuración específica de la plataforma de secuenciación y una versión de composición química concreta.

Tras determinar la puntuación Q, los resultados se registran en archivos de llamada de bases.

Apéndice B Solución de problemas

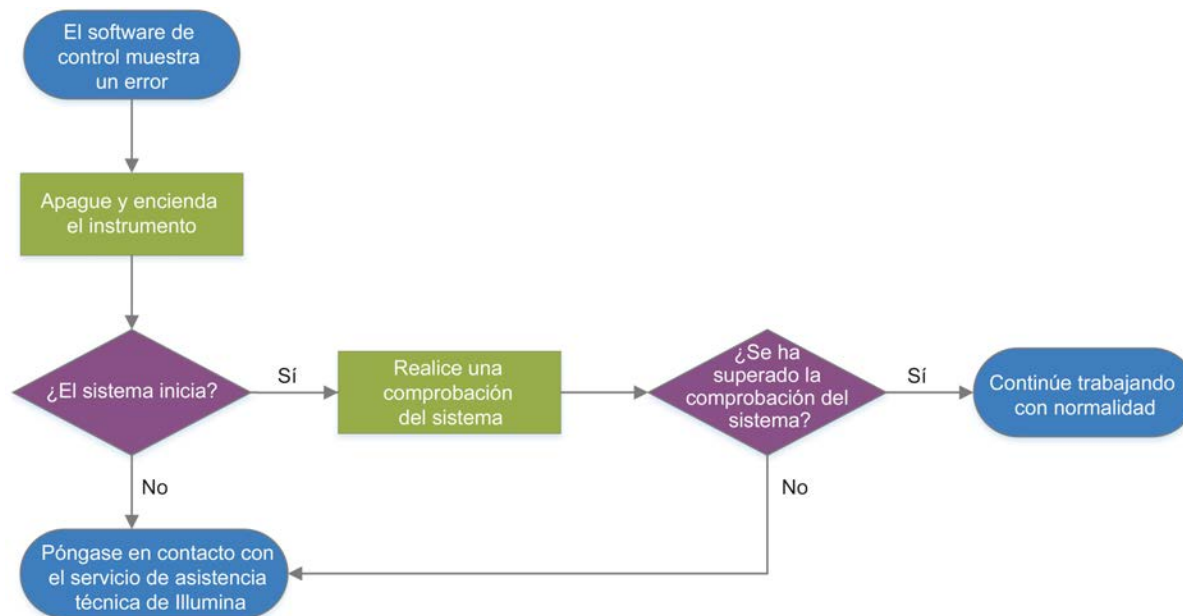
Resolución de mensajes de error	48
Cancelar un experimento empezado	49
Ciclo de apagado y encendido del instrumento	49
Realizar una comprobación del sistema	50
Mitigar fugas	52
Restablecer la configuración de fábrica	55

Resolución de mensajes de error

En este apéndice, se proporcionan instrucciones detalladas para varios procedimientos de solución de problemas. El siguiente diagrama de flujo muestra el flujo de trabajo para la solución de mensajes de error que aparezcan durante la inicialización, la configuración de los experimentos, las comprobaciones previas a los experimentos o la secuenciación y que, tras realizar un reintento, sigan sin resolverse.

Muchos errores pueden resolverse con un ciclo de apagado y encendido: apagar y volver a iniciar el instrumento. Con otros es necesario comprobar el sistema para diagnosticar el problema y resolverlo.

Figura 11 Descripción general de los mensajes de error



Estado de la gestión del proceso

Para solucionar un problema de estado en la pantalla Process Management (Gestión del proceso):

- ▶ Si el experimento está en curso, cierre la pantalla Process Management (Gestión del proceso), espere unos cinco minutos aproximadamente y, a continuación, vuelva a abrir.
- ▶ Si el experimento no está en curso, apague y encienda el instrumento y, a continuación, vuelva a abrir la pantalla Process Management (Gestión del proceso). Consulte *Ciclo de apagado y encendido del instrumento* en la página 49.

Cancelar un experimento empezado

Una vez se haya iniciado un experimento, puede cancelarlo para finalizarlo, expulsar el cartucho y volver a la pantalla Sequence (Secuenciar).



PRECAUCIÓN

La cancelación de un experimento es **definitiva**. El software no puede reanudar el experimento y tampoco se pueden reutilizar los consumibles una vez que se haya llevado a cabo la parte de comprobación del instrumento de las comprobaciones previas al experimento.

- 1 Seleccione **Stop Run** (Detener experimento) y, a continuación, **Yes, cancel** (Sí, cancelar). Aparecerá la pantalla Sequencing Canceled (Secuenciación cancelada) con marcas de tiempo para la fecha y hora en que se detuvo el experimento.
- 2 Seleccione **Eject Cartridge** (Expulsar cartucho) para abrir la puerta y expulsar la bandeja.
- 3 Retire el cartucho de la bandeja.
- 4 Almacene o deseche el cartucho, en función del momento en que se produjo la cancelación:

Circunstancia	Instrucción
Ha cancelado antes o durante la comprobación del instrumento y desea volver a utilizar los consumibles.	Deje la celda de flujo y la biblioteca dentro del cartucho y resérvelo a temperatura ambiente durante una hora como máximo.
Cualquier otra circunstancia.	Extraiga la celda de flujo del cartucho. Deseche ambos componentes de acuerdo con los estándares regionales aplicables. <ul style="list-style-type: none"> • La celda de flujo tiene componentes electrónicos. • El cartucho contiene la biblioteca y reactivos usados.

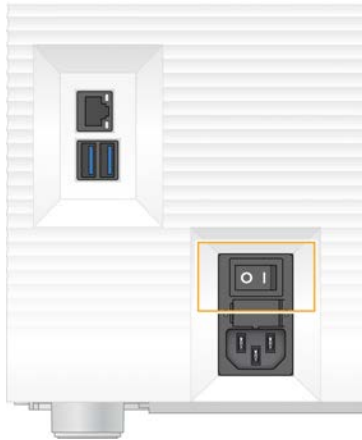
- 5 Seleccione **Close Door** (Cerrar puerta) para volver a cargar la bandeja y volver a la pantalla Sequencing (Secuenciación). Los sensores confirmarán la retirada del cartucho.

Ciclo de apagado y encendido del instrumento

Con un ciclo de apagado y encendido del instrumento se apaga e inicia de manera segura el sistema con objeto de restaurar una pérdida de conexión, alinear una especificación o solucionar un fallo de inicialización. Los mensajes de software indican cuándo encender el ciclo para resolver un error o una advertencia.

- 1 En el menú, seleccione **Shut Down System** (Apagar sistema).
- 2 Si el sistema no se apaga, mantenga pulsado el botón de encendido en el lado izquierdo del instrumento hasta que la luz se apague.
- 3 Cuando el botón de encendido parpadee, pulse el lado de apagado (O) del interruptor en el panel trasero. Puede que el botón de encendido siga parpadeando después de que se haya apagado la corriente.

Figura 12 Ubicación del interruptor



- 4 Espere 30 segundos.
- 5 Pulse el lado de encendido (I) del interruptor.
- 6 Cuando el botón de encendido parpadee, púselo.

Figura 13 Ubicación del botón de encendido



- 7 Cuando el sistema operativo se cargue, inicie sesión en Windows.
El software de control se abre e inicia el sistema. Cuando finaliza la inicialización, aparece la pantalla Home (Inicio).

Realizar una comprobación del sistema

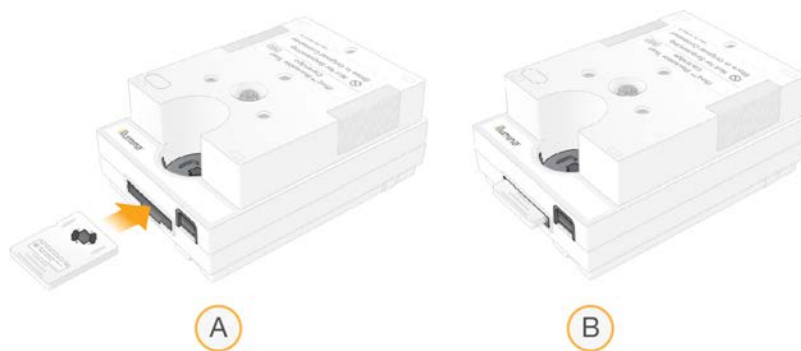
Una comprobación del sistema dura unos 45 minutos y utiliza la celda de flujo de pruebas reutilizable y el cartucho de pruebas reutilizable para solucionar problemas de errores de comprobación previos al experimento y otras situaciones. Cuatro pruebas de subsistema confirman si los componentes se encuentran bien alineados y son funcionales.

Las tareas de mantenimiento y el funcionamiento normal del sistema no comprenden un proceso de comprobación del sistema.

- 1 Retire la celda de flujo de pruebas reutilizable y el cartucho de pruebas reutilizable del lugar de almacenamiento a temperatura ambiente.
- 2 En el menú del software de control, seleccione **System Check** (Comprobación del sistema). El cuadro de diálogo System Check (Comprobación del sistema) aparece con las pruebas mecánica, térmica, óptica y del sensor seleccionadas.
- 3 Seleccione **Unload** (Descargar) para abrir la puerta del compartimento del cartucho y expulsar la bandeja.
- 4 Si está presente, extraiga el cartucho utilizado de la bandeja.
- 5 Inspeccione la superficie de vidrio de la celda de flujo reutilizable en busca de residuos visibles. Si los hay, límpiela de la siguiente manera.
 - a Limpie la superficie de vidrio con un paño humedecido en alcohol.
 - b Seque con una toallita de laboratorio sin pelusa.
 - c Asegúrese de que la celda de flujo no tenga pelusas ni fibras.

En circunstancias normales, no hace falta limpiar la celda de flujo de pruebas reutilizable.

- 6 Sujete la celda de flujo de pruebas reutilizable por los puntos de agarre con la etiqueta orientada hacia arriba.
- 7 Inserte la celda de flujo de pruebas reutilizable en la ranura de la parte delantera del cartucho de pruebas reutilizable.
Oirá un clic que indica que la celda de flujo está en su sitio. Cuando se haya cargado correctamente, el agarre sobresaldrá del cartucho y el vidrio podrá verse desde la ventana de acceso.



- a Carga de la celda de flujo de pruebas reutilizable
 - b Celda de flujo de pruebas reutilizable cargada
- 8 Coloque el cartucho de pruebas reutilizable en la bandeja de manera que la ventana de acceso esté orientada hacia arriba y la celda de flujo se encuentre dentro del instrumento.



- 9 Seleccione **Load** (Cargar) para cargar el cartucho de pruebas reutilizable y cerrar la puerta.
- 10 Seleccione **Start** (Iniciar) para comenzar la comprobación del sistema.
Durante la comprobación del sistema, el software expulsa y retrae el cartucho una vez.



NOTA

El cartucho y la celda de flujo de pruebas reutilizables son válidos para 36 usos o 5 años a partir de la fecha de fabricación, lo que ocurra primero. El número restante de usos se muestra en la pantalla.

- 11 Cuando finalice la comprobación del sistema, verifique si se ha superado o no cada prueba.

Resultado	Indicación	Acción
Se han superado las cuatro pruebas	El instrumento funciona correctamente y es posible que el problema esté relacionado con un consumible o una biblioteca.	Configure un experimento nuevo. Si se almacenaron los consumibles del experimento anterior, utilícelos para el nuevo experimento.
No se ha superado al menos una prueba	Puede que el instrumento tenga un problema de hardware.	Póngase en contacto con el servicio de asistencia técnica de Illumina.

- 12 Seleccione **Unload** (Descargar) para expulsar el cartucho de pruebas reutilizable.
- 13 Retire el cartucho de pruebas reutilizable de la bandeja.
- 14 Retire la celda de flujo de pruebas reutilizable del cartucho.
- 15 Devuelva los componentes de pruebas reutilizables al embalaje original y guárdelos a temperatura ambiente.
- 16 Cierre el cuadro de diálogo System Check (Comprobación del sistema).

Mitigar fugas

Si se detecta una conexión de fluidica deficiente, un problema con el cartucho o una fuga durante una secuenciación o una comprobación previa al experimento, el software finaliza el experimento y se lo notifica. Después de evaluar la fuga y limpiar el instrumento, una comprobación del sistema confirma el funcionamiento normal del instrumento.

Una bandeja para gotas en la base del instrumento captura los líquidos que se fugan del cartucho. Sin embargo, los líquidos fugados pueden alcanzar otras áreas del sistema. En condiciones normales, la bandeja para gotas está seca.

Evaluar la fuga

- 1 Utilice un nuevo par de guantes sin talco.



ADVERTENCIA

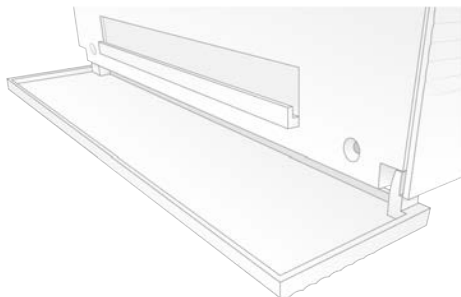
Este conjunto de reactivos contiene sustancias químicas potencialmente peligrosas. Evite su inhalación, ingestión y el contacto con la piel o los ojos, puesto que puede provocar lesiones. Utilice un equipo de protección adecuado para el riesgo de exposición, incluidas gafas, guantes y batas de laboratorio. Manipule los reactivos utilizados como residuos químicos y deséchelos de conformidad con las normativas y leyes regionales, nacionales y locales aplicables. Para obtener más información sobre seguridad, salud y medioambiente, consulte la hoja de datos de seguridad en support.illumina.com/sds.html.

- 2 Siga las indicaciones que aparezcan en pantalla para expulsar el cartucho.
- 3 Inspeccione el cartucho en busca de líquidos.
Es aceptable un pequeño volumen de líquido (<500 µl) en la superficie de vidrio de la celda de flujo.
- 4 Si no ve líquido (o se observa un volumen aceptable de líquido), continúe en la sección *Limpiar el instrumento*.
Después de limpiar, una comprobación del sistema confirmará el funcionamiento normal.
- 5 Si se aprecia un volumen significativo de líquido en la celda de flujo, el cartucho o el instrumento, apague y desconecte como se indica a continuación y póngase en contacto con el servicio de asistencia técnica de Illumina.
 - a En el menú, seleccione **Shut Down System** (Apagar sistema).
 - b Si el comando de apagado no responde, mantenga pulsado el botón de encendido en el lado izquierdo del instrumento hasta que la luz se apague.
 - c Cuando el botón de encendido parpadee, pulse el lado de apagado (**O**) del interruptor en el panel trasero del instrumento.
 - d Espere 30 segundos.
 - e Desconecte el cable de alimentación de la toma de la pared y, a continuación, de la toma de alimentación de CA en el panel trasero.
 - f Si procede, desconecte el cable Ethernet de la toma de la pared y, a continuación, del puerto Ethernet en el panel trasero.

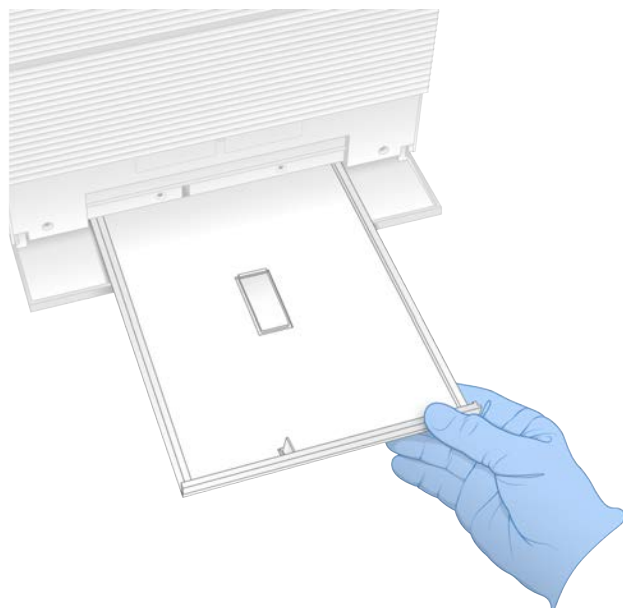
Limpiar el instrumento

- 1 Por motivos de seguridad, apague y desconecte el instrumento:
 - a En el menú, seleccione **Shut Down System** (Apagar sistema).
 - b Si el comando de apagado no responde, mantenga pulsado el botón de encendido en el lado izquierdo del instrumento hasta que la luz se apague.
 - c Cuando el botón de encendido parpadee, pulse el lado de apagado (**O**) del interruptor en el panel trasero del instrumento.
 - d Espere 30 segundos.
 - e Desconecte el cable de alimentación de la toma de la pared y, a continuación, de la toma de alimentación de CA en el panel trasero.
 - f Si procede, desconecte el cable Ethernet de la toma de la pared y, a continuación, del puerto Ethernet en el panel trasero.

- Localice la puerta de la bandeja para gotas debajo del compartimento del cartucho en la parte delantera del instrumento y, a continuación, baje la puerta.



- Abra la bandeja para gotas y retire la almohadilla de dicha bandeja.



- Limpié cualquier líquido residual de la parte inferior de la bandeja con papel absorbente.
- Deseche la almohadilla y otros consumibles de acuerdo con la normativa vigente, que puede variar en función de la zona geográfica.
Para obtener más información, consulte la hoja de datos de seguridad (SDS) en support.illumina.com/sds.html.
- Coloque una nueva almohadilla en la bandeja para gotas.
- Cierre la bandeja para gotas y, a continuación, cierre la puerta de la bandeja para gotas.
- Seque cualquier líquido visible en el instrumento o a su alrededor con papel absorbente.
- Encienda y vuelva a conectar el instrumento como se indica a continuación.
 - Si procede, conecte el cable Ethernet a un puerto Ethernet.
 - Conecte el cable de alimentación a la entrada de alimentación de CA en el panel trasero y, a continuación, a una toma de pared.
 - Pulse el lado de encendido (I) del interruptor en el panel trasero.
 - Cuando el botón de encendido parpadee, púlselo.

- e Cuando el sistema operativo se cargue, inicie sesión en Windows.

El software de control se abre e inicia el sistema. Cuando finaliza la inicialización, aparece la pantalla Home (Inicio).

- 10 Realice una comprobación del sistema para confirmar que el sistema funciona con normalidad. Si se supera la comprobación del sistema, el instrumento puede reanudar su funcionamiento normal. Si desea obtener instrucciones, consulte *Realizar una comprobación del sistema en la página 50*.

Restablecer la configuración de fábrica

Restablezca los valores predeterminados de fábrica del sistema para degradar la versión del software, recuperar el sistema tras una configuración no deseada o borrar datos del usuario antes de devolver un instrumento a Illumina. Al restaurar el sistema se desinstala el software de control y se borra la unidad C.

- 1 Si el repositorio de genomas de referencia para Local Run Manager reside en la unidad C:
 - a Mueva el repositorio a `D:\Illumina\Genomes` o a otra carpeta local o de red, que no resida en la unidad C.
 - b En Local Run Manager, restablezca la ruta del repositorio a `D:\Illumina\Genomes` u otra carpeta local o de red, que no resida en la unidad C. Para obtener instrucciones, consulte la *Guía del software Local Run Manager (n.º de documento 1000000002702)*.
- 2 Reinicie Windows.
- 3 Cuando se le solicite seleccionar un sistema operativo, seleccione **Restore to Factory Settings** (Restablecer configuración de fábrica).

Las opciones del sistema operativo aparecen brevemente antes de continuar automáticamente con iSeq Control Software.
- 4 Espere unos 30 minutos a que finalice la restauración.

La restauración puede incluir varios reinicios. Cuando finalice, el sistema se reinicia con la configuración original de fábrica y sin el software de control.
- 5 Instale el software de control:
 - a Descargue el instalador de software de las páginas de asistencia del sistema de secuenciación iSeq 100. Guarde el instalador en una ubicación de red o en una unidad USB portátil.
 - b Copie el instalador en `C:\Illumina`.
 - c Abra `iSeqSuiteInstaller.exe` y, a continuación, siga las indicaciones para llevar a cabo la instalación.
 - d Una vez finalizada la actualización, seleccione **Finish** (Finalizar).
 - e Apague y encienda el instrumento. Para obtener instrucciones, consulte *Ciclo de apagado y encendido del instrumento en la página 49*.
- 6 Siga las indicaciones en pantalla para llevar a cabo la primera configuración, incluida la comprobación del sistema con el cartucho de pruebas reutilizable y la celda de flujo de pruebas reutilizable.
- 7 Instale cualquier módulo de análisis de Local Run Manager:
 - a Cambie a la cuenta de sistema operativo `sbsadmin`.
 - b Descargue los instaladores del software de la página de asistencia de Local Run Manager. Guarde los instaladores en una ubicación de red o en una unidad USB portátil.
 - c Copie el instalador en `C:\Illumina`.
 - d Abra el instalador (`*.exe`) y, a continuación, siga las indicaciones para llevar a cabo la instalación.
 - e Una vez finalizada la actualización, seleccione **Finish** (Finalizar).

Apéndice C Intercambio avanzado

Intercambio del sistema iSeq 100	56
Recibir un sistema de sustitución	56
Preparar el sistema original para su devolución	56
Devolver el sistema original	60

Intercambio del sistema iSeq 100

Puesto que el filtro de aire y la almohadilla de la bandeja para gotas son las únicas piezas que se pueden reparar que tiene el sistema iSeq 100, Illumina utiliza el intercambio avanzado para solucionar problemas que no se pueden resolver de forma remota.

Con el intercambio avanzado, se sustituye un sistema dañado o defectuoso por un sistema restaurado. Con el fin de minimizar el tiempo de inactividad, recibirá el sistema de sustitución antes de que envíe el original.

Disponibilidad regional

Intercambio avanzado se encuentra disponible en la mayoría de las regiones. Otras regiones pueden seguir confiando en los especialistas de campo. Pregunte al servicio de asistencia técnica de Illumina qué modelos compatibles se encuentran disponibles en su región.

Recibir un sistema de sustitución

- 1 Tras una comprobación del sistema y varios intentos fallidos de solución de problemas, póngase en contacto con el servicio de asistencia técnica de Illumina.
 - ▶ Si es posible, realice otra comprobación del sistema con un cartucho de pruebas reutilizable y una celda de flujo de pruebas reutilizable diferentes.
 - ▶ Ponga los resultados de la comprobación del sistema a disposición del servicio de asistencia técnica. Si este servicio no puede resolver el problema de manera remota, se iniciará un proceso de devolución y se emitirá un pedido para un sistema de sustitución.
- 2 Cuando reciba el sistema de sustitución:
 - ▶ Desembálelo e instálelo según se indica en el *cartel de configuración del sistema de secuenciación iSeq 100 (n.º de documento 1000000035963)*.
 - ▶ **Guarde todos los componentes del embalaje**, ya que se utilizarán para envolver el sistema original y los componentes de pruebas reutilizables en la devolución.
 - ▶ Conserve los documentos de devolución, que incluyen una etiqueta de devolución de UPS y una factura comercial (para envíos internacionales).

Preparar el sistema original para su devolución

Devuelva el sistema original, el cartucho de pruebas reutilizable y la celda de flujo de pruebas reutilizable a Illumina en un plazo de 30 días como máximo a partir de la fecha de recepción del instrumento de sustitución.

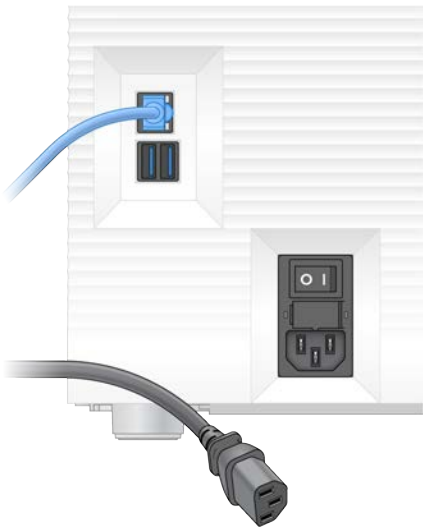
Apagar y desconectar

Si el sistema está encendido, siga los pasos del 3 para guardar y borrar datos antes de apagar el sistema de forma segura. Siga los demás pasos para retirar un cartucho (si es necesario) y desconecte los cables.

- 1 Desde el explorador de archivos, copie los archivos y carpetas que desee guardar en una unidad USB portátil.
El usuario define la ubicación de los datos de secuenciación, pero la **unidad D** es la ubicación predeterminada.
- 2 Elimine los archivos y las carpetas que no desee compartir con Illumina.
- 3 Apague el sistema como se indica a continuación.
 - a En el menú, seleccione **Shut Down System** (Apagar sistema).
 - b Si el comando de apagado no responde, mantenga pulsado el botón de encendido en el lado izquierdo del instrumento hasta que la luz se apague.
 - c Cuando el botón de encendido parpadee, pulse el lado de apagado (**O**) del interruptor en el panel trasero del instrumento.
- 4 Si hay un cartucho dentro del instrumento, reinicie el sistema y retire el cartucho como se indica a continuación.
 - a Pulse el lado de encendido (**I**) del interruptor en el panel trasero.
 - b Cuando el botón de encendido parpadee, púselo.
 - c Cuando el sistema operativo se cargue, inicie sesión en Windows.
 - d En el menú del software de control, seleccione **System Check** (Comprobación del sistema).
 - e Seleccione **Unload** (Descargar) para expulsar el cartucho y, a continuación, retire el cartucho de la bandeja.
 - f Si la expulsión falla, póngase en contacto con el servicio de asistencia técnica de Illumina para obtener más instrucciones.
 - g Seleccione **Load** (Cargar) para retraer la bandeja vacía y cerrar la puerta.
 - h Cierre el cuadro de diálogo System Check (Comprobación del sistema) y, a continuación, cierre el sistema.

Es necesario apagar el sistema y reiniciarlo para colocar el cartucho para su retirada.

- 5 Desconecte el cable de alimentación de la toma de la pared y, a continuación, de la toma de alimentación de CA en el panel trasero.



- 6 Si procede, desconecte los siguientes componentes:
 - ▶ El cable Ethernet de la toma de la pared y, a continuación, del puerto Ethernet en el panel trasero.

- ▶ El teclado y el ratón de los puertos USB del panel trasero.

Descontaminar el instrumento

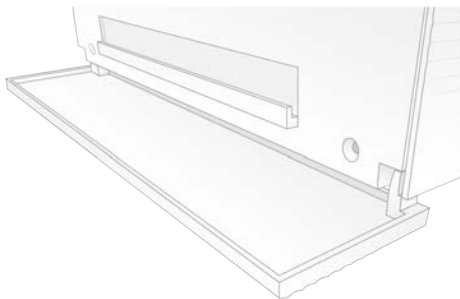
Para enviar un instrumento hace falta seguir el siguiente procedimiento de descontaminación. Ilumina confirma que ha finalizado. Debido a los peligros específicos del centro, puede ser necesario hacer otra descontaminación más.

Descontaminar con lejía

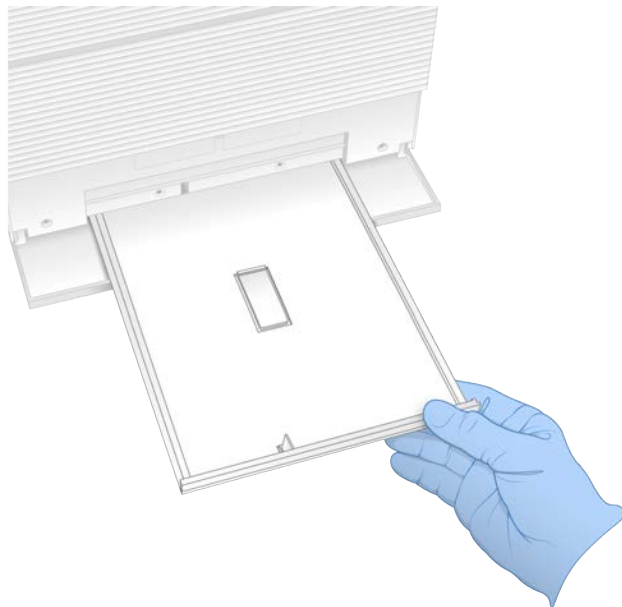
- 1 Utilice un nuevo par de guantes sin talco.
- 2 Baje el monitor del instrumento.
- 3 Tire suavemente de la puerta del compartimento de cartuchos por los extremos laterales para abrirla.



- 4 Limpie toda la puerta del compartimento con un paño humedecido en lejía:
 - ▶ Interior de la puerta
 - ▶ Exterior de la puerta
 - ▶ Bisagras de la puerta
- 5 Cierre la puerta del compartimento de cartuchos.
- 6 Localice la puerta de la bandeja para gotas debajo del compartimento del cartucho en la parte delantera del instrumento y, a continuación, baje la puerta.



- 7 Abra la bandeja para gotas y retire la almohadilla de dicha bandeja.



- 8 Limpie cualquier líquido residual de la parte inferior de la bandeja con papel absorbente.
- 9 Deseche la almohadilla y otros consumibles de acuerdo con la normativa vigente, que puede variar en función de la zona geográfica.
Para obtener más información, consulte la hoja de datos de seguridad (SDS) en support.illumina.com/sds.html.
- 10 Limpie la bandeja para gotas con un paño con lejía.
- 11 Espere 15 minutos para que la lejía haga efecto.

Neutralizar con alcohol

- 1 Humedezca un paño o papel absorbente con agua.
Se admite cualquier tipo de agua, incluida agua del grifo.
- 2 Limpie los siguientes componentes con el paño humedecido o con papel absorbente:
 - ▶ Bandeja para gotas
 - ▶ Puerta del compartimento del cartucho (interior, exterior y bisagras)El agua evita que se mezclen la lejía y el alcohol.
- 3 Vuelva a limpiar los siguientes componentes con un paño humedecido en alcohol:
 - ▶ Bandeja para gotas
 - ▶ Puerta del compartimento del cartucho (interior, exterior y bisagras)El alcohol elimina cualquier resto de lejía, lo que puede producir corrosión.
- 4 Asegúrese de que la puerta de la bandeja para gotas y la puerta del compartimento del cartucho están cerradas.
- 5 Limpie la mesa del laboratorio alrededor del instrumento con una solución con lejía o paños humedecidos en lejía.

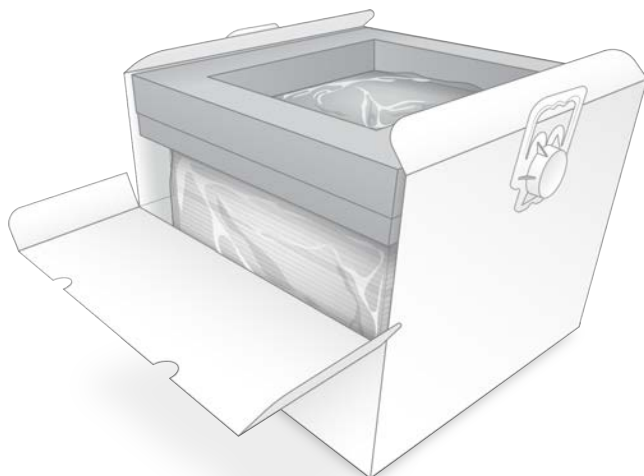
Devolver el sistema original

Embalar el instrumento

- 1 Deje espacio suficiente en el laboratorio para el instrumento y el embalaje.
- 2 Inserte la almohadilla de espuma pequeña entre el monitor que se ha bajado y el instrumento.
- 3 Coloque la bolsa de plástico gris sobre el instrumento.



- 4 Baje la solapa frontal de la caja blanca.
- 5 Coloque el instrumento en el interior de la caja blanca con la parte delantera del instrumento orientada hacia usted.
- 6 Coloque la espuma cuadrada sobre el instrumento de forma que los lados más finos de la espuma reposen sobre la parte frontal y trasera del instrumento. Asegúrese de que la espuma está nivelada con la parte superior de la caja.

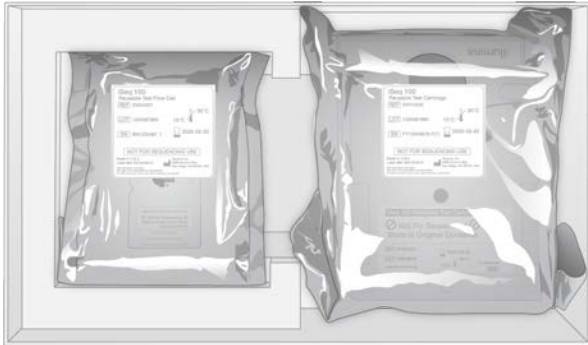


- 7 Cierre la solapa frontal y, a continuación, cierre la parte superior de la caja.

Embalar los componentes de prueba reutilizables

- 1 Coloque el cartucho de pruebas reutilizable i1 del sistema iSeq 100 en la bolsa resellable más grande y ciérrela.

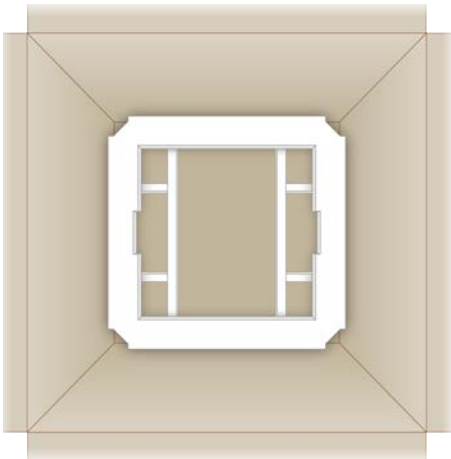
- 2 Coloque la celda de flujo de pruebas reutilizable i1 del sistema iSeq 100 en el estuche protector.
- 3 Coloque el estuche protector en la bolsa resellable más pequeña y ciérrela.
- 4 Coloque ambas bolsas resellables en la caja de accesorios del sistema de secuenciación iSeq 100.



- 5 Cierre la caja de accesorios.

Enviar el sistema

- 1 Si se retiró, coloque la base de espuma protectora en el fondo de la caja de envío marrón.



- 2 Levante la caja blanca por las asas (se recomienda que la levanten dos personas) y, a continuación, introdúzcala en la caja marrón. Puede introducirla en cualquier orientación.

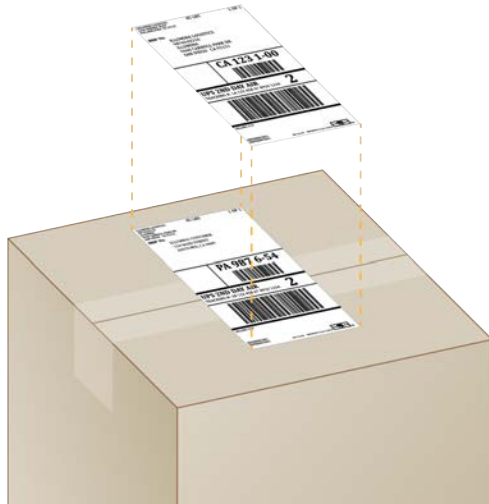


PRECAUCIÓN

La caja blanca debe enviarse dentro de la caja marrón. La caja blanca no está diseñada ni etiquetada para envíos.

- 3 Coloque la cubierta de espuma protectora sobre la parte superior de la caja blanca.
- 4 Coloque la caja de accesorios en el centro de la cubierta de espuma.
- 5 Coloque la almohadilla de espuma negra encima de la caja de accesorios.
- 6 **[Opcional]** Coloque el cable Ethernet y el cable de alimentación en cualquier parte dentro de la caja marrón.
- 7 Cierre la caja marrón y asegúrela con cinta adhesiva para envíos.

- 8 Coloque la etiqueta de devolución encima de la etiqueta de envío original o retire la etiqueta de envío original.



- 9 **[Envío internacional]** Adjunte la factura comercial a la caja de envío.
- 10 Envíe el instrumento a Illumina mediante UPS.
- ▶ Si su laboratorio tiene programadas entregas diarias con UPS, entregue la caja de envío etiquetada al repartidor.
 - ▶ Si su laboratorio no tiene programadas entregas diarias con UPS, notifíquelo al Servicio de atención al cliente de Illumina para que puedan concertar un envío de devolución para usted.

Índice alfabético

%

% de ocupación 20

% de PF 20

A

acceso remoto 26

actualizaciones de firmware 35

actualizaciones de software

automáticas 34

manuales 34

adaptadores de índice

i5 31

i7 31

adición de ciclos 21

advertencias 6, 44, 49

ajustes de configuración 44

alertas 34-35

algoritmo Phred 47

alimentación de CA

entrada 3

toma 38, 53, 56

alineación de especificaciones 49

alineación de PhiX 46

almacenamiento

bibliotecas diluidas 22

cartuchos descongelados 21

kits de reactivos 7

almohadillas 19, 54, 58

amplificación 20

AmpliSeq Library PLUS for Illumina 20

análisis

basado en nube 1

de imágenes 5

estado 7

fuera del instrumento 20

local 1

métodos 5, 20

apagar 38, 49, 53, 57

apilar, cartucho 56

archivos

BCL 6, 42

conversión 42

de configuración 42

de filtros 42

de llamada de bases 42

FASTQ 30, 42

InterOp 42

archivos de llamada de bases 20

archivos de registro 44

asignar nombre

hojas de muestras 15

nombre del ordenador 6

sobrenombre del instrumento 15

asistencia al cliente 69

ayuda

icono 26, 30

técnica 69

Windows 10 17

B

bandeja de cartuchos 4

bandeja para gotas 52

almohadillas 19, 56

puerta 54, 58

ubicación 54, 58

baños de agua 21

barra de estado 3

barra de luz 3

barra de tareas de Windows 12

bases G 46

bases, codificación de datos 45

BaseSpace Sequence Hub 1

carga de archivos 7

configuración rápida 12

requisitos de la hoja de muestras 15

batas de laboratorio 21

BCL, archivos 6, 42

bibliotecas 1, 8

almacenar 1 nM 22

compatibles 23

concentraciones de inicio 22

de cadena doble 22

de control 24

desnaturalizar 20

bibliotecas de control 11

botón de encendido 3, 38, 49

C

cable de alimentación 3, 38, 53, 56

cable Ethernet 53, 56

caja blanca 60

caja de accesorios 60

carpeta de experimentos 16, 34, 43

carpeta de resultados 7, 28, 31, 34, 42

acceso 12

- ubicación predeterminada 16, 43
- carpeta de resultados predeterminada 16
- carriles, celda de flujo 8
- cartel de configuración 2, 56
- cartucho
 - almacenamiento 7, 49
 - apilado en instrumento 56
 - bandeja 4
 - de pruebas reutilizable 50, 56
 - desecho 29, 32
 - eliminación 49
 - embalaje 21
 - envase 22
 - orientación de carga 27, 30
 - vídeo de preparación 22
- celdas de flujo
 - almacenamiento 7
 - carriles 8
 - de pruebas reutilizables 50, 56
 - de tramas 8
 - desecho 29, 32
 - número de ciclos 9
- Chromium
 - abrir 26
 - pantalla en blanco 26
- ciclo de apagado y encendido 48
- ciclos
 - de apagado y encendido 18, 28, 32, 48
 - de congelación-descongelación 21
 - de lectura 31
- código de lote 9
- compartimento de consumibles 3
- compatibilidad
 - bibliotecas 23
- comprobaciones
 - de fallos en el sistema 50
 - de flujo 28, 32
 - del instrumento 28, 32
 - del sistema 48, 54
 - duración 50
 - previas al experimento 50
 - resultados 50
- comprobaciones del sistema 53
- concentraciones de carga 20, 23
- concentraciones de inicio 22
- condiciones de almacenamiento 7, 9
- configuración
 - edición 13
 - editar 12
 - primera configuración 11
- configuración de audio 15

- configuración de experimento
 - opciones de configuración 12-13
 - pantallas 30
- configuración de sonido 15
- configuración del experimento
 - pantallas 26
- configuración localizada 12-13
- configuración predeterminada de fábrica 55
- configuración rápida 12
- consumibles
 - desecho 29, 32
 - embalaje 9
 - lectura 27, 30
 - reutilizar 28, 32
 - seguimiento 1, 7
- contraseñas
 - cambiar 11
 - políticas predeterminadas 11
- control de calidad, bibliotecas 22
- convertir archivos 42
- corrosión, evitar 59
- cuentas
 - de administrador 11, 40
 - de usuario 11

D

- datos de rendimiento 27, 31
- degradar versión de software 55
- delección de datos 56
- depósito de bibliotecas 25
- desactivar 53, 57
- desconectar 53
- desecho electrónico 29, 32, 49
- desempaquetar 56
- DesignStudio 1
- desnaturalizar 20
- desnaturalizar bibliotecas 20, 22
- detención de experimentos 49
- devoluciones
 - documentos 56
 - etiquetas 61
 - plazos 56
- diagnóstico 50
- diluir bibliotecas 20
- direcciones IP 6
- disco duro 6, 34
- diversidad de bases 24, 46
- documentación 1, 69
- dominios privados 13

E

- edición de parámetros de experimentos 28
- EEPROM 7
- eliminar experimentos 6, 34
- embalaje 61
 - cartucho 21
- empaquetar
 - envíos de devolución 56
- ensayo
 - control 24
 - diseño 1
- envase
 - abertura 22
 - celda de flujo 22, 25
 - eliminación 22, 25
- envíos internacionales 61
- equipo de protección personal 21
- errores 6, 44, 49
 - mensajes 48
 - probabilidad 47
- espacio del disco 6, 34
- especialistas de campo 56
- especificaciones del congelador 19
- especificaciones del refrigerador 19
- Ethernet 3, 38
 - activar 17
- etiquetas de envío 61
- experimentos
 - almacenamiento en BaseSpace Sequence
 - Hub 12-13
 - comprobar estado 6, 29, 32
 - edición de parámetros 28
 - recuento 6, 43
 - supervisión en BaseSpace Sequence
 - Hub 12-13
 - tamaño 16, 34

F

- fabricante 9
- factura comercial 61
- FASTQ, archivos 30, 42
- fechas de caducidad 9, 36
- ficha Customization (Personalización) 11, 15
- ficha Network Access (Acceso a la red) 11, 16
- ficha Settings (Configuración) 11-12
- filtros
 - grupos 46
 - superación 29, 32

- filtros de aire 56
 - repuestos 19
 - ubicación 36
- finalización de experimentos 49
- firmware
 - actualizaciones 35
- flúidica 8
- formamida 29, 32
- fórmulas
 - fragmentos 6
 - software 34
- fuera del instrumento
 - análisis 20
- fugas de fluidos 52-53

G

- gafas de seguridad 21
- garantía 19
- GPO 39
- grupos
 - % que superan el filtro 46
 - filtro 46
 - optimización 20
 - ubicaciones 42
- grupos de trabajo 27, 31
- guía de agrupación 46

H

- hebras adelantadas 21, 45
- hebras retrasadas 21, 45
- Herramienta de selección de protocolos
 - personalizados 2
- hielo seco 21
- hoja de muestras 27, 31
- Hojas de datos de seguridad 29, 32, 53-54, 58
- hojas de muestras 30, 44
 - asignar nombre 15
 - plantillas 15, 30

I

- i5, adaptadores de índice 31
- i7, adaptadores de índice 31
- iconos 6, 9
- IDT para índices UD TruSeq de Illumina 46
- iluminador 8
- imágenes 16, 20, 42, 44-45

índices

- ciclos 9, 21
 - lecturas 31
 - secuencias del adaptador 46
- inicialización 38, 50, 54
- fallo 49
- inicio automático de experimento 28, 32
- instalar software 34
- instrumento
- instalación 56
 - peso 38
- intensidades 45
- interfaz eléctrica 8, 25
- InterOp, archivos 42
- interruptor de alimentación 3, 38, 49

J

- juntas 25

K

- kit de pruebas 19
- kit de pruebas del sistema iSeq 100 50
- kit flexible de ADN Nextera 20
- kits 7, 18
- de preparación de bibliotecas 1, 20
 - de reactivos 7
 - números de catálogo 19

L

- lavados 8
- lectura "paired end" 28, 31
- lectura única 28, 31
- limpiar con lejía 58
- limpieza de celdas de flujo 50
- líneas de comandos 18
- líquidos, fugas 52
- lista blanca, SRP 39
- llamadas de bases 5, 20, 46
- Local Run Manager 5
- acceso remoto 26
 - configuración rápida 12
 - crear experimentos 26
 - descargas 34
 - documentación 1, 28
 - estado 7
 - guías de flujo de trabajo 28

- hojas de muestras
 - creación 15
- módulos 34
- longitudes de lectura 21

M

- manifiesto de muestras 44
- máximo de ciclos 21
- mediciones
- de castidad 46
 - de rendimiento 29, 32
 - de rendimiento total proyectado 29, 32
- métodos de normalización 22
- microtubos de baja adherencia 22
- miniaturas, guardar imágenes 15
- minimizar el software de control 12
- mínimo de ciclos 21
- modelos compatibles 56
- modo Local Run Manager, información 26
- modo Manual
- archivos FASTQ 30, 42
 - información 30
- monitor 3
- mover 3, 38

N

- nanopocillos 45
- Nextera Flex for Enrichment 20
- NGS 1
- nombre del experimento 31
- nombres de ordenador 6
- nucleótidos 20, 45
- números
- de catálogo 18
 - de lote 9
 - de referencia 9
 - de serie 6, 43

O

- Objeto de directiva de grupo 39
- ocupación, porcentaje 20, 29, 32
- opciones de adaptadores, WiFi 17
- opciones de análisis de datos 12-13
- optimización de la concentración de carga 20
- orientaciones de i5 30
- orientaciones de Index 2 (Índice 2) 30

P

- páginas de asistencia, sitio web 34
- pantalla en blanco, Chromium 26
- paquete de software 1, 5
- paquete del sistema, instalador 34
- pasos de integración 20
- pérdida de conexión 49
- peso 38
- PF 46
- PF, porcentaje 29, 32
- PhiX 11, 18-19, 24
- piezas para reparar 56
- placas 42
- plantilla, hojas de muestras 15, 30
- porcentaje
 - de grupos que superan el filtro 29, 32
 - de ocupación 29, 32
- preparación del centro 2, 16, 38, 60
- primera configuración 36, 55
- privados, dominios 13
- privilegios, cuenta de administrador 40
- problemas técnicos, asistencia 69
- proceso detenido 48
- proceso incompleto 48
- Process Management 29, 32, 34
- puertas
 - abrir manualmente 58
 - cerrar 27, 30
 - diseño 4
- puertos
 - Ethernet 53, 56
 - USB 3, 35
- puntos de agarre 8, 25
- puntuaciones de calidad 20
- puntuaciones Q 29, 32, 47

Q

Q30 29, 32

R

- ratón 3, 12
- reactivos 7-8
 - almacenamiento 7
 - compatibilidad de software 7
 - desecho 29, 32
 - eliminación 49
 - mezcla 22

- reactivos i1 de iSeq 100 7, 18
- reactivos usados 4, 8
- reanudación de experimentos 49
- reconectar 54
- red
 - configuración predeterminada 16
 - directrices 16
- reiniciar 55
- rendimiento de desmultiplexado 46
- repuestos 36
- restauración 56
- resultados
 - carpeta predeterminada 28
- RFID 2, 7
- RunInfo.xml 42

S

- sbsadmin frente a sbsuser 11
- SDS 54, 58
- secuenciación
 - ciclos 9
 - flujo de trabajo 1
 - lecturas 9
- secuenciación de un solo colorante 20, 45-46
- secuencias del adaptador 15, 30
- seguimiento de consumibles 1, 7
- seguridad 39
 - personalización 40
- seguridad y conformidad normativa 2
- sensor óptico 8
- sensores 49
- sensores CMOS 8, 25, 43
- Sequencing Analysis Viewer 42
- Servicio de copia universal 5, 7, 16, 34
- silenciar 15
- sistema iSeq 100, kit de pruebas 19
- sistema operativo 38, 50, 54
- sistemas de devolución 56
- sobrenombre 15
- software
 - actualizaciones 34
 - actualizar configuración 15
 - alertas de actualizaciones 35
 - compatibilidad de reactivos 7
 - configuración de actualizaciones 16
 - degradar versión 55
 - instalar 34
- software de conversión bcl2fastq2 42
- SRP predeterminadas 39
- subsistemas 50

- superación de comprobación del sistema 50
- superación de filtros 20
- Supervisión proactiva de Illumina 12-13
- supervisión remota 27, 31
- suscripciones Enterprise 13
- sustancias químicas peligrosas 9, 29, 32
- sustitución del RSB 18, 22
- System Settings (Configuración del sistema) 11, 15

T

- tablas de calidad 47
- tampón de resuspensión 18, 22
- teclados 3, 12
- tipos de cuenta 11
- tipos de lectura 21, 31
- toallitas con lejía 19
- toallitas humedecidas en alcohol 19
- toma de pared 53, 56
- TruSeq DNA Nano 20
- TruSeq DNA PCR-Free 20
- TSV, formato de archivo 44
- tubos, baja adherencia 22

U

- ubicaciones de alojamiento 12-13
- umbrales de calidad 46
- unidad C 16, 55
- unidad D 6, 16, 34, 56
- unidades externas 16
- unidades internas 16
- UPS 61

V

- ventana de acceso, cartucho 8
- ventiladores 36
- vistas en miniatura 16

W

- WiFi, activar 17
- Windows
 - configuración 17
 - cuentas 11
 - inicio de sesión 38, 50, 54
 - seguridad 39

Asistencia técnica

Si necesita asistencia técnica, póngase en contacto con el servicio de asistencia técnica de Illumina.

Sitio web: www.illumina.com
Correo electrónico: techsupport@illumina.com

Números del servicio de asistencia al cliente de Illumina

Región	Teléfono gratuito	Regional
Norteamérica	+1.800.809.4566	
Alemania	+49 8001014940	+49 8938035677
Australia	+1.800.775.688	
Austria	+43 800006249	+43 19286540
Bélgica	+32 80077160	+32 34002973
China	400.066.5835	
Dinamarca	+45 80820183	+45 89871156
España	+34 911899417	+34 800300143
Finlandia	+358 800918363	+358 974790110
Francia	+33 805102193	+33 170770446
Hong Kong	800960230	
Irlanda	+353 1800936608	+353 016950506
Italia	+39 800985513	+39 236003759
Japón	0800.111.5011	
Noruega	+47 800 16836	+47 21939693
Nueva Zelanda	0800.451.650	
Países Bajos	+31 8000222493	+31 207132960
Reino Unido	+44 8000126019	+44 2073057197
Singapur	+1.800.579.2745	
Suecia	+46 850619671	+46 200883979
Suiza	+41 565800000	+41 800200442
Taiwán	00806651752	
Otros países	+44.1799.534000	

Hojas de datos de seguridad (SDS): Disponibles en el sitio web de Illumina, support.illumina.com/sds.html.

Documentación del producto: Disponible para su descarga en formato PDF en el sitio web de Illumina. Vaya a support.illumina.com, seleccione un producto y, a continuación, seleccione **Documentation & Literature** (Documentación y bibliografía).



Illumina
5200 Illumina Way
San Diego, California 92122 (EE. UU.)
+ 1 800 809 ILMN (4566)
+ 1 858 202 4566 (fuera de Norteamérica)
techsupport@illumina.com
www.illumina.com

**Para uso exclusivo en investigación.
Prohibido su uso en procedimientos de diagnóstico.**

© 2019 Illumina, Inc. Todos los derechos reservados.

illumina®