

Este documento e seu conteúdo são propriedade da Illumina, Inc. e de suas afiliadas (“Illumina”) e destinam-se exclusivamente ao uso contratual de seu cliente com relação ao uso dos produtos descritos neste documento e para nenhuma outra finalidade. Este documento e seu conteúdo não devem ser usados ou distribuídos para nenhuma outra finalidade nem comunicados, divulgados ou reproduzidos de nenhuma forma sem o consentimento prévio por escrito da Illumina. A Illumina não concede nenhuma licença sob seus direitos de patente, marca registrada, direitos autorais ou lei comum, nem direitos semelhantes de terceiros por meio deste documento.

As instruções neste documento devem ser estrita e explicitamente seguidas por pessoal devidamente treinado e qualificado para garantir o uso adequado e seguro dos produtos descritos neste documento. Todo o conteúdo deste documento deve ser inteiramente lido e entendido antes da utilização de tais produtos.

NÃO LER COMPLETAMENTE E NÃO SEGUIR EXPLICITAMENTE TODAS AS INSTRUÇÕES AQUI CONTIDAS PODE RESULTAR EM DANOS AO(S) PRODUTO(S), FERIMENTOS A PESSOAS, INCLUSIVE USUÁRIOS OU OUTROS, E DANOS A OUTROS BENS, ANULANDO TODA GARANTIA APLICÁVEL AO(S) PRODUTO(S).

A ILLUMINA NÃO SE RESPONSABILIZA POR QUALQUER PROBLEMA CAUSADO PELO USO INDEVIDO DO(S) PRODUTO(S) MENCIONADO(S) ACIMA (INCLUINDO PARTES SEPARADAS OU SOFTWARE).

© 2019 Illumina, Inc. Todos os direitos reservados.

Todas as marcas comerciais pertencem à Illumina, Inc. ou aos respectivos proprietários. Para obter informações específicas sobre marcas comerciais, consulte www.illumina.com/company/legal.html.

Histórico de revisões

Documento	Data	Descrição da alteração
Material n.º 20006831 Documento n.º 15069765 v06	Junho de 2019	<p>Adicionadas as informações do grupo de trabalho para o BaseSpace Sequence Hub durante a configuração da execução.</p> <p>Adicionadas as informações do caminho UNC para a pasta de saída.</p> <p>Adicionada a solução de problemas para os erros de armazenamento de rede.</p> <p>Esclarecido que as direções do filtro de ar referem-se aos instrumentos com um filtro acessível a partir do painel traseiro.</p> <p>Atualizado o local dos arquivos que estavam na pasta raiz para executar pastas específicas para a pasta de saída.</p>
Material n.º 20006831 Documento n.º 15069765 v05	Dezembro de 2018	<p>Atualizadas as descrições do software, as telas e o fluxo de trabalho para o NextSeq Control Software (NCS) 4.0.</p> <p>Atualizadas as seguintes informações adicionais para o NCS 4.0.</p> <ul style="list-style-type: none"> • Adicionadas informações sobre o software Local Run Manager. • Atualizadas informações do BaseSpace para o BaseSpace Sequence Hub. A guia BaseSpace Prep e o BaseSpace Onsite não estão mais disponíveis. • Adicionadas instruções sobre a seleção do modo de execução Local Run Manager ou manual. O modo manual substitui o modo independente, com algumas modificações. • Adicionada a opção de verificar atualizações do software do instrumento no BaseSpace Sequence Hub. • Adicionados o Local Run Manager, o Serviço de cópia universal e o driver do Acesso direto à memória à descrição do pacote do System Suite. Removidos o BaseSpace Broker e o SAV. • O Serviço de cópia de execução agora é Serviço de cópia universal. • Adicionada a opção de habilitar receitas personalizadas ao carregar o cartucho de reagente. • Removida a descrição da imagem da lâmina de fluxo ao monitorar o progresso da execução. • Removida a opção de selecionar inicialização para modo quiosque e Windows. • Adicionado MethylationEPIC v1.0 como tipo de BeadChip compatível. • Adicionadas instruções de manutenção para instrumentos com um filtro de ar. • Adicionados novos ícones para atenção, informações e minimizar o NCS. • Atualizadas instruções para personalizar as configurações da execução e as configurações do sistema. • Atualizada a opção de enviar dados de desempenho do instrumento. • Atualizados os ícones de transferência de dados. • Esclarecido que para varredura, os arquivos na fila para transferência não têm limite de tempo. • Corrigidas referências de BSM para Buffer Straw Mechanism nas informações de verificações de movimento. • Adicionadas informações de expiração da senha de seis meses do Windows. <p>Adicionado metanol ou álcool isopropílico reagente ou de grau espectrofotométrico (99%) para a manutenção do instrumento.</p>

Documento	Data	Descrição da alteração
Material n.º 20006831 Documento n.º 15069765 v04	Maio de 2018	Adicionado suporte para reagentes NextSeq v2.5. Atualizadas informações de armazenamento/envio para kits de reagentes NextSeq v2.5 que enviam lâminas de fluxo a temperaturas ambientes. As lâminas de fluxo NextSeq v2.5 continuam exigindo condições prévias de armazenamento. Acrescentadas informações sobre kits de reagentes NextSeq v2.5 que exigem atualizações de software para a versão 2.2. Adicionada observação referente à concentração de carregamento do kit de média produção. Adicionada observação referente a salvar as lâminas de fluxo. Adicionada observação recomendando que sejam usadas lâminas de fluxo de alta produção para verificações do sistema.
Material n.º 20006831 Documento n.º 15069765 v03	Março de 2018	Removido o nome de usuário padrão e senha necessários para fazer login no sistema operacional. A Illumina recomenda usar credenciais específicas do site. Acrescentadas informações sobre o serviço de monitoramento Illumina Proactive na seção Selecionar configuração do BaseSpace. Atualizadas as referências do software RTA v2 para RTA2.
Material n.º 20006831 Documento n.º 15069765 v02	Março de 2016	Foi adicionada uma seção intitulada Considerações de indexação. Foram removidas as etapas para inspecionar a lâmina de fluxo. Foram especificados o volume e a concentração de carregamento na etapa para carregar bibliotecas no cartucho de reagente.
Material n.º 20001843 Documento n.º 15069765 v01	Outubro de 2015	Foi especificado que um equivalente para o fornecedor recomendado de NaOCl é um equivalente aprovado para uso em laboratório. Foi adicionada a recomendação para o serviço de manutenção preventiva anual. Foram reorganizadas as informações dos capítulos Visão geral e Introdução. Foram adicionadas instruções para personalizar as configurações do sistema. Foram removidas as instruções sobre Live Help do capítulo de solução de problemas. Esse recurso foi removido do software de controle.
N.º da peça 15069765 Rev. B	Maio de 2015	Foi corrigida a descrição dos reservatórios reservados sobre o cartucho de reagente.
N.º da peça 15069765 Rev. A	Maio de 2015	Versão inicial.

Índice

Capítulo 1 Visão geral	1
Introdução	1
Recursos adicionais	2
NextSeq 550Dx no modo URP	2
Componentes do instrumento	3
Visão geral dos materiais de consumo de sequenciamento	7
Capítulo 2 Introdução	11
Iniciar o instrumento	11
Personalizar configurações do sistema	12
Personalizar configurações da execução	13
Materiais de consumo e equipamentos fornecidos pelo usuário	14
Capítulo 3 Sequenciamento	16
Introdução	16
Criar execução com o software Local Run Manager	17
Criar a execução com o NCS	17
Preparar o cartucho de reagente	17
Preparar a lâmina de fluxo	18
Preparar bibliotecas para sequenciamento	19
Configurar uma execução de sequenciamento	20
Monitorar o andamento da execução	26
Limpeza automática após a execução	28
Capítulo 4 Leitura	30
Introdução	30
Fazer download da pasta DMAP	31
Carregar o BeadChip no adaptador	32
Configurar uma leitura	32
Monitorar o progresso de leitura	35
Capítulo 5 Manutenção	36
Introdução	36
Realizar uma limpeza manual	36
Trocar o filtro de ar	39
Atualizações de software	40
Desligar o instrumento	42
Apêndice A Solução de problemas	43
Introdução	43
Arquivos de solução de problemas	43
Resolver erros da verificação automática	45
O receptáculo de reagentes gastos está cheio	47

Fluxo de trabalho de nova hibridização	48
Erros do BeadChip e da leitura	50
Receitas personalizadas e pastas de receitas	51
Verificação do sistema	52
Mensagem de erro RAID	54
Erro de armazenamento da rede	54
Definir as configurações do sistema	54
Apêndice B Real-Time Analysis	58
Visão geral do Real-Time Analysis (RTA)	58
Fluxo de trabalho do Real-Time Analysis	59
Apêndice C Pastas e arquivos de saída	63
Arquivos de saída de sequenciamento	63
Estrutura da pasta de saída de sequenciamento	67
Leitura dos arquivos de saída	68
Estrutura da pasta de saída da leitura	68
Apêndice D Considerações sobre o modo de pesquisa do NextSeq 550Dx ...	69
Introdução	69
Compatibilidade de materiais de consumo do NextSeq 550Dx	69
Como iniciar o instrumento NextSeq 550Dx	70
Indicadores de modo do instrumento NextSeq 550Dx	71
Opções de reinicialização e desligamento do NextSeq 550Dx	71
Índice	73
Assistência técnica	77

Capítulo 1 Visão geral

Introdução	1
Recursos adicionais	2
NextSeq 550Dx no modo URP	2
Componentes do instrumento	3
Visão geral dos materiais de consumo de sequenciamento	7

Introdução

O sistema Illumina® NextSeq™ 550 é uma solução única que fornece uma transição perfeita entre sequenciamento de alto rendimento e leitura de matrizes.

Recursos de sequenciamento

- ▶ **Sequenciamento de alto rendimento** — O NextSeq 550 habilita o sequenciamento de exomas, genomas completos e transcritomas e é compatível com as bibliotecas do TruSeq™, TruSight™ e Nextera™.
- ▶ **Tipos da lâmina de fluxo** — As lâminas de fluxo estão disponíveis em configurações de alta e média produção. Cada tipo de lâmina de fluxo é equipado com um cartucho de reagente compatível pré-carregado.
- ▶ **Real-Time Analysis (RTA)** — O software de análise integrada realiza a análise de dados do instrumento, o que inclui análise de imagens e identificação de bases. O NextSeq usa uma implementação de RTA chamada RTA v2, que inclui diferenças significativas de arquitetura e recursos. Para obter mais informações, consulte *Real-Time Analysis* na página 58.
- ▶ **Análise na nuvem com o BaseSpace™ Sequence Hub** — O fluxo de trabalho de sequenciamento é integrado com o BaseSpace Sequence Hub, o ambiente de computação genômica na nuvem da Illumina para monitoramento da execução, análise de dados, armazenamento e colaboração. Conforme a execução continua, os arquivos de saída são transmitidos em tempo real para o BaseSpace Sequence Hub para análise.
- ▶ **Análise de dados do instrumento** — O software Local Run Manager analisa os dados da execução de acordo com o módulo de análise especificado para a execução.

Recursos de leitura de matrizes

- ▶ **Leitura de matrizes integrada no software de controle** — O NextSeq 550 permite fazer a transição entre a leitura de matrizes e o sequenciamento de alto processamento no mesmo instrumento e mesmo software de controle.
- ▶ **Capacidade de imagem ampliada** — O sistema de imagem do NextSeq 550 inclui modificações de software e de plataforma que permitem gerar imagens de superfícies maiores para acomodar a leitura de BeadChip.
- ▶ **Tipos de BeadChip** — Entre os tipos de BeadChip compatíveis estão o CytoSNP-12, o CytoSNP-850K, o Karyomap-12 e o MethylationEPIC v1.0.
- ▶ **Adaptador BeadChip** — Um adaptador BeadChip reutilizável permite carregar com facilidade um BeadChip no instrumento.
- ▶ **Análise de dados** — Use o software BlueFuse® Multi para analisar os dados de matriz.

Recursos adicionais

A documentação a seguir está disponível para download no site da Illumina.

Recurso	Descrição
<i>Guia de preparação do local do sistema NextSeq (documento n.º 15045113)</i>	Fornecer especificações para a área do laboratório, requisitos elétricos e considerações ambientais.
<i>Guia de conformidade e segurança do sistema NextSeq (documento n.º 15046564)</i>	Fornecer informações sobre considerações de segurança operacional, declarações de conformidade e rotulagem de instrumentos.
<i>Guia do usuário do Leitor RFID – Modelo n.º TR-001-44 (documento n.º 15041950)</i>	Fornecer informações sobre o leitor RFID no instrumento, certificações de conformidade e considerações de segurança.
<i>Desnaturação e diluição de bibliotecas para o sistema NextSeq (documento n.º 15048776)</i>	Fornecer instruções para a desnaturação e diluição de bibliotecas preparadas para uma execução de sequenciamento e para a preparação de um controle de PhiX opcional. Essa etapa se aplica à maioria dos tipos de bibliotecas.
<i>Guia de primers personalizados NextSeq (documento n.º 15057456)</i>	Fornecer informações sobre o uso de primers de sequenciamento personalizados em vez de primers de sequenciamento da Illumina.
<i>Ajuda do BaseSpace (help.basespace.illumina.com)</i>	Fornecer informações sobre o uso do BaseSpace™ Sequence Hub e de opções de análise disponíveis.
<i>Guia de referência do instrumento NextSeq 550Dx (documento n.º 1000000009513)</i>	Oferecer uma visão geral dos componentes do instrumento e do software, instruções para realizar as execuções de sequenciamento e procedimentos para a manutenção do instrumento e resolução de problemas no NextSeq 550Dx.
<i>Guia do software Local Run Manager (documento n.º 1000000002702)</i>	Fornecer uma visão geral do software Local Run Manager e instruções para o uso dos recursos do software.

Visite a [página de suporte do NextSeq 550](#) no site da Illumina para acessar a documentação, downloads de software, treinamentos on-line e perguntas frequentes.

NextSeq 550Dx no modo URP

As instruções deste guia também se aplicam ao instrumento NextSeq 550Dx quando estiver no modo de pesquisa com a versão mais recente do software do instrumento em URP. Para obter um resumo das exceções e outras considerações, consulte [Considerações sobre o modo de pesquisa do NextSeq 550Dx](#) na página 69.

Componentes do instrumento

O sistema NextSeq 550 inclui um monitor com tela de toque, uma barra de status e quatro compartimentos.

Figura 1 Componentes do instrumento



- A **Monitor com tela de toque** — Permite a configuração e instalação do instrumento usando a interface do software de controle.
- B **Barra de status** — Indica o status do instrumento como processando (azul), requer atenção (laranja), pronto para sequenciamento (verde) ou quando uma limpeza é necessária nas próximas 24 horas (amarelo).
- C **Compartimento de tampão** — Abriga o cartucho de tampão e o receptáculo de reagentes gastos.
- D **Compartimento do reagente** — Abriga o cartucho de reagente.
- E **Botão de alimentação** — Liga ou desliga o instrumento e o computador do instrumento.
- F **Compartimento de imagem** — Abriga a lâmina de fluxo para o sequenciamento ou o adaptador BeadChip para a leitura.
- G **Compartimento do filtro de ar** — Mantém o filtro de ar em instrumentos com um filtro acessível pelo painel traseiro.

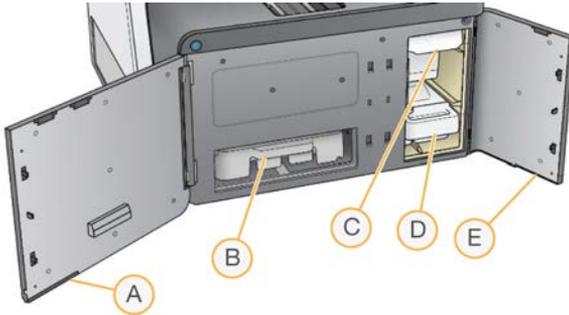
Compartimento de imagem

O compartimento de imagem abriga a plataforma, que inclui três pinos de alinhamento para posicionar a lâmina de fluxo para o sequenciamento ou o adaptador BeadChip para a leitura. Depois de carregar a lâmina de fluxo ou o adaptador BeadChip, a porta do compartimento de imagem fecha automaticamente e coloca os componentes em posição.

Compartimentos do reagente e de tampão

Configurar uma execução de sequenciamento no NextSeq 550 requer acesso ao compartimento do reagente e ao compartimento de tampão para carregar os materiais de consumo da execução e esvaziar o receptáculo de reagentes gastos.

Figura 2 Compartimentos do reagente e de tampão



- A **Porta do compartimento do reagente** — Protege o compartimento do reagente com uma trava sob o canto inferior direito da porta. O compartimento do reagente contém o cartucho de reagente. Os reagentes são bombeados pelo aspirador de líquidos e pelo sistema de fluxo e seguem para a lâmina de fluxo.
- B **Cartucho de reagente** — O cartucho de reagente é um material de consumo pré-carregado descartável.
- C **Cartucho de tampão** — O cartucho de tampão é um material de consumo pré-carregado descartável.
- D **Receptáculo de reagentes gastos** — Os reagentes gastos são coletados para descarte após cada execução.
- E **Porta do compartimento de tampão** — Protege o compartimento de tampão com uma trava sob o canto inferior esquerdo da porta.

Compartimento do filtro de ar

O compartimento do filtro de ar mantém o filtro de ar em instrumentos com um filtro acessível pelo painel traseiro. Troque o filtro de ar a cada 90 dias. Para obter informações sobre a substituição do filtro, consulte [Trocar o filtro de ar na página 39](#).

Software NextSeq

O software do instrumento inclui aplicativos integrados que realizam execuções de sequenciamento ou leituras de matrizes.

- ▶ **NextSeq Control Software (NCS)** — Controla a operação do instrumento e guia você ao longo das etapas de configuração de uma execução de sequenciamento ou leitura de matriz.
 - ▶ O software está pré-instalado no NextSeq, sendo executado do instrumento. O NCS efetua a execução de acordo com os parâmetros especificados no módulo do software Local Run Manager ou no NCS.
 - ▶ Antes de iniciar a execução de sequenciamento, você seleciona uma execução que criou com o módulo do Local Run Manager ou no NCS. A interface do software NCS orienta você nos passos para carregar a lâmina de fluxo e os reagentes.
 - ▶ Durante a execução, o software opera o estágio da lâmina de fluxo, distribui os reagentes, controla o fluxo de reagentes, ajusta as temperaturas, captura imagens de clusters na lâmina de fluxo e fornece um resumo visual das estatísticas de qualidade. Você pode monitorar a execução no NCS ou no Local Run Manager.
 - ▶ Durante a execução, que você pode monitorar no NCS ou no Local Run Manager, o NCS executa as funções a seguir.
 - ▶ Opera o estágio da lâmina de fluxo
 - ▶ Distribui os reagentes
 - ▶ Controla o fluxo
 - ▶ Ajusta as temperaturas

- ▶ Captura imagens de clusters na lâmina de fluxo
- ▶ Fornece um resumo visual das estatísticas de qualidade
- ▶ **Software Local Run Manager** — Solução integrada de software para criar uma execução e analisar os resultados (análise secundária). O software também fornece controle de amostras e pode controlar permissões de usuários.
- ▶ **Software Real-Time Analysis (RTA)** — Para execuções de sequenciamento, o RTA realiza análise de imagens e identificação de bases ao longo da execução. O NextSeq 550 usa o RTA v2, que inclui diferenças significativas de arquitetura e de recursos em relação às versões anteriores. Para obter mais informações, consulte *Real-Time Analysis* na página 58.
- ▶ **Serviço de cópia universal** — Copia os arquivos de saída do sequenciamento da pasta de execuções para a pasta de saída e para o BaseSpace Sequence Hub (se aplicável), onde é possível acessá-los.

O Real-Time Analysis (RTA) e o Serviço de cópia universal executam processos apenas em segundo plano.

Ícones de status

Um ícone de status, no canto superior direito da tela da interface do software de controle, sinaliza se há alterações nas condições durante a configuração da execução ou durante a execução.

Ícone de status	Nome do status	Descrição
	Status OK	O sistema está normal.
	Processando	O sistema está em processamento.
	Advertência	Ocorreu uma advertência. Advertências não interrompem uma execução nem exigem uma ação antes de continuar.
	Erro	Ocorreu um erro. Erros exigem uma ação antes de continuar com a execução.
	Atenção	Ocorreu uma notificação que exige atenção. Consulte a mensagem para obter outras informações.
	Informações	Apenas uma mensagem informativa. Nenhuma ação adicional é necessária.

Quando uma alteração de condição ocorre, o ícone pisca para alertá-lo. Selecione o ícone para visualizar uma descrição da condição. Selecione **Acknowledge** (Confirmar) para aceitar a mensagem e **Close** (Fechar) para fechar a caixa de diálogo.

Ícone da barra de navegação

O ícone para minimizar o NCS está localizado no canto superior direito da interface do software de controle.

Ícone de acesso	Nome do ícone	Descrição
	Minimizar NCS	Selecione para minimizar o NCS e acessar os aplicativos e pastas do Windows.

Botão de energia

O botão de energia na parte frontal do NextSeq liga a energia para o instrumento e para o computador do instrumento. O botão de energia realiza as ações a seguir dependendo do estado da energia do instrumento.

Estado de energia	Ação
A energia do instrumento está desligada	Pressione brevemente o botão para ligar a energia.
A energia do instrumento está ligada	Pressione brevemente o botão para desligar a energia. Uma caixa de diálogo aparece na tela para confirmar um desligamento normal do instrumento.
A energia do instrumento está ligada	Mantenha pressionado o botão de energia por 10 segundos para realizar um desligamento forçado do instrumento e do computador do instrumento. Utilize esse método para desligar o instrumento somente se ele não estiver respondendo.



OBSERVAÇÃO

Desligar o instrumento durante uma execução de sequenciamento encerra a execução imediatamente. Encerrar uma execução é uma ação definitiva. Os materiais de consumo de execução não podem ser reutilizados e os dados de sequenciamento da execução não são salvos.

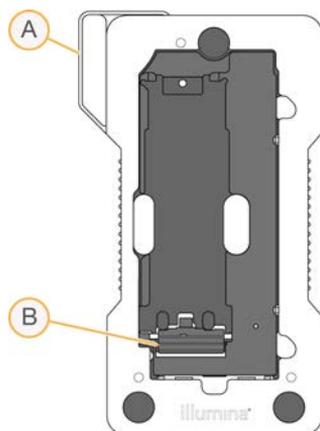
Requisitos de senha do Windows

O sistema operacional exige a alteração da senha do Windows a cada 180 dias. Quando solicitado, atualize sua senha do Windows. Se você usar o Local Run Manager para a análise, atualize também a senha da conta do Windows no Local Run Manager. Consulte a seção Especificar as configurações da conta de serviço no *Guia do software Local Run Manager (n.º do documento 1000000002702)*.

Visão geral do adaptador BeadChip reutilizável

O adaptador BeadChip reutilizável abriga o BeadChip durante a leitura. O BeadChip é fixado na plataforma rebaixada do adaptador com o clipe de retenção. Então, o adaptador BeadChip é carregado na plataforma do compartimento de imagens.

Figura 3 Adaptador BeadChip reutilizável



- A Adaptador BeadChip
- B Clipe de retenção

Visão geral dos materiais de consumo de sequenciamento

Conteúdo e armazenamento

Os materiais de consumo para o sequenciamento, exigidos para executar o NextSeq, são fornecidos separadamente em um kit de uso único. Cada kit contém uma lâmina de fluxo, um cartucho de reagente, um cartucho de tampão e um tampão de diluição da biblioteca. Quando você recebe um kit NextSeq 500/550:

- ▶ Não abra a embalagem metálica da lâmina de fluxo até receber instruções para fazê-lo.
- ▶ Armazene imediatamente os componentes nas temperaturas indicadas para garantir o desempenho adequado.
- ▶ Armazene os cartuchos de modo que as etiquetas da embalagem fiquem voltadas para cima.

Material de consumo	Quantidade	Temperatura de armazenamento	Descrição
Cartucho de reagente	1	-25 °C a -15 °C	Contém clusterização e reagentes para sequenciamento
Cartucho de tampão	1	15 °C a 30 °C	Contém solução tampão e solução de limpeza
HT1	1	-25 °C a -15 °C	Solução tampão de hibridização
Lâmina de fluxo	1	2 °C a 8 °C*	Lâmina de fluxo de uso único

*Transportado à temperatura ambiente para kits de reagentes NextSeq v2.5

Os reagentes são sensíveis à luz. Armazene o cartucho de reagente e o cartucho de tampão em local escuro, afastados da luz.

A lâmina de fluxo, o cartucho de reagente e o cartucho de tampão usam identificação por radiofrequência (RFID) para o rastreamento preciso de materiais de consumo e para compatibilidade com eles.

Todos os outros kits contêm primers de sequenciamento de índice duplo e NaOCl no cartucho pré-carregado. Nenhuma etapa adicional será necessária.



CUIDADO

Os kits de reagentes NextSeq v2.5 requerem NCS v2.2 ou posterior. Certifique-se de que as atualizações do software estejam concluídas antes de preparar as amostras e materiais de consumo.

Identificação e compatibilidade do kit

Os componentes do kit são rotulados com indicadores codificados por cores para mostrar a compatibilidade entre as lâminas de fluxo e os cartuchos de reagente. Sempre use um cartucho de reagente e uma lâmina de fluxo compatíveis. O cartucho de tampão é universal.

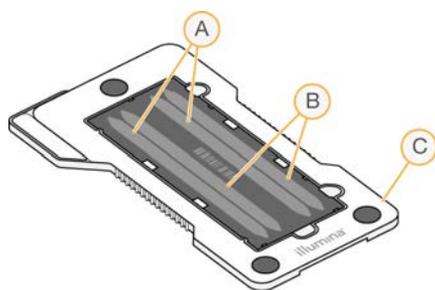
Cada lâmina de fluxo e cada cartucho de reagente é rotulado como **High** (Alto) ou **Mid** (Médio). Sempre verifique o rótulo ao preparar materiais de consumo para uma execução.

Tipo do kit	Marcação no rótulo
Componentes do kit de alta produção	
Componentes do kit de média produção	

Existem outras considerações de compatibilidade para os instrumentos NextSeq 550Dx no modo de pesquisa. Consulte [Compatibilidade de materiais de consumo do NextSeq 550Dx](#) na página 69.

Visão geral da lâmina de fluxo

Figura 4 Cartucho da lâmina de fluxo



- A Par de cavidades A — Cavidades um e três
- B Par de cavidades B — Cavidades dois e quatro
- C Armação do cartucho da lâmina de fluxo

A lâmina de fluxo é um substrato com base em vidro no qual clusters são gerados e a reação de sequenciamento é realizada. A lâmina de fluxo é revestida por um cartucho de lâmina de fluxo.

A lâmina de fluxo contém quatro cavidades que têm imagem em pares.

- ▶ As cavidades um e três (par de cavidades A) têm a imagem capturada ao mesmo tempo.
- ▶ As cavidades dois e quatro (par de cavidades B) têm sua imagem capturada quando a imagem do par A é concluída.

Embora a lâmina de fluxo tenha quatro cavidades, apenas uma biblioteca ou um conjunto de bibliotecas agrupadas é sequenciado na lâmina de fluxo. As bibliotecas são carregadas no cartucho de reagente a partir de um único reservatório e transferidas automaticamente para a lâmina de fluxo em todas as quatro cavidades.

A imagem de cada cavidade é capturada em pequenas áreas de imagem chamadas blocos. Para obter mais informações, consulte [Blocos da lâmina de fluxo](#) na página 64.

Visão geral do cartucho de reagente

O cartucho de reagente é um material de consumo descartável com rastreamento de RFID e reservatórios com selo de alumínio pré-carregados com reagentes de clusterização e sequenciamento.

Figura 5 Cartucho de reagente



O cartucho de reagente inclui um reservatório designado para o carregamento de bibliotecas preparadas. Após o início da execução, as bibliotecas são transferidas automaticamente do reservatório para a lâmina de fluxo.

Vários reservatórios são reservados para a limpeza automática após a execução. A solução de limpeza é bombeada do cartucho de tampão para os reservatórios reservados, passa pelo sistema e chega até o receptáculo de reagentes gastos.

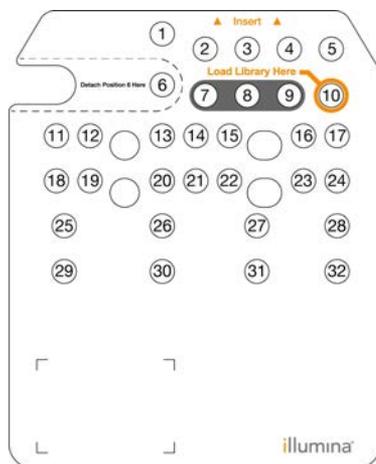


ADVERTÊNCIA

Esse conjunto de reagentes contém produtos químicos potencialmente perigosos. Podem ocorrer ferimentos por meio de inalação, ingestão e contato com a pele ou com os olhos. Use equipamento de proteção, incluindo proteção para os olhos, luvas e jaleco, apropriado para risco de exposição. Manuseie os reagentes usados como resíduo químico e descarte-os de acordo com as leis e regulamentações regionais, nacionais e locais aplicáveis. Para obter mais informações ambientais, de saúde e de segurança, consulte a SDS em support.illumina.com/sds.html.

Reservatórios reservados

Figura 6 Reservatórios numerados



Posição	Descrição
7, 8 e 9	Reservados para primers personalizados opcionais
10	Carregar bibliotecas

Para obter informações sobre primers personalizados, consulte o *Guia de primers personalizados NextSeq* (documento n.º 15057456).

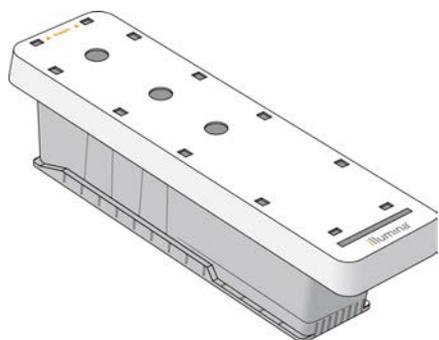
Reservatório removível na posição n.º 6

O cartucho de reagente pré-carregado inclui um reagente de desnaturação na posição 6 que contém formamida. Para facilitar a eliminação segura de qualquer reagente não utilizado após a execução de sequenciamento, o reservatório da posição seis é removível. Para obter mais informações, consulte [Remover o reservatório usado na posição n.º 6 na página 25](#).

Visão geral do cartucho de tampão

O cartucho de tampão é um material de consumo descartável que contém três reservatórios pré-carregados com soluções tampão e solução de limpeza. O conteúdo do cartucho de tampão é suficiente para o sequenciamento de uma lâmina de fluxo.

Figura 7 Cartucho de tampão



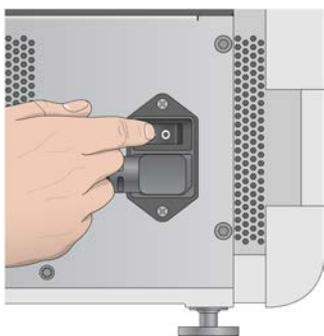
Capítulo 2 Introdução

Iniciar o instrumento	11
Personalizar configurações do sistema	12
Personalizar configurações da execução	13
Materiais de consumo e equipamentos fornecidos pelo usuário	14

Iniciar o instrumento

Ligue o interruptor de alimentação de alternância na posição I (ligado).

Figura 8 Interruptor localizado na parte traseira do instrumento



OBSERVAÇÃO

Para iniciar o instrumento NextSeq 550Dx no modo de pesquisa, consulte *Como iniciar o instrumento NextSeq 550Dx* na página 70.

- 1 Pressione o botão de energia acima do compartimento do reagente. O botão de energia liga a energia do instrumento e inicia o computador e software integrado do instrumento.

Figura 9 Botão de energia localizado na parte dianteira do instrumento



- 2 Espere até que o sistema operacional termine de carregar. O NextSeq Control Software (NCS) é ativado e inicializa o sistema automaticamente. Quando a etapa de inicialização estiver concluída, a tela Home (Início) será aberta.
- 3 Se o seu sistema foi configurado para exigir credenciais de login, aguarde o sistema carregar e depois faça login no sistema operacional. Se necessário, consulte seu administrador das instalações quanto ao nome de usuário e senha.

Personalizar configurações do sistema

O software de controle contém configurações personalizáveis do sistema para os itens a seguir. Para alterar as configurações de rede, consulte *Definir as configurações do sistema na página 54*.

- ▶ Personalizar a identificação do instrumento (avatar e apelido).
- ▶ Definir a opção de teclado e o indicador de áudio.
- ▶ Definir a opção de receitas personalizadas.
- ▶ Definir verificação de atualizações do software do instrumento do BaseSpace Sequence Hub.
- ▶ Definir a opção de enviar os dados de desempenho do instrumento.

Personalizar o avatar e apelido do instrumento

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **System Customization** (Personalização do sistema).
- 3 Para atribuir uma imagem de avatar preferida para seu instrumento, selecione **Browse** (Procurar) e procure a imagem.
- 4 No campo Nickname (Apelido), insira o nome escolhido para o instrumento.
- 5 Selecione **Save** (Salvar) para salvar as definições e avançar para a próxima tela.
A imagem e o nome são exibidos no canto superior esquerdo de cada tela.

Definir a opção de teclado e o indicador de áudio

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **System Customization** (Personalização do sistema).
- 3 Marque a caixa de seleção **Use on-screen keyboard** (Usar teclado na tela) para ativar o teclado na tela para entrada de dados no instrumento.
- 4 Marque a caixa de seleção **Play audio** (Reproduzir áudio) para ativar indicadores de áudio para os eventos a seguir.
 - ▶ Ao inicializar o instrumento
 - ▶ Quando uma execução é iniciada
 - ▶ Quando erros específicos ocorrerem
 - ▶ Quando é necessária a interação do usuário
 - ▶ Quando uma execução for concluída
- 5 Selecione **Save** (Salvar) para salvar as definições e avançar para a próxima tela.

Definir a opção de receitas personalizadas

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **System Customization** (Personalização do sistema).
- 3 Marque a caixa de seleção **Enable Custom Recipes** (Habilitar receitas personalizadas) para habilitar a seleção de uma receita personalizada quando carregar um cartucho de reagente. Para obter mais informações, consulte *Receitas personalizadas e pastas de receitas na página 51*.
- 4 Selecione **Save** (Salvar) para salvar as definições e avançar para a próxima tela.

Definir verificação de atualizações do software do instrumento do BaseSpace

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **System Customization** (Personalização do sistema).
- 3 Marque a caixa de seleção **Automatically check for new software updates on BaseSpace** (Verificar automaticamente novas atualizações do software no BaseSpace) para ativar as verificações automáticas de atualizações do BaseSpace Sequence Hub.
A verificação automática de atualizações é realizada a cada 24 horas. Quando uma atualização está disponível, é exibida uma notificação nos seguintes locais.
 - ▶ Na tela Manage Instrument (Gerenciar instrumento) no ícone Software Update (Atualização de software).
 - ▶ No botão Manage Instrument (Gerenciar instrumento) na tela Home (Página inicial).
- 4 Selecione **Save** (Salvar) para salvar as definições e avançar para a próxima tela.

Definir a opção de enviar os dados de desempenho do instrumento

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **System Customization** (Personalização do sistema).
- 3 Selecione **Send Instrument Performance Data to Illumina** (Enviar dados de desempenho do instrumento à Illumina) para habilitar o serviço de monitoramento Illumina Proactive. O nome da configuração na interface do software pode ser diferente do nome deste guia, dependendo da versão do NCS em uso. Com esta configuração ativada, os dados de desempenho do instrumento são enviados à Illumina. Esses dados ajudam a Illumina a resolver problemas com mais facilidade e detectar possíveis falhas, possibilitando a manutenção proativa e maximizando o tempo de atividade do instrumento. Para obter mais informações sobre os benefícios desse serviço, consulte a *Nota técnica do Illumina Proactive* (documento n.º 1000000052503).
Esse serviço:
 - ▶ Não envia dados de sequenciamento.
 - ▶ É necessário que o instrumento esteja conectado a uma rede com acesso à Internet.
 - ▶ É ativado por padrão. Para cancelar esse serviço, desabilite a configuração **Send Instrument Performance Data to Illumina** (Enviar dados de desempenho do instrumento à Illumina).
- 4 Selecione **Save** (Salvar) para salvar as definições e avançar para a próxima tela.

Personalizar configurações da execução

O software de controle inclui configurações que podem ser personalizadas para as preferências de configuração da execução e o descarte de reagentes não utilizados.

Definir opções de configuração da execução

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **System Customization** (Personalização do sistema).
- 3 Marque a caixa de seleção **Use Advanced Load Consumables** (Usar materiais de consumo de carregamento avançado) para habilitar a opção para carregar todos os materiais de consumo de execução em uma única tela.

- Marque a caixa de seleção **Skip Pre-Run Check Confirmation** (Pular confirmação da verificação antes da execução) para iniciar o sequenciamento ou a leitura automaticamente após uma verificação automática bem-sucedida.
- Selecione **Save** (Salvar) para salvar as definições e sair da tela.

Definir a opção de descarte automático

- Na tela Home (Página inicial), selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- Selecione **System Customization** (Personalização do sistema).
- Selecione a caixa de seleção **Purge Consumables at End of Run** (Descartar materiais de consumo no final da execução) para descartar os reagentes não utilizados do cartucho de reagente para o receptáculo de reagentes gastos automaticamente após cada execução.



OBSERVAÇÃO

Descartar os materiais de consumo automaticamente adiciona mais tempo ao fluxo de trabalho.

- Selecione **Save** (Salvar) para salvar as definições e sair da tela.

Materiais de consumo e equipamentos fornecidos pelo usuário

Os materiais de consumo e equipamentos a seguir são usados no NextSeq 550.

Materiais de consumo fornecidos pelo usuário para execuções de sequenciamento

Material de consumo	Fornecedor	Finalidade
1 N NaOH (hidróxido de sódio)	Fornecedor de itens de uso comum do laboratório	Desnaturação de biblioteca, diluída a 0,2 N
200 mM de Tris-HCl, pH7	Fornecedor de itens de uso comum do laboratório	Desnaturação de biblioteca
Compressa com álcool, 70% isopropílico ou etílico 70%	WWR, n.º do catálogo 95041-714 (ou equivalente) Fornecedor de itens de uso comum do laboratório	Limpeza da lâmina de fluxo e uso geral
Lenço para laboratório com poucos fiapos	WWR, n.º do catálogo 21905-026 (ou equivalente)	Limpeza da lâmina de fluxo

Materiais de consumo fornecidos pelo usuário para manutenção do instrumento

Material de consumo	Fornecedor	Finalidade
NaOCl, 5% (hipoclorito de sódio)	Sigma-Aldrich, n.º do catálogo 239305 (ou equivalente aprovado para uso em laboratório)	Limpar o instrumento usando o material de limpeza manual após a execução; diluído a 0,12%.
Tween 20	Sigma-Aldrich, n.º do catálogo P7949	Limpar o instrumento usando opções de limpeza manual; diluído a 0,05%.

Material de consumo	Fornecedor	Finalidade
Água, aprovada para uso em laboratório	Fornecedor de itens de uso comum do laboratório	Limpar o instrumento (limpeza manual).
Metanol ou álcool isopropílico reagente ou de grau espectrofotométrico (99%), frasco de 100 ml	Fornecedor de itens de uso comum do laboratório	Limpeza dos componentes ópticos periodicamente e apoio ao cartucho de limpeza da objetiva.
Filtro de ar	Illumina, n.º do catálogo 20022240	Para instrumentos com um filtro de ar acessível a pelo painel traseiro. Limpar o ar que o instrumento recebe para o resfriamento.

Orientações para água aprovada para uso em laboratório

Utilize sempre água aprovada para uso em laboratório ou água desionizada para realizar procedimentos com instrumentos. Nunca use água da torneira. Utilize apenas os seguintes tipos de água ou equivalentes:

- ▶ Água desionizada
- ▶ Illumina PW1
- ▶ Água de 18 Megaohms (MΩ)
- ▶ Água Milli-Q
- ▶ Água Super-Q
- ▶ Água para biologia molecular

Equipamentos fornecidos pelo usuário

Item	Origem
Congelador, -25 °C a -15 °C, frost-free	Fornecedor de itens de uso comum do laboratório
Balde de gelo	Fornecedor de itens de uso comum do laboratório
Refrigerador, 2 °C a 8 °C	Fornecedor de itens de uso comum do laboratório

Capítulo 3 Sequenciamento

Introdução	16
Criar execução com o software Local Run Manager	17
Criar a execução com o NCS	17
Preparar o cartucho de reagente	17
Preparar a lâmina de fluxo	18
Preparar bibliotecas para sequenciamento	19
Configurar uma execução de sequenciamento	20
Monitorar o andamento da execução	26
Limpeza automática após a execução	28

Introdução

Para realizar um sequenciamento no NextSeq 550, prepare um cartucho de reagente e uma lâmina de fluxo. Em seguida, siga as instruções do software para configurar e iniciar a execução. A clusterização e o sequenciamento são realizados no instrumento. Após a execução, uma limpeza do instrumento começa automaticamente usando componentes já carregados no instrumento.

Clusterização

Durante a clusterização, moléculas de DNA em fita simples são ligadas à superfície da lâmina de fluxo e, em seguida, amplificadas para formar clusters.

Sequenciamento

A imagem dos clusters é capturada usando química de sequenciamento em dois canais e combinações de filtros específicos para cada uma das terminações de cadeias identificadas por fluorescência. Depois que a obtenção da imagem de um bloco na lâmina de fluxo é concluída, a imagem do próximo bloco é obtida. O processo é repetido para cada ciclo de sequenciamento. Após a análise das imagens, o software realiza uma identificação de bases, uma filtragem e uma pontuação de qualidade.

Monitore o progresso e a estatística da execução nos locais a seguir.

- ▶ A interface do NCS
- ▶ BaseSpace Sequence Hub
- ▶ Local Run Manager
- ▶ Um computador de rede usando o software Sequencing Analysis Viewer (SAV). Consulte [Sequencing Analysis Viewer](#) na página 28.

Análise

Conforme a execução continua, o software de controle transfere automaticamente os arquivos de identificação de bases (BCL) para o BaseSpace Sequence Hub, o Local Run Manager ou para outro local de saída especificado para análise secundária.

Vários métodos de análise estão disponíveis, dependendo do aplicativo. Para obter mais informações, consulte a ajuda do *BaseSpace* (help.basespace.illumina.com) ou o *Guia do software Local Run Manager* (documento n.º 1000000002702).

Duração da execução de sequenciamento

A duração da execução de sequenciamento depende do número de ciclos realizados. O comprimento máximo de execução é uma execução do tipo paired-end de 150 ciclos para cada leitura (2 x 150), além de até oito ciclos para cada leitura de dois índices.

Para ver as durações esperadas e outras especificações do sistema, acesse a [página de especificações do NextSeq 550](#) no site da Illumina.

Número de ciclos em uma leitura

Em uma execução de sequenciamento, o número de ciclos realizados em uma leitura é um ciclo a mais que o número de ciclos analisados. Por exemplo, uma execução de 150 ciclos do tipo paired-end realiza leituras de 151 ciclos (2 x 151) para um total de 302 ciclos. No final da execução, 2 x 150 ciclos são analisados. O ciclo extra é necessário para os cálculos de phasing e prephasing.

Criar execução com o software Local Run Manager

O processo para configurar os parâmetros de execução e análise no Local Run Manager varia dependendo do módulo de fluxo de trabalho de análise específico que você usar. Consulte o guia do módulo do Local Run Manager quanto a instruções específicas sobre a criação de uma execução.

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Edit Runs** (Editar execuções).
- 2 Selecione **Create Run (Criar execução)** no painel do Local Run Manager e, em seguida, um módulo de análise.
- 3 Insira um nome de execução, insira as amostras para a execução e, se aplicável, importe manifestos.
- 4 Salve a execução e feche a janela do painel do Local Run Manager.

Para criar uma execução no NCS sem o software Local Run Manager, use o modo de execução manual. Consulte [Criar a execução com o NCS na página 17](#) e [Modos de execução na página 20](#).

Criar a execução com o NCS

Se você criar uma execução com o NCS (modo de execução manual), os parâmetros de execução e análise são imediatamente inseridos antes de carregar a lâmina de fluxo.

- 1 Revise os parâmetros de execução e análise requeridos em [Insira os parâmetros de execução e análise no NCS \(Modo de execução manual\) na página 22](#).
- 2 Determine os parâmetros de execução e análise agora para que não haja atraso quando for iniciada a execução de sequenciamento.

Preparar o cartucho de reagente

- 1 Remova o cartucho de reagente do armazenamento de -25 °C a -15 °C.
- 2 Descongele em banho-maria com água na temperatura ambiente até descongelar completamente (cerca de 60 minutos). Não mergulhe o cartucho.
- 3 Bata levemente na bancada para remover a água da base e seque a base.



OBSERVAÇÃO

[Método alternativo] Descongele os reagentes durante a noite a uma temperatura de 2 °C até 8 °C. São necessárias, no mínimo, 18 horas para descongelar os reagentes. A essa temperatura, os reagentes se mantêm estáveis por até uma semana.

- 4 Inverta o cartucho cinco vezes para misturar os reagentes.
- 5 Inspeccione as posições 29, 30, 31 e 32 para se certificar de que os reagentes estão descongelados.
- 6 Bata levemente na bancada para reduzir as bolhas de ar.



ADVERTÊNCIA

Esse conjunto de reagentes contém produtos químicos potencialmente perigosos. Podem ocorrer ferimentos por meio de inalação, ingestão e contato com a pele ou com os olhos. Use equipamento de proteção, incluindo proteção para os olhos, luvas e jaleco, apropriado para risco de exposição. Manuseie os reagentes usados como resíduo químico e descarte-os de acordo com as leis e regulamentações regionais, nacionais e locais aplicáveis. Para obter mais informações ambientais, de saúde e de segurança, consulte a SDS em support.illumina.com/sds.html.

Preparar a lâmina de fluxo

- 1 Retire um novo pacote da lâmina de fluxo do armazenamento de 2 °C a 8 °C.
- 2 Reserve o pacote da lâmina de fluxo desembulhado em temperatura ambiente durante 30 minutos.

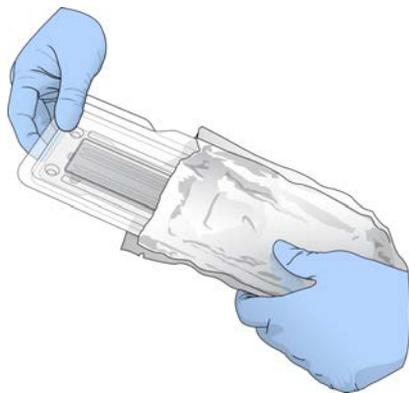


OBSERVAÇÃO

Se a embalagem metálica estiver intacta, a lâmina de fluxo poderá permanecer na temperatura ambiente por até 12 horas. Evite o resfriamento e aquecimento contínuo da lâmina de fluxo.

- 3 Remova a lâmina de fluxo da embalagem metálica.

Figura 10 Remover da embalagem metálica



- 4 Abra o pacote plástico transparente e remova a lâmina de fluxo.

Figura 11 Remover do pacote transparente



- 5 Limpe a superfície de vidro da lâmina de fluxo com um pano sem fiapos com álcool. Seque o vidro com um lenço para laboratório com poucos fiapos.

Preparar bibliotecas para sequenciamento

O volume da biblioteca e a concentração de carga diferem, dependendo da versão do NCS em execução.

Versão do software de controle	Volume da biblioteca	Concentração da biblioteca
NCS v1.3 ou superior	1,3 ml	1,8 pM
NCS v1.2 ou versões anteriores	3 ml	3 pM

Desnaturar e diluir bibliotecas

Desnatura e dilua suas bibliotecas no seguinte volume e concentração de carga.

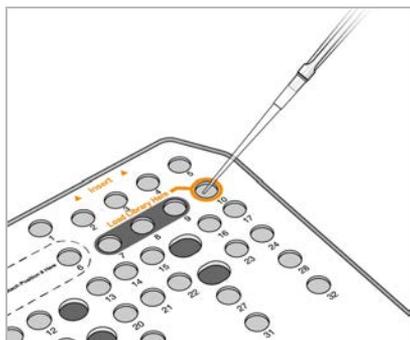
Tipo do kit	Volume de carga	Concentração de carga
Alta produção	1,3 ml	1,8 pM
Média produção	1,3 ml	1,5 pM

Na prática, a concentração de carga pode variar dependendo dos métodos de preparação e de quantificação da biblioteca. Para obter instruções, consulte o *Guia de desnaturação e diluição de bibliotecas do sistema NextSeq (documento n.º 15048776)*.

Carregar bibliotecas para o cartucho de reagente

- 1 Limpe o selo de alumínio que cobre o reservatório n.º 10 rotulado **Load Library Here** (Carregar biblioteca aqui) usando um lenço com poucos fiapos.
- 2 Perfure o selo com a ponta de uma pipeta limpa de 1 ml.
- 3 Carregue 1,3 ml de bibliotecas de 1,8 pM preparadas no reservatório n.º 10 rotulado Load Library Here (**Carregar biblioteca aqui**). Evite tocar no selo de alumínio enquanto as bibliotecas são colocadas.

Figura 12 Carregar bibliotecas



Configurar uma execução de sequenciamento

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Experiment** (Experimento).
- 2 Na tela Select Assay (Selecionar ensaio), selecione **Sequence** (Sequenciar).
O comando Sequence (Sequenciar) abre a porta do compartimento de imagem, libera materiais de consumo de uma execução anterior e abre a série de telas de configuração da execução. Um pequeno atraso é normal.

Modos de execução

Ao configurar uma execução de sequenciamento, você seleciona um dos seguintes modos de execução para determinar onde inserir as informações da execução e como analisar os dados.

Modo de execução	Informações da execução	Análise de dados*
Local Run Manager	Insira no Local Run Manager.	O software salva os dados na pasta de saída especificada para análise automática no Local Run Manager.
Manual	Insira no NCS.	O software salva os dados em uma pasta de saída especificada para análise posterior fora do instrumento.

* Para fins de análise, o BaseSpace Sequence Hub pode parear com qualquer modo de execução. Quando o modo de execução for o Local Run Manager e o BaseSpace Sequence Hub estiver configurado, ambos os aplicativos analisam os dados.

O Local Run Manager é o modo de execução padrão e fornece o fluxo de trabalho mais eficiente. Você cria e salva execuções no Local Run Manager. Em seguida, as informações são enviadas para o software de controle, onde você seleciona uma execução e continua a configuração da execução. Após o sequenciamento, o Local Run Manager realiza automaticamente a análise de dados. Não são necessários planilha de amostras e aplicativos de análises separados.



OBSERVAÇÃO

O Local Run Manager não é um recurso do software de controle. Ele é um software integrado para registrar amostras de sequenciamento, especificar parâmetros de execução e analisar dados.

BaseSpace Sequence Hub (Opcional)

Ao configurar uma execução de sequenciamento, você pode selecionar uma das seguintes opções do BaseSpace Sequence Hub.

Opção	Descrição e requisitos
Run Monitoring and Storage (Monitoramento e armazenamento de execuções)	Enviar arquivos InterOp, arquivos de registro e dados de execuções ao BaseSpace Sequence Hub para monitoramento e análise remotos. Requer uma conta no BaseSpace Sequence Hub, uma conexão de internet e uma planilha de amostras.
Run Monitoring Only (Apenas monitoramento de execuções)	Enviar arquivos InterOp e de registro ao BaseSpace Sequence Hub para monitoramento remoto de execuções. Esta opção é padrão. Exige uma conta no BaseSpace Sequence Hub e uma conexão à Internet.

Selecionar Modo de execução e BaseSpace Sequence Hub

- Na tela Run Setup (Configuração da execução), selecione um dos modos de execução a seguir.
 - ▶ Local Run Manager
 - ▶ Manual
- [Opcional]** Selecione **Use BaseSpace Sequence Hub Setting** (Usar configuração do BaseSpace Sequence Hub) e selecione uma das opções a seguir.
 - ▶ Run Monitoring and Storage (Monitoramento e armazenamento de execuções)
 - ▶ Run Monitoring Only (Apenas monitoramento de execuções)

Digite seu nome de usuário e senha do BaseSpace Sequence Hub.

Se solicitado, selecione um grupo de trabalho para carregar os dados de execução. Isso só será solicitado se você pertencer a vários grupos de trabalho.
- Selecione **Next** (Avançar).

Selecione Run (Execução) (Modo de execução Local Run Manager)

- Selecione um nome de execução na lista de execuções disponíveis. Use as setas para cima e para baixo para percorrer a lista ou insira um nome de execução no campo Search (Pesquisar).
- Confirme os parâmetros de execução.
 - ▶ **Run Name** (Nome da execução) — Nome da execução conforme atribuído no Local Run Manager.
 - ▶ **Library ID** (ID da biblioteca) — Nome das bibliotecas agrupadas conforme atribuído no Local Run Manager.
 - ▶ **Recipe** (Receita) — Nome da receita, podendo ser **NextSeq High** (Alto) ou **NextSeq Mid** (Médio), dependendo do cartucho de reagente usado para a execução.
 - ▶ **Read Type** (Tipo de leitura) — Leitura única ou Paired-End.
 - ▶ **Read Length** (Comprimento da leitura) — Número de ciclos de cada leitura.
 - ▶ **[Opcional]** Custom Primers (Primers personalizados), se for o caso.
- [Opcional]** Selecione o ícone **Edit** (Editar)  para alterar os parâmetros de execução. Quando terminar, selecione **Save** (Salvar).
 - ▶ **Run parameters** (Parâmetros de execução) — Altere o número de leituras ou o número de ciclos por leitura.
 - ▶ **Custom primers** (Primers personalizados) — Altere as configurações para primers personalizados. Para obter mais informações, consulte o *Guia de primers personalizados NextSeq (documento n.º 15057456)*.
 - ▶ **Purge consumables for this run** (Descartar materiais de consumo para esta execução) — Altere essa configuração para descartar os materiais de consumo automaticamente após a execução atual.

- 4 Selecione **Next** (Avançar).

Insira os parâmetros de execução e análise no NCS (Modo de execução manual)

- 1 Digite um nome de sua preferência para a execução.
- 2 **[Opcional]** Insira um ID de biblioteca de sua preferência.
- 3 Na lista suspensa *Recipe* (Receita), selecione uma receita. Somente as receitas compatíveis são listadas.
- 4 Selecione um tipo de leitura, **Single-Read** (Leitura única) ou **Paired-End**.
- 5 Insira o número de ciclos para cada leitura da execução de sequenciamento.
 - ▶ **Read 1** (Leitura 1) — Insira um valor até 151 ciclos.
 - ▶ **Read 2** (Leitura 2) — Insira um valor até 151 ciclos. Esse valor normalmente é o mesmo número de ciclos da Leitura 1.
 - ▶ **Index 1** (Índice 1) — Insira o número de ciclos necessários para o primer do Índice 1 (i7).
 - ▶ **Index 2** (Índice 2) — Insira o número de ciclos necessários para o primer do Índice 2 (i5).O software de controle confirma as entradas usando os seguintes critérios:
 - ▶ O total de ciclos não excede o número máximo de ciclos permitidos
 - ▶ O número de ciclos da Leitura 1 excede os cinco ciclos usados para a geração do modelo
 - ▶ O número de ciclos da Leitura de índice não excede o número de ciclos das Leituras 1 e 2
- 6 **[Opcional]** Se você estiver usando primers personalizados, marque a caixa de seleção para os primers utilizados. Para obter mais informações, consulte o *Guia de primers personalizados NextSeq (documento n.º 15057456)*.
 - ▶ **Read 1** (Leitura 1) — Primer personalizado para a Leitura 1.
 - ▶ **Read 2** (Leitura 2) — Primer personalizado para a Leitura 2.
 - ▶ **Index 1** (Índice 1) — Primer personalizado para o Índice 1.
 - ▶ **Index 2** (Índice 2) — Primer personalizado para o Índice 2.
- 7 Defina o local da pasta de saída para a execução atual. Selecione **Browse** (Procurar) para navegar até um local de rede.

Para obter informações sobre os requisitos da pasta de saída, consulte *Definir local da pasta de saída na página 56*.
- 8 Selecione **Browse** (Procurar) para navegar até uma planilha de amostras.

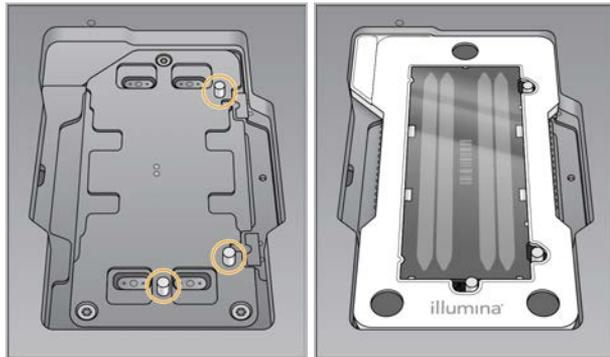
Os sistemas configurados para o modo manual com Executar monitoramento e armazenamento no BaseSpace Sequence Hub necessitam de uma planilha de amostras.
- 9 Selecione **Purge consumables for this run** (Descartar materiais de consumo para esta execução).

A configuração descarta os materiais de consumo automaticamente após a execução atual.
- 10 Selecione **Next** (Avançar).
- 11 **[Opcional]** Selecione o ícone **Edit** (Editar) para alterar os parâmetros de execução.
- 12 Selecione **Next** (Avançar).

Carregar a lâmina de fluxo

- 1 Remova a lâmina de fluxo utilizada em uma execução anterior.
- 2 Alinhe a lâmina de fluxo sobre os pinos de alinhamento e posicione-a na plataforma.

Figura 13 Carregar a lâmina de fluxo



- 3 Selecione **Load** (Carregar).
A porta se fecha automaticamente, a identificação da lâmina de fluxo é exibida na tela e os sensores são verificados.
- 4 Selecione **Next** (Avançar).

Esvaziar o receptáculo de reagentes gastos

- 1 Remova o receptáculo de reagentes gastos e descarte o conteúdo de acordo com as normas aplicáveis.

Figura 14 Remover o receptáculo de reagentes gastos



OBSERVAÇÃO

Enquanto remove o receptáculo, coloque sua outra mão embaixo dele para apoiá-lo.

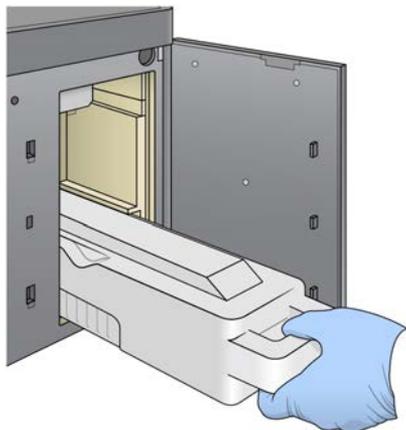


ADVERTÊNCIA

Esse conjunto de reagentes contém produtos químicos potencialmente perigosos. Podem ocorrer ferimentos por meio de inalação, ingestão e contato com a pele ou com os olhos. Use equipamento de proteção, incluindo proteção para os olhos, luvas e jaleco, apropriado para risco de exposição. Manuseie os reagentes usados como resíduo químico e descarte-os de acordo com as leis e regulamentações regionais, nacionais e locais aplicáveis. Para obter mais informações ambientais, de saúde e de segurança, consulte a SDS em support.illumina.com/sds.html.

- 2 Deslize o receptáculo de reagentes gastos vazio no compartimento de tampão até ele parar de deslizar. Um clique audível indica que o receptáculo está em posição.

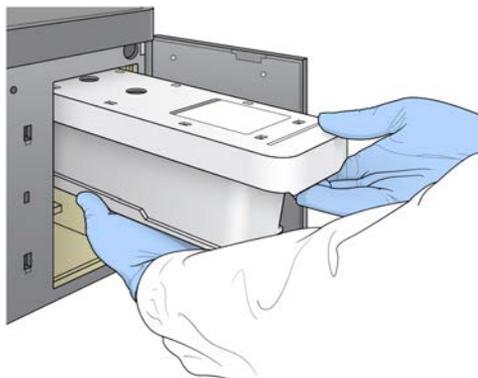
Figura 15 Carregar o receptáculo de reagentes gastos vazio



Carregar o cartucho de tampão

- 1 Remova o cartucho de tampão usado do compartimento superior.
- 2 Deslize um novo cartucho de tampão no compartimento de tampão até que ele pare de se mover. Um clique audível indica que o cartucho está na posição, o ID do cartucho de tampão aparece na tela e o sensor é verificado.

Figura 16 Carregar o cartucho de tampão



- 3 Feche a porta do compartimento de tampão e selecione **Next** (Avançar).

Carregar o cartucho de reagente

- 1 Remova o cartucho de reagente utilizado do compartimento do reagente. Descarte conteúdos não utilizados de acordo com as normas aplicáveis.



ADVERTÊNCIA

Esse conjunto de reagentes contém produtos químicos potencialmente perigosos. Podem ocorrer ferimentos por meio de inalação, ingestão e contato com a pele ou com os olhos. Use equipamento de proteção, incluindo proteção para os olhos, luvas e jaleco, apropriado para risco de exposição. Manuseie os reagentes usados como resíduo químico e descarte-os de acordo com as leis e regulamentações regionais, nacionais e locais aplicáveis. Para obter mais informações ambientais, de saúde e de segurança, consulte a SDS em support.illumina.com/sds.html.

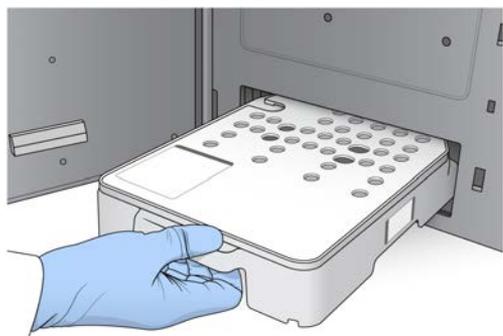


OBSERVAÇÃO

Para facilitar o descarte seguro de reagentes não utilizados, o reservatório na posição 6 é removível. Para obter mais informações, consulte *Remover o reservatório usado na posição n.º 6* na página 25.

- Deslize o cartucho de reagente no compartimento do reagente até fixar o cartucho e feche a porta do compartimento do reagente.

Figura 17 Carregar o cartucho de reagente

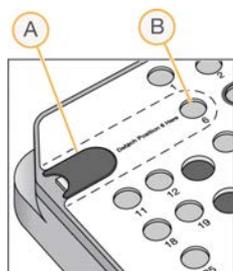


- Selecione **Load** (Carregar).
O software move o cartucho para a posição automaticamente (cerca de 30 segundos), o ID do cartucho de reagente é exibido na tela e os sensores são verificados.
- Selecione **Next** (Avançar).

Remover o reservatório usado na posição n.º 6

- Depois de ter removido o cartucho de reagente **usado** do instrumento, remova a capa protetora de borracha sobre a abertura ao lado da posição n.º 6.

Figura 18 Posição removível n.º 6



- A Capa protetora de borracha
- B Posição n.º 6

- 2 Pressione para baixo a aba de plástico transparente e empurre-a para a esquerda para ejetar o reservatório.
- 3 Descarte o reservatório em conformidade com as normas aplicáveis.

Revisar a verificação automática

O software realiza uma verificação automática do sistema. Durante a verificação, os seguintes indicadores são exibidos na tela:

- ▶ **Marca de verificação**  **cinza** — A verificação ainda não foi realizada.
- ▶ **Ícone de**  **progresso** — A verificação está em andamento.
- ▶ **Marca de verificação**  **verde** — A verificação foi bem-sucedida.
- ▶ **Vermelho**  — A verificação não foi bem-sucedida. Para os itens com falha, é necessária uma ação antes de continuar. Consulte [Resolver erros da verificação automática na página 45](#).

Para interromper uma verificação automática em andamento, selecione o ícone  no canto inferior direito.

Para reiniciar a verificação, selecione o ícone . A verificação é retomada a partir da primeira verificação incompleta ou com falha.

Para visualizar os resultados de cada verificação individual dentro de uma categoria, selecione o ícone  para expandir a categoria.



OBSERVAÇÃO

Quando você executar a primeira execução de sequenciamento com o NCS v4.0 ou posterior, é normal que o registro da lâmina de fluxo demore mais de 15 minutos durante a verificação automatizada do sistema.

Iniciar a execução

Quando a verificação automática for concluída, selecione **Start** (Iniciar). A execução de sequenciamento inicia.

Para configurar o sistema para iniciar a execução automaticamente após uma verificação bem-sucedida, consulte [Definir opções de configuração da execução na página 13](#).

Monitorar o andamento da execução

- 1 Monitore o andamento, as intensidades e as pontuações de qualidade da execução conforme as medidas são exibidas na tela.

Figura 19 Andamento e medidas de execução de sequenciamento



- A **Run progress** (Andamento da execução) — Exibe a etapa atual e o número de ciclos concluídos para cada leitura. A barra de andamento não é proporcional à taxa de execução de cada etapa. Use o tempo restante no canto superior direito para determinar a duração real.
- B **Q-Score** — Exibe a distribuição de pontuações de qualidade (Q-scores). Consulte *Pontuação de qualidade na página 62*.
- C **Intensity** (Intensidade) — Mostra o valor das intensidades de clusters do 90^o percentil para cada bloco. As cores do gráfico indicam cada base: vermelho é A, verde é C, azul é G e preto é T. As cores correspondem aos indicadores de base usados no Sequencing Analysis Software (SAV).
- D **Cluster Density** (Densidade de cluster) (K/mm²) — Mostra o número de clusters detectados para a execução.
- E **Clusters Passing Filter** (Filtro de passagem de clusters) (%) — Mostra a porcentagem de clusters que passam o filtro. Consulte *Filtro de passagem de clusters na página 61*.
- F **Estimated Yield** (Rendimento estimado) (Gb) — Mostra o número de bases projetadas para a execução.



OBSERVAÇÃO

Após selecionar Home (Página inicial), não será possível retornar à visualização de medidas de execução. No entanto, as medidas de execução podem ser acessadas no BaseSpace Sequence Hub ou visualizadas de um computador independente usando o Sequencing Analysis Viewer (SAV).

Ciclos para medidas de execução

As medidas de execução aparecem em pontos diferentes de uma execução.

- ▶ Durante as etapas de clusterização, nenhuma medida é exibida.
- ▶ Os primeiros cinco ciclos são reservados para a geração do modelo.
- ▶ As medidas da execução são exibidas após o ciclo 25, incluindo densidade de cluster, filtro de passagem de clusters, rendimento e pontuações de qualidade.

Transferência de dados

Dependendo da configuração de análise selecionada, um ícone aparece na tela durante a execução para indicar o status de transferência de dados.

Status	Local Run Manager	Pasta de saída	Illumina BaseSpace Sequence Hub
Conectado			
Conectado e transferindo dados			
Desconectado			
Desativado			

Se a transferência de dados for interrompida durante a execução, os dados serão armazenados temporariamente no computador do instrumento. Quando a conexão for restaurada, a transferência de dados será retomada automaticamente. Se a conexão não for restabelecida antes do fim da execução, remova manualmente os dados do computador do instrumento antes de iniciar outra execução.

Serviço de cópia universal

O NextSeq System Software Suite contém um serviço de cópia universal. O RTA v2 solicita que o serviço copie arquivos de um local de origem para um local de destino, e o serviço processa as solicitações de cópia na ordem de recebimento. Se ocorrer uma exceção, o arquivo será recolocado na fila para cópia com base no número de arquivos na fila de cópia.

Sequencing Analysis Viewer

O software Sequencing Analysis Viewer mostra as medidas de sequenciamento geradas durante a execução. As medidas são exibidas em forma de gráficos, gráficos de pontos e tabelas com base nos dados gerados pelo RTA e gravados nos arquivos InterOp. As medidas são atualizadas conforme a execução continua. Selecione **Refresh** (Atualizar) a qualquer momento durante a execução para visualizar as medidas atualizadas. Para mais informações, consulte o *Guia do usuário do Sequencing Analysis Viewer (n.º de peça 15020619)*.

O Sequencing Analysis Viewer está incluído no software instalado no computador do instrumento. Também é possível instalar o Sequencing Analysis Viewer em outro computador conectado à mesma rede que o instrumento para monitorar as medidas da execução remotamente.

Limpeza automática após a execução

Quando a execução de sequenciamento é concluída, o software inicia uma limpeza automática após a execução. A limpeza após a execução usa uma solução de limpeza fornecida no cartucho de solução tampão e o NaOCl fornecido no cartucho de reagente.

Quando a execução de sequenciamento é concluída, o software inicia uma limpeza após a execução automática utilizando a solução de limpeza fornecida no cartucho de tampão e o NaOCl fornecido no cartucho de reagente.

A limpeza automática após a execução demora aproximadamente 90 minutos. Quando a limpeza é concluída, o botão Home (Página inicial) fica ativo. Os resultados do sequenciamento permanecem visíveis na tela durante a limpeza.

Após a limpeza

Após a limpeza, os aspiradores permanecem virados para baixo para impedir a entrada de ar no sistema. Deixe os cartuchos no lugar até a próxima execução.

Capítulo 4 Leitura

Introdução	30
Fazer download da pasta DMAP	31
Carregar o BeadChip no adaptador	32
Configurar uma leitura	32
Monitorar o progresso de leitura	35

Introdução

Para executar uma leitura no NextSeq 550, são necessários os seguintes componentes de execução:

- ▶ Um BeadChip hibridizado e com coloração
- ▶ O adaptador BeadChip reutilizável
- ▶ Os arquivos Decode Map (DMAP) do BeadChip em uso
- ▶ Um arquivo de manifesto do BeadChip em uso
- ▶ Um arquivo de cluster do BeadChip em uso

Arquivos de saída são gerados durante a leitura e colocados em fila para transferência para a pasta de saída especificada.

Realize a análise utilizando o software BlueFuse Multi, que requer que os dados de leitura estejam disponíveis no formato de arquivo de determinação de genótipo (GTC, genotype call). Por padrão, o NextSeq 550 gera dados normalizados e as identificações de genótipo associadas no formato de um arquivo GTC. Opcionalmente, é possível configurar o instrumento para gerar arquivos de dados de intensidade adicionais (formato IDAT). Para obter mais informações, consulte *Configuração da leitura do BeadChip na página 56*.

Decode File Client

A pasta DMAP contém informações que identificam os locais de beads no BeadChip e quantificam o sinal associado a cada bead. A pasta DMAP é exclusiva para cada código de barras do BeadChip.

O utilitário Decode File Client permite fazer download de pastas DMAP diretamente dos servidores da Illumina usando o protocolo HTTP padrão.

Para obter acesso ao Decode File Client, acesse a [página de suporte do Decode File Client](http://support.illumina.com/array/array_software/decode_file_client/downloads.html) no site da Illumina (support.illumina.com/array/array_software/decode_file_client/downloads.html). Instale o Decode File Client em um computador com acesso ao local de rede da pasta DMAP.

Para obter mais informações, consulte *Fazer download da pasta DMAP na página 31*.

Arquivos de manifesto e de cluster

Para cada BeadChip, o software requer acesso a um arquivo de manifesto e a um arquivo de cluster. Cada arquivo de manifesto e de cluster é exclusivo para um tipo de BeadChip. Certifique-se de usar arquivos de cluster que incluam NS550 no nome do arquivo. Esses arquivos são compatíveis com o sistema NextSeq.

- ▶ **Arquivo de manifesto:** os arquivos de manifesto descrevem o SNP ou o conteúdo da sonda de um BeadChip. Os arquivos de manifesto usam o formato de arquivo *.bpm.
- ▶ **Arquivos de cluster:** os arquivos de cluster descrevem as posições de cluster para a matriz de genotipagem da Illumina e são usados na análise dos dados para realizar a identificação de genótipo. Os arquivos de cluster usam o formato de arquivo *.egt.

A localização dos arquivos é especificada na tela BeadChip Scan Configuration (Configuração da leitura do BeadChip). Na tela Home (Início) do NCS, selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento), **System Configuration** (Configuração do sistema) e, em seguida, **BeadChip Scan Configuration** (Configuração da leitura do BeadChip).

Quando o instrumento NextSeq 550 é instalado, o representante da Illumina faz o download desses arquivos e especifica o caminho no software de controle. Não há necessidade de alterar esses arquivos, exceto no caso de perda ou de uma nova versão disponível. Para obter mais informações, consulte *Substituir arquivos de manifesto e de cluster* na página 51.

Fazer download da pasta DMAP

É possível acessar a pasta DMAP usando o Decode File Client por conta ou por BeadChip (visualização padrão).

Acessar pasta DMAP por conta

- 1 Na guia principal do Decode File Client, selecione uma opção de download:
 - ▶ AutoPilot
 - ▶ Todos os BeadChips ainda não baixados
 - ▶ Todos os BeadChips
 - ▶ BeadChips por ordem de compra
 - ▶ BeadChips por código de barras
- 2 Insira as informações necessárias.
- 3 Localize a pasta DMAP da qual deseja fazer download.
- 4 Certifique-se de que há espaço livre suficiente no destino do download.
- 5 Inicie o download. Veja o status do download na guia Download Status and Log (Status e registro de download).
- 6 Salve a pasta DMAP no local da pasta DMAP especificada.

Acessar pasta DMAP por BeadChip

- 1 Identifique os BeadChips usando duas das seguintes opções:
 - ▶ Código de barras do BeadChip
 - ▶ ID da caixa dos BeadChips
 - ▶ Número do pedido de compra
 - ▶ Número do pedido de venda
- 2 Localize a pasta DMAP da qual deseja fazer download.
- 3 Certifique-se de que há espaço livre suficiente no destino do download.
- 4 Inicie o download. Veja o status do download na guia Download Status and Log (Status e registro de download).
- 5 Salve a pasta DMAP no local da pasta DMAP especificada.

Carregar o BeadChip no adaptador

- 1 Pressione o clipe de retenção do adaptador para baixo. O clipe se inclina ligeiramente para trás para abrir.
- 2 Segurando o BeadChip pelas extremidades, posicione-o com o código de barras perto do clipe de retenção e coloque o BeadChip na plataforma rebaixada do adaptador.

Figura 20 Carregar o BeadChip no adaptador



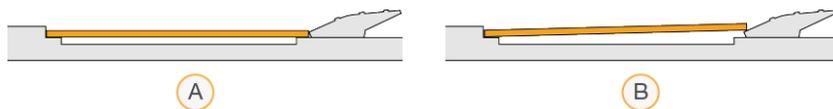
- 3 Usando as aberturas em ambos os lados do BeadChip, certifique-se de que ele esteja encaixado na plataforma rebaixada do adaptador.

Figura 21 Posicionar e fixar o BeadChip



- 4 Solte com cuidado o clipe de retenção para fixar o BeadChip.
- 5 Verifique o BeadChip de uma vista lateral para se certificar de que ele está assentado de forma plana no adaptador. Reposicione o BeadChip se necessário.

Figura 22 Inspeccionar a posição do BeadChip



- A Posição correta: o BeadChip fica plano em relação ao adaptador quando o clipe é liberado.
B Posição incorreta: o BeadChip não fica plano quando o clipe é liberado.

Configurar uma leitura

- 1 Na tela Home (Início), selecione **Experiment** (Experimento) e depois **Scan** (Ler).

O comando Scan (Ler) abre a porta do compartimento de imagem, libera materiais de consumo de uma execução anterior (se houver) e abre a série de telas de configuração da leitura. Um pequeno atraso é normal.

Descarregar materiais de consumo de sequenciamento

Se materiais de consumo de sequenciamento usados estiverem presentes quando você estiver configurando uma leitura, o software solicitará que você descarregue o cartucho de reagente e o cartucho de tampão antes de prosseguir para a próxima etapa.

- 1 Se solicitado, remova os materiais de consumo de sequenciamento usados em uma execução de sequenciamento anterior.
 - a Remova o cartucho de reagente do compartimento do reagente. Descarte conteúdos não utilizados de acordo com as normas aplicáveis.
 - b Remova o cartucho de tampão usado do compartimento de tampão.



ADVERTÊNCIA

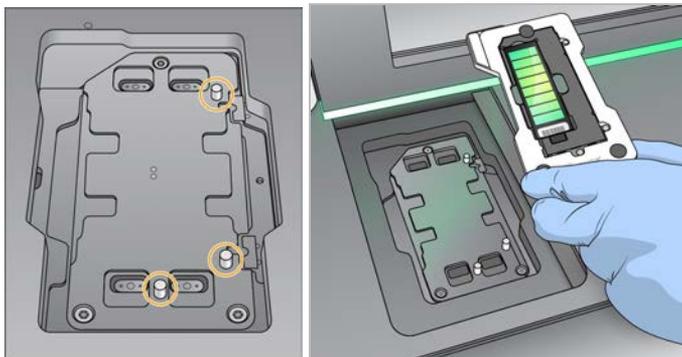
Esse conjunto de reagentes contém produtos químicos potencialmente perigosos. Podem ocorrer ferimentos por meio de inalação, ingestão e contato com a pele ou com os olhos. Use equipamento de proteção, incluindo proteção para os olhos, luvas e jaleco, apropriado para risco de exposição. Manuseie os reagentes usados como resíduo químico e descarte-os de acordo com as leis e regulamentações regionais, nacionais e locais aplicáveis. Para obter mais informações ambientais, de saúde e de segurança, consulte a SDS em support.illumina.com/sds.html.

- 2 Feche as portas do compartimento do reagente e do compartimento de tampão.

Carregar o adaptador BeadChip

- 1 Utilize os pinos de alinhamento para posicionar o adaptador BeadChip na plataforma.

Figura 23 Carregar o adaptador BeadChip



- 2 Selecione **Load** (Carregar).
A porta se fecha automaticamente, o ID do BeadChip é exibido na tela e os sensores são verificados. Um pequeno atraso é normal. Se não for possível ler o código de barras do BeadChip, uma caixa de diálogo que permite que você insira o código de barras manualmente será exibida. Consulte *O software não consegue ler o código de barras do BeadChip na página 50*.
- 3 Selecione **Next** (Avançar).

Configuração da leitura

- 1 Na tela Scan Setup (Configuração da leitura), confirme as seguintes informações:
 - ▶ **Barcode** (Código de barras): o software lê o código de barras do BeadChip quando o BeadChip é carregado. Se o código de barras foi inserido manualmente, o botão Edit (Editar) é exibido para mais alterações.
 - ▶ **Type** (Tipo): o campo de tipo de BeadChip é preenchido automaticamente com base no código de barras do BeadChip.
 - ▶ **DMAP Location** (Local DMAP): o local da pasta DMAP é especificado na tela BeadChip Scan Configuration (Configuração da leitura do BeadChip). Para alterar o local somente para a leitura atual, selecione **Browse** (Procurar) e navegue até o local correto.
 - ▶ **Output Location** (Local de saída): o local de saída é especificado na tela BeadChip Scan Configuration (Configuração da leitura do BeadChip). Para alterar o local somente para a leitura atual, selecione **Browse** (Procurar) e navegue até o local desejado.
- 2 Selecione **Next** (Avançar).

Revisar a verificação automática

O software realiza uma verificação automática do sistema. Durante a verificação, os seguintes indicadores são exibidos na tela:

- ▶ **Marca de verificação**  **cinza** — A verificação ainda não foi realizada.
- ▶ **Ícone de**  **progresso** — A verificação está em andamento.
- ▶ **Marca de verificação**  **verde** — A verificação foi bem-sucedida.
- ▶ **Vermelho**  — A verificação não foi bem-sucedida. Para os itens com falha, é necessária uma ação antes de continuar. Consulte [Resolver erros da verificação automática na página 45](#).

Para interromper uma verificação automática em andamento, selecione o ícone  no canto inferior direito.

Para reiniciar a verificação, selecione o ícone . A verificação é retomada a partir da primeira verificação incompleta ou com falha.

Para visualizar os resultados de cada verificação individual dentro de uma categoria, selecione o ícone  para expandir a categoria.



OBSERVAÇÃO

Quando você executar a primeira execução de sequenciamento com o NCS v4.0 ou posterior, é normal que o registro da lâmina de fluxo demore mais de 15 minutos durante a verificação automatizada do sistema.

Iniciar a leitura

Quando a verificação automática for concluída, selecione **Start** (Iniciar). A leitura começa.

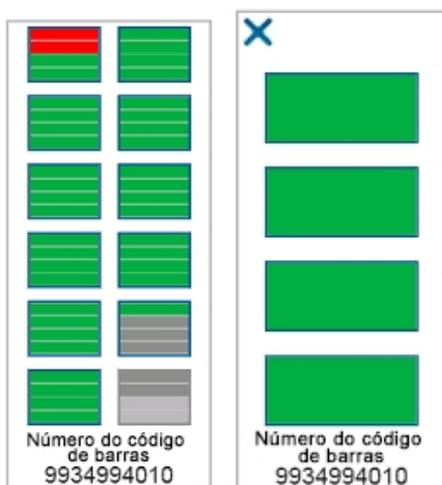
Para configurar o sistema para iniciar a execução automaticamente após uma verificação bem-sucedida, consulte [Definir opções de configuração da execução na página 13](#).

Monitorar o progresso de leitura

- 1 Monitorar o andamento da leitura usando a imagem do BeadChip. Cada cor na imagem indica o status da leitura.
 - ▶ **Cinza-claro:** não lido.
 - ▶ **Cinza-escuro:** lido, mas não registrado.
 - ▶ **Verde:** lido e registrado com sucesso.
 - ▶ **Vermelho:** a leitura e o registro falharam.

Se o registro falhar, você pode ler novamente as amostras que contêm seções com falhas. Consulte [Falha de leitura do BeadChip na página 50](#).
- 2 Selecione a imagem do BeadChip para alternar entre a visualização completa e a visualização detalhada de uma amostra selecionada.
 - ▶ A visualização completa exibe as amostras no BeadChip e as seções dentro de cada amostra.
 - ▶ A visão detalhada mostra cada seção dentro da amostra selecionada.

Figura 24 Imagem do BeadChip: visualização completa e detalhada



OBSERVAÇÃO

Encerrar uma leitura é uma ação definitiva. Se você encerrar uma leitura antes que ela seja concluída, os dados da leitura **não** serão salvos.

Transferência de dados

Os dados são enfileirados para a transferência para a pasta de saída da leitura quando a leitura é concluída. Os dados são temporariamente gravados no computador do instrumento. A pasta temporária é excluída do computador do instrumento automaticamente quando uma leitura subsequente é iniciada.

O tempo necessário para transferir os dados depende da conexão de rede. Antes de iniciar uma leitura posterior, certifique-se de que os dados foram gravados na pasta de saída. Para verificar, certifique-se de que os arquivos GTC estão presentes na pasta de código de barras. Para obter mais informações, consulte [Estrutura da pasta de saída da leitura na página 68](#).

Se a conexão for interrompida, a transferência de dados será retomada automaticamente quando a conexão for restabelecida.

Capítulo 5 Manutenção

Esta seção descreve os procedimentos necessários para manter um sistema saudável, incluindo a realização da limpeza de manutenção e a atualização do software. Manter o software de controle atualizado garante que o sistema tenha as correções de bugs e recursos mais recentes instalados para um ótimo desempenho.

Introdução

Os procedimentos de manutenção incluem limpezas manuais do instrumento, substituição do filtro de ar e atualizações do software do sistema, quando disponíveis.

- ▶ **Limpezas do instrumento** — Uma limpeza automática após cada execução de sequenciamento mantém o desempenho do instrumento. No entanto, uma limpeza manual é necessária periodicamente de acordo com condições específicas. Consulte *Realizar uma limpeza manual na página 36*.
- ▶ **Atualizações do software** — Quando uma versão atualizada do software do sistema está disponível, é possível instalá-la automaticamente usando um dos dois métodos a seguir.
 - ▶ Por meio de uma conexão ao BaseSpace Sequence Hub.
 - ▶ Manualmente, depois que você fizer o download do instalador no site da Illumina. Consulte *Atualizações de software na página 40*.
- ▶ **Substituição do filtro de ar** — Para instrumentos com filtro de ar acessível pelo painel traseiro, a substituição regular do filtro de ar garante o fluxo de ar adequado pelo instrumento.

Manutenção preventiva

A Illumina recomenda que você agende um serviço de manutenção preventiva a cada ano. Se você não estiver vinculado a um contrato de serviço, entre em contato com seu gerente de conta territorial ou suporte técnico da Illumina para contratar um serviço de manutenção preventiva faturável.

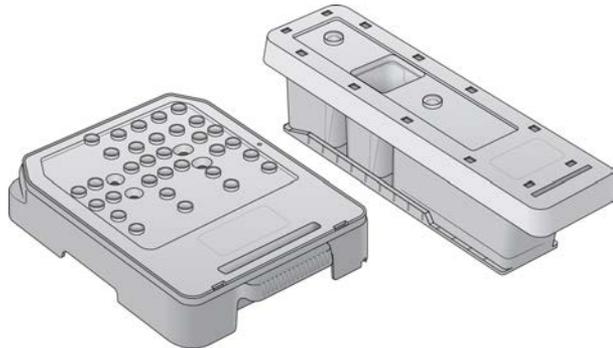
Realizar uma limpeza manual

As limpezas manuais são iniciadas na tela Home (Página inicial). As opções de limpeza incluem a limpeza rápida e a limpeza manual após a execução.

Tipos de limpeza	Descrição
Limpeza rápida Duração: 20 minutos	Lava o sistema com uma solução de limpeza fornecida pelo usuário contendo água aprovada para uso em laboratório e Tween 20 (cartucho de limpeza de tampão). <ul style="list-style-type: none">• Necessária a cada 14 dias de ociosidade do instrumento com o cartucho de reagente e o cartucho de tampão posicionados.• Necessária a cada sete dias em que o instrumento ficar em estado seco (cartucho de reagente e cartucho tampão removidos).• Necessária após um desligamento.
Limpeza manual após a execução Duração: 90 minutos	Lava o sistema com uma solução de limpeza fornecida pelo usuário contendo água aprovada para uso em laboratório e Tween 20 (cartucho de limpeza de tampão) e 0,12% de hipoclorito de sódio (cartucho de limpeza de reagente). Necessária se a limpeza automática após a execução não tiver sido realizada.

A limpeza manual requer o cartucho de limpeza de reagente e o cartucho de limpeza de tampão fornecidos com o instrumento e uma lâmina de fluxo usada. Uma lâmina de fluxo usada pode ser utilizada até 20 vezes para limpezas de instrumentos.

Figura 25 Cartucho de limpeza de reagente e cartucho de limpeza de tampão



Preparar uma limpeza manual após a execução

Materiais de consumo fornecidos pelo usuário	Volume e descrição
<ul style="list-style-type: none"> • NaOCl 	1 ml, diluído a 0,12% Carregado no cartucho de limpeza de reagente (posição n.º 28)
<ul style="list-style-type: none"> • Tween 20 a 100% • Água aprovada para uso em laboratório 	Usado para fazer a solução de limpeza de 125 ml e 0,05% de Tween 20 Carregado no cartucho de limpeza de tampão (reservatório central)

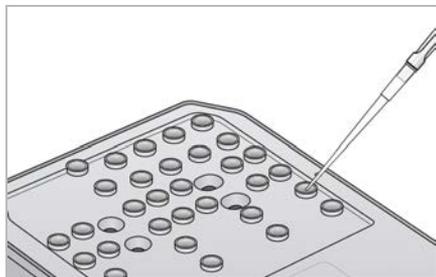


OBSERVAÇÃO

Sempre use uma nova diluição de NaOCl preparada nas últimas **24 horas**. Se fizer um volume superior a 1 ml, armazene o restante da diluição a uma temperatura entre 2 °C e 8 °C para uso nas próximas 24 horas. Caso contrário, descarte o restante da diluição de NaOCl.

- 1 Combine os volumes a seguir em um tubo de microcentrífuga para fazer 1 ml de NaOCl a 0,12%:
 - ▶ NaOCl a 5% (24 µl)
 - ▶ Água aprovada para uso em laboratório (976 µl)
- 2 Inverta o tubo para misturar.
- 3 Adicione 1 ml de NaOCl a 0,12% ao cartucho de limpeza de reagente. O reservatório correto é equivalente à posição n.º 28 do cartucho pré-carregado.

Figura 26 Carregar NaOCl



- 4 Combine os seguintes volumes para fazer uma solução de limpeza de Tween 20 a 0,05%:
 - ▶ Tween 20 a 100% (62 µl)
 - ▶ Água aprovada para uso em laboratório (125 ml)
- 5 Adicione 125 ml de solução de limpeza ao reservatório central do cartucho de limpeza de tampão.

- 6 Selecione **Perform Wash** (Realizar limpeza) e depois **Manual Post-Run Wash** (Limpeza manual após a execução).

Preparar uma limpeza rápida

Materiais de consumo fornecidos pelo usuário	Volume e descrição
<ul style="list-style-type: none"> • Tween 20 a 100% • Água aprovada para uso em laboratório 	Usado para fazer a solução de limpeza de 40 ml e 0,05% de Tween 20 Carregado no cartucho de limpeza de tampão (reservatório central)

- 1 Combine os seguintes volumes para fazer uma solução de limpeza de Tween 20 a 0,05%:
 - ▶ Tween 20 a 100% (20 µl)
 - ▶ Água aprovada para uso em laboratório (40 ml)
- 2 Adicione 40 ml de solução de limpeza ao reservatório central do cartucho de limpeza de tampão.
- 3 Selecione **Perform Wash** (Realizar limpeza) e **Quick Wash** (Limpeza rápida).

Carregar uma lâmina de fluxo usada e cartuchos de limpeza

- 1 Se uma lâmina de fluxo usada não estiver presente, carregue uma lâmina de fluxo usada. Selecione **Load** (Carregar) e depois **Next** (Avançar).
- 2 Remova o receptáculo de reagentes gastos e descarte o conteúdo de acordo com as normas aplicáveis.



ADVERTÊNCIA

Esse conjunto de reagentes contém produtos químicos potencialmente perigosos. Podem ocorrer ferimentos por meio de inalação, ingestão e contato com a pele ou com os olhos. Use equipamento de proteção, incluindo proteção para os olhos, luvas e jaleco, apropriado para risco de exposição. Manuseie os reagentes usados como resíduo químico e descarte-os de acordo com as leis e regulamentações regionais, nacionais e locais aplicáveis. Para obter mais informações ambientais, de saúde e de segurança, consulte a SDS em support.illumina.com/sds.html.

- 3 Deslize o receptáculo de reagentes gastos vazio no compartimento de tampão até ele parar de deslizar.
- 4 Remova o cartucho de tampão usado na execução anterior, se houver.
- 5 Carregue o cartucho de limpeza de tampão contendo solução de limpeza.
- 6 Remova o cartucho de reagente usado na execução anterior, se houver.
- 7 Carregue o cartucho de limpeza de reagente.
- 8 Selecione **Next** (Avançar). A verificação antes da limpeza começa automaticamente.

Iniciar a limpeza

- 1 Selecione **Start** (Iniciar).
- 2 Quando a limpeza for concluída, selecione **Home** (Página inicial).

Após a limpeza

Após a limpeza, os aspiradores permanecem virados para baixo para impedir a entrada de ar no sistema. Deixe os cartuchos no lugar até a próxima execução.

Trocar o filtro de ar

Para instrumentos com filtro de ar acessível pela parte traseira, o filtro de ar garante o fluxo de ar pelo instrumento. O software exibe uma notificação para trocar o filtro de ar a cada 90 dias. Quando for avisado, selecione **Remind in 1 day** (Lembrar em 1 dia) ou siga o procedimento abaixo e selecione **Filter Changed** (Filtro trocado). A contagem regressiva de 90 dias é redefinida depois da seleção de **Filter Changed** (Filtro trocado).

- 1 Remova o novo filtro de ar da embalagem e escreva a data em que você o instalar na estrutura do filtro.
- 2 Na parte posterior do instrumento, pressione na parte superior da bandeja do filtro para liberá-la.
- 3 Segure a parte superior da bandeja do filtro e puxe-a para retirá-la totalmente para fora do instrumento.
- 4 Remova e descarte o filtro de ar antigo.
- 5 Insira o novo filtro de ar na bandeja.

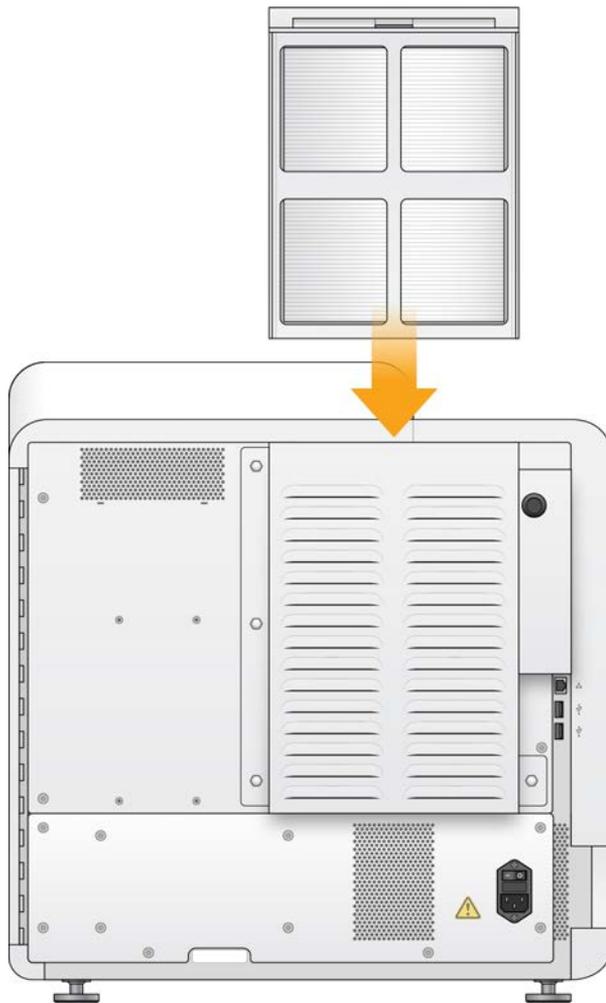


OBSERVAÇÃO

O filtro de ar não funcionará corretamente se estiver ao contrário. Certifique-se de inserir o filtro de ar na bandeja de modo que você possa ver a seta verde Up (Para cima) e a etiqueta de alerta esteja oculta. A seta deve apontar para a alça da bandeja do filtro.

- 6 Deslize a bandeja do filtro para dentro do instrumento. Pressione a parte superior da bandeja do filtro até que ela se encaixe no lugar com um clique.

Figura 27 Inserção do filtro de ar



Atualizações de software

As atualizações de software são incluídas em um pacote de software chamado pacote do sistema, que contém os seguintes softwares:

- ▶ NextSeq Control Software (NCS)
- ▶ Receitas do NextSeq
- ▶ Software Local Run Manager
- ▶ RTA2
- ▶ NextSeq Service Software (NSS)
- ▶ Serviço de cópia universal
- ▶ Driver do Acesso direto à memória (DMA)

Você pode instalar atualizações de software automaticamente por meio de uma conexão com a internet ou manualmente de um local de rede ou USB.

- ▶ **Atualizações automáticas** — Para instrumentos conectados a uma rede com acesso à internet, um ícone de alerta  é exibido no botão Manage Instrument (Gerenciar instrumento) na tela Home (Início) quando uma atualização está disponível.
- ▶ **Atualizações manuais** — Faça download do instalador do pacote do sistema na [página de suporte do NextSeq 550](#) no site da Illumina. Se você planeja fazer uma atualização manual, certifique-se de concluí-la antes de preparar amostras e materiais de consumo para uma execução de sequenciamento.

Atualização automática de software

- 1 Selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **Software Update** (Atualização de software).
- 3 Selecione **Install the update already downloaded from BaseSpace** (Instalar a atualização já baixada do BaseSpace).
- 4 Selecione **Update** (Atualizar) para iniciar a atualização. Uma caixa de diálogo será exibida para confirmar o comando.
- 5 Siga as instruções do assistente de instalação:
 - a Aceite o contrato de licença.
 - b Analise as notas da versão.
 - c Analise a lista de softwares incluídos na atualização.

Quando a atualização for concluída, o software de controle reiniciará automaticamente.



OBSERVAÇÃO

Se uma atualização de firmware estiver incluída, será necessária uma reinicialização automática do sistema após a atualização do firmware.

Atualização manual de software

- 1 Faça download do instalador do pacote do sistema do site da Illumina e salve-o em um local da rede. Outra opção é copiar o arquivo de instalação do software para uma unidade portátil USB.
- 2 Selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 3 Selecione **Software Update** (Atualização de software).
- 4 Selecione **Manually install the update from the following location** (Instalar manualmente a atualização do seguinte local).
- 5 Selecione **Browse** (Procurar) para acessar o local do arquivo de instalação do software e depois selecione **Update** (Atualizar).
- 6 Siga as instruções do assistente de instalação:
 - a Aceite o contrato de licença.
 - b Analise as notas da versão.
 - c Analise a lista de softwares incluídos na atualização.

Quando a atualização for concluída, o software de controle reiniciará automaticamente.



OBSERVAÇÃO

Se uma atualização de firmware estiver incluída, será necessária uma reinicialização automática do sistema após a atualização do firmware.

Desligar o instrumento

- 1 Selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).



OBSERVAÇÃO

Para desligar o instrumento NextSeq 550Dx no modo de pesquisa, consulte *Opções de reinicialização e desligamento do NextSeq 550Dx na página 71*.

- 2 Selecione **Shutdown Options** (Opções de desligamento).
- 3 Selecione **Shutdown** (Desligar).
O comando Shut Down (Desligar) encerra o software e desliga a energia do instrumento com segurança. Aguarde pelo menos 60 segundos antes de ligar o instrumento novamente.



CUIDADO

Não mude o instrumento de lugar. Mover o instrumento de maneira inadequada pode afetar o alinhamento óptico e comprometer a integridade dos dados. Se for necessário mudar o instrumento de lugar, entre em contato com um representante da Illumina.

Apêndice A Solução de problemas

Introdução	43
Arquivos de solução de problemas	43
Resolver erros da verificação automática	45
O receptáculo de reagentes gastos está cheio	47
Fluxo de trabalho de nova hibridização	48
Erros do BeadChip e da leitura	50
Receitas personalizadas e pastas de receitas	51
Verificação do sistema	52
Mensagem de erro RAID	54
Erro de armazenamento da rede	54
Definir as configurações do sistema	54

Introdução

Para perguntas técnicas, visite as páginas de suporte do NextSeq 550 no site da Illumina. As páginas de suporte permitem acessar a documentação, downloads e perguntas frequentes.

Faça login em sua conta do MyIllumina para acessar os boletins de suporte.

Para problemas de qualidade ou de desempenho de execução, entre em contato com o suporte técnico da Illumina. Consulte *Assistência técnica na página 77*.

Considere compartilhar um link para o resumo da execução no BaseSpace Sequence Hub com o suporte técnico da Illumina para facilitar a solução de problemas. Você também pode ajudar a solução de problemas quando o serviço de monitoramento do Illumina Proactive estiver ativo. Para obter mais informações sobre o serviço, consulte *Definir a opção de enviar os dados de desempenho do instrumento na página 13*.

Arquivos de solução de problemas

Um representante do suporte técnico da Illumina pode solicitar cópias de arquivos específicos para a execução ou leitura para solucionar problemas. Normalmente, os arquivos a seguir são usados para a solução de problemas.

Arquivos de solução de problemas para execuções de sequenciamento

Arquivo principal	Subpasta	Descrição
Arquivo de informações da execução (RunInfo.xml)	<Nome da pasta de execução>	Contém as seguintes informações: <ul style="list-style-type: none">• Nome da execução• Número de ciclos da execução• Número de ciclos em cada leitura• Se a leitura é uma leitura indexada• Número de feixes e blocos na lâmina de fluxo
Arquivo de parâmetros de execução (RunParameters.xml)	<Nome da pasta de execução>	Contém informações sobre parâmetros e componentes de execução. Entre essas informações estão o RFID, o número de série, o número da peça e a data de validade.

Arquivo principal	Subpasta	Descrição
Arquivo de configuração do RTA (RTAConfiguration.xml)	Data\Intensities (Dados\Intensidades)	Contém as definições de configuração do RTA para a execução. O arquivo RTAConfiguration.xml é criado no início da execução.
Arquivos InterOp (*.bin)	InterOp	Arquivos binários de relatórios utilizados para o Sequencing Analysis Viewer. Os arquivos InterOp são atualizados ao longo da execução.
Arquivos de registro	Logs (Registros)	Os arquivos de registro descrevem cada etapa realizada pelo instrumento para cada ciclo e exibem as versões de softwares e firmwares usadas na execução. O arquivo nomeado [Nomedoinstrumento]_Hardwareactual.csv exibe os números de série dos componentes do instrumento.
Arquivos de registro de erros (*ErrorLog*.txt)	Registros de RTA	Registros de erros de RTA. Os arquivos de registro de erros são atualizados sempre que um erro ocorre.
Arquivos de registro global (*GlobalLog*.tsv)	Registros de RTA	Registro de todos os eventos de RTA. Os arquivos de registro global são atualizados ao longo da execução.
Arquivos de registro de cavidades (*LaneLog*.txt)	Registros de RTA	Registro de eventos de processamento de RTA. Os arquivos de registro de cavidades são atualizados ao longo da execução.

Erros de RTA

Para solucionar erros de RTA, verifique primeiro o registro de erros de RTA, que é armazenado na pasta RTALogs. Esse arquivo não está presente para as execuções bem-sucedidas. Os arquivos estão localizados em pastas específicas para a execução da pasta de saída. Inclua o registro de erros ao relatar problemas para o suporte técnico da Illumina.

Arquivos de solução de problemas para leituras de matrizes

Arquivo principal	Subpasta	Descrição
Arquivo de parâmetros de leitura (ScanParameters.xml)	<Nome da pasta de execução>	Contém informações sobre parâmetros de leitura. Essas informações incluem a data da leitura, o código de barras do BeadChip, o local do arquivo de cluster e o local do arquivo de manifesto.
Arquivos de registro	Logs (Registros)	Os arquivos de registro descrevem cada etapa realizada no instrumento durante a leitura.

Arquivo principal	Subpasta	Descrição
Arquivos de métricas	[Código de barras]	As métricas são fornecidas como métricas de amostra e como métricas de seção. [código de barras]_sample_metrics.csv : para cada amostra e canal (vermelho e verde), lista o percentual das imagens, o valor de porcentagem, P05, P50, P95, FWHM médio, FWHM padrão e a pontuação de registro mínima. [código de barras]_section_metrics.csv : para cada seção e bloco, lista a posição Z do laser, a posição Z através do foco, FWHM do canal vermelho, FWHM do canal verde, a intensidade média dos pixels vermelhos, a intensidade média dos pixels verdes, a pontuação de registro do vermelho e a pontuação de registro do verde.
Arquivo de nova leitura	[Código de barras]	[código de barras]_rescan.flowcell : lista os locais dos blocos ajustados para uma nova leitura, que incluem um aumento na sobreposição bloco a bloco.

Resolver erros da verificação automática

Se ocorrerem erros durante a verificação automática, use as seguintes ações recomendadas para resolvê-los. As verificações automáticas são diferentes para os processos de sequenciamento e leitura de matrizes.

Se uma verificação antes da execução falhar, o RFID do cartucho de reagente não será bloqueado e poderá ser usado para uma execução posterior. No entanto, o RFID será bloqueado depois que o selo de alumínio for perfurado.

Verificações do sistema	Ação recomendada
Portas fechadas	Certifique-se de que as portas dos compartimentos estejam fechadas.
Materiais de consumo carregados	Os sensores de material de consumo não conseguem fazer registros. Certifique-se de que cada material de consumo esteja carregado corretamente. Nas telas de configuração de execução, selecione Back (Voltar) para retornar à etapa de carregamento e repetir a configuração da execução.
Software necessário	Componentes críticos do software estão ausentes. Realize uma atualização manual do software para restaurar todos os componentes do software.
Espaço em disco do instrumento	O disco rígido do instrumento não tem espaço suficiente para uma execução. É possível que dados de uma execução anterior não tenham sido transferidos. Limpe os dados de execução do disco rígido do instrumento.
Conexão de rede	A conexão de rede foi interrompida. Verifique o status da rede e a conexão física da rede.
Espaço em disco de rede	A conta do BaseSpace está cheia ou o servidor de rede está cheio.

Temperatura	Ação recomendada
Temperatura	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Sensores de temperatura	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Ventiladores	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.

Sistema de imagem	Ação recomendada
Limites de imagem	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Z Steps-and-Settle	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Taxa de erros por bit	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Registro da lâmina de fluxo	É possível que a lâmina de fluxo não esteja encaixada corretamente. <ul style="list-style-type: none"> Nas telas de configuração da execução, selecione Back (Voltar) para retornar à etapa da lâmina de fluxo. A porta do compartimento de imagem é aberta. Descarregue e carregue novamente a lâmina de fluxo para se certificar de que ela esteja encaixada corretamente.

Distribuição de reagente	Ação recomendada
Resposta da válvula	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Bomba	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Mecanismo de tampão	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Reagentes gastos vazios	Esvazie o receptáculo de reagentes gastos e recarregue o receptáculo vazio.

Verificações para execuções de sequenciamento

Se uma verificação antes da execução falhar, o RFID do cartucho de reagente não será bloqueado e poderá ser usado para uma execução posterior. No entanto, o RFID será bloqueado depois que o selo de alumínio for perfurado.

Verificações do sistema	Ação recomendada
Portas fechadas	Certifique-se de que as portas dos compartimentos estejam fechadas.
Materiais de consumo carregados	Os sensores de material de consumo não conseguem fazer registros. Certifique-se de que cada material de consumo esteja carregado corretamente. Nas telas de configuração de execução, selecione Back (Voltar) para retornar à etapa de carregamento e repetir a configuração da execução.
Software necessário	Componentes críticos do software estão ausentes. Realize uma atualização manual do software para restaurar todos os componentes do software.
Espaço em disco do instrumento	O disco rígido do instrumento não tem espaço suficiente para uma execução. É possível que dados de uma execução anterior não tenham sido transferidos. Limpe os dados de execução do disco rígido do instrumento.
Conexão de rede	A conexão de rede foi interrompida. Verifique o status da rede e a conexão física da rede.
Espaço em disco de rede	A conta do BaseSpace está cheia ou o servidor de rede está cheio.

Temperatura	Ação recomendada
Temperatura	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Sensores de temperatura	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Ventiladores	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.

Sistema de imagem	Ação recomendada
Limites de imagem	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Z Steps-and-Settle	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Taxa de erros por bit	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Registro da lâmina de fluxo	É possível que a lâmina de fluxo não esteja encaixada corretamente. <ul style="list-style-type: none"> Nas telas de configuração da execução, selecione Back (Voltar) para retornar à etapa da lâmina de fluxo. A porta do compartimento de imagem é aberta. Descarregue e carregue novamente a lâmina de fluxo para se certificar de que ela esteja encaixada corretamente.

Distribuição de reagente	Ação recomendada
Resposta da válvula	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Bomba	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Mecanismo de tampão	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Reagentes gastos vazios	Esvazie o receptáculo de reagentes gastos e recarregue o receptáculo vazio.

Verificações para leituras de matrizes

Verificações do sistema	Ação recomendada
Portas fechadas	Certifique-se de que as portas dos compartimentos estejam fechadas.
Materiais de consumo carregados	Os sensores de material de consumo não conseguem fazer registros. Certifique-se de que cada material de consumo esteja carregado corretamente. Nas telas de configuração de execução, selecione Back (Voltar) para retornar à etapa de carregamento e repetir a configuração da execução.
Software necessário	Componentes críticos do software estão ausentes. Realize uma atualização manual do software para restaurar todos os componentes do software.
Verifique os arquivos de entrada	Certifique-se de que o caminho para o arquivo de cluster e para o arquivo de manifesto está correto e que os arquivos estão presentes.
Espaço em disco do instrumento	O disco rígido do instrumento não tem espaço suficiente para uma execução. É possível que dados de uma execução anterior não tenham sido transferidos. Limpe os dados de execução do disco rígido do instrumento.
Conexão de rede	A conexão de rede foi interrompida. Verifique o status da rede e a conexão física da rede.
Espaço em disco de rede	A conta do BaseSpace está cheia ou o servidor de rede está cheio.

Sistema de imagem	Ação recomendada
Limites de imagem	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Z Steps-and-Settle	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Taxa de erros por bit	Entre em contato com o suporte técnico da Illumina.
Centralização automática	Descarregue o adaptador BeadChip. Verifique se o BeadChip está encaixado no adaptador e recarregue o adaptador.

O receptáculo de reagentes gastos está cheio

Sempre comece uma execução com o receptáculo de reagentes gastos vazio.

Se você iniciar uma execução sem esvaziar o receptáculo de reagentes gastos, os sensores do sistema acionarão o software para interromper a execução quando o recipiente estiver cheio. Os sensores do sistema não poderão pausar uma execução durante a clusterização, a ressíntese do tipo paired-end nem durante a limpeza automática após a execução.

Quando a execução é pausada, uma caixa de diálogo é exibida com opções para elevar o aspirador de líquidos e esvaziar o receptáculo cheio.

Esvaziar o receptáculo de reagentes gastos

- 1 Selecione **Raise Sippers** (Elevar aspiradores).
- 2 Remova o receptáculo de reagentes gastos e descarte o conteúdo de forma adequada.
- 3 Recoloque o receptáculo vazio no compartimento de tampão.
- 4 Selecione **Continue** (Continuar). A execução continuará automaticamente.

Fluxo de trabalho de nova hibridização

Talvez seja necessário fazer uma nova hibridização se as medidas geradas durante os primeiros ciclos mostrarem intensidades abaixo de 2500. Algumas bibliotecas com diversidade baixa podem mostrar intensidades abaixo de 1000, que é prevista e não pode ser resolvida com nova hibridização.



OBSERVAÇÃO

O comando End Run (Encerrar execução) é uma ação definitiva. A execução não pode ser retomada, os materiais de consumo da execução não podem ser reutilizados e os dados de sequenciamento da execução não são salvos.

Quando você encerra uma execução, o software realiza as seguintes etapas antes do fim da execução:

- ▶ Coloca a lâmina de fluxo em um estado seguro.
- ▶ Desbloqueia o RFID da lâmina de fluxo para uma execução posterior.
- ▶ Atribui uma data de expiração de nova hibridização à lâmina de fluxo.
- ▶ Grava os registros de execução dos ciclos concluídos. Um atraso é normal.
- ▶ Ignora a limpeza automática após a execução.

Quando você inicia uma execução de nova hibridização, o software realiza as seguintes etapas para realizar a execução:

- ▶ Cria uma pasta de execução com base no nome exclusivo de uma execução.
- ▶ Verifica se a data de expiração da nova hibridização da lâmina de fluxo foi atingida.
- ▶ Prepara os reagentes. Um atraso é normal.
- ▶ Pula a etapa de clusterização.
- ▶ Remove o primer da Leitura 1 anterior.
- ▶ Realiza hibridização em um novo primer da Leitura 1.
- ▶ Continua a Leitura 1 e o restante da execução com base em parâmetros de execução especificados.

Pontos onde é possível encerrar uma execução de nova hibridização

Uma nova hibridização posterior só será possível se a execução for encerrada nos pontos a seguir:

- ▶ **Após o ciclo 5** — As intensidades são exibidas após o registro do modelo, o que requer os primeiros cinco ciclos do sequenciamento. Embora seja seguro encerrar uma execução depois do ciclo 1, é recomendado encerrá-la após o ciclo 5. Não encerre uma execução durante a clusterização.
- ▶ **Leitura 1 ou leitura do índice 1** — Encerre a execução **antes** que a ressíntese do tipo paired-end seja iniciada. A lâmina de fluxo não pode ser guardada para uma nova hibridização posterior após o início da ressíntese do tipo paired-end.

Materiais de consumo necessários

Uma execução de nova hibridização requer um cartucho de reagente e um cartucho de tampão do NextSeq novos, independentemente de em que momento a execução foi interrompida.

Encerrar a execução atual

- 1 Selecione **End Run** (Encerrar execução). Quando for solicitado que você confirme o comando, selecione **Yes** (Sim).
- 2 Quando for solicitado que você salve a lâmina de fluxo, selecione **Yes** (Sim). Salvar a lâmina de fluxo não garante que seja possível salvar a execução atual. Observe a data de expiração para nova hibridização.
- 3 Remova a lâmina de fluxo guardada e reserve-a em uma temperatura entre 2 °C e 8 °C até que você possa configurar a execução de nova hibridização.



OBSERVAÇÃO

É possível armazenar a lâmina de fluxo por até sete dias a uma temperatura entre 2 °C e 8 °C no estojo plástico transparente **sem** o pacote dessecante. Para obter os melhores resultados, realize a nova hibridização da lâmina de fluxo guardada em até três dias.

Realizar uma limpeza manual

- 1 Na tela Home (Início), selecione **Perform Wash** (Realizar limpeza).
- 2 Na tela Wash Selection (Seleção de limpeza), selecione **Manual Post-Run Wash** (Limpeza manual após a execução). Consulte [Realizar uma limpeza manual na página 36](#).



OBSERVAÇÃO

Se você não tiver removido o cartucho de reagente e o cartucho de tampão da execução interrompida, pode usá-los na limpeza manual. Caso contrário, faça a limpeza manual com o cartucho de limpeza de reagente e com o cartucho de limpeza de tampão.

Configurar uma execução no instrumento

- 1 Prepare um novo cartucho de reagente.
- 2 Se a lâmina de fluxo guardada foi armazenada, deixe que ela atinja a temperatura ambiente (em torno de 15 a 30 minutos).
- 3 Limpe e carregue a lâmina de fluxo guardada.
- 4 Remova o receptáculo de reagentes gastos, descarte o conteúdo de forma adequada e recarregue o receptáculo vazio.
- 5 Na tela Run Setup (Configuração da execução), selecione um dos modos de execução a seguir.
 - ▶ Local Run Manager
 - ▶ Manual

- 6 **[Opcional]** Selecione **Use BaseSpace Sequence Hub Setting** (Usar configuração do BaseSpace Sequence Hub) e selecione uma das opções a seguir.
 - ▶ Run Monitoring and Storage (Monitoramento e armazenamento de execuções)
 - ▶ Run Monitoring Only (Apenas monitoramento de execuções)
 Digite seu nome de usuário e senha do BaseSpace Sequence Hub.
- 7 Carregue o novo cartucho de tampão e o novo cartucho de reagente.
- 8 Selecione **Next** (Avançar) para avançar para a verificação antes da execução e iniciar a execução.

Erros do BeadChip e da leitura

O software não consegue ler o código de barras do BeadChip

Quando a caixa de diálogo de erro de código de barras for exibida, selecione dentre as seguintes opções:

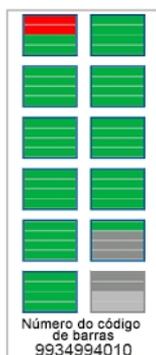
- ▶ Selecione **Rescan** (Ler novamente). O software tenta ler o código de barras novamente.
- ▶ Selecione o campo de texto e insira o código de barras numérico como mostrado na imagem. Dependendo do BeadChip, os números do código de barras podem ter até 12 algarismos. Selecione **Save** (Salvar). A imagem do código de barras é armazenada na pasta de saída.
- ▶ Selecione **Cancel** (Cancelar). A porta do compartimento de imagem se abre para descarregar o adaptador BeadChip.

Falha de leitura do BeadChip

As imagens são registradas depois de serem lidas. O registro identifica beads correlacionando locais na imagem lida com informações fornecidas no mapa do bead ou na pasta DMAP.

As seções com falha de registro são indicadas em vermelho na imagem do BeadChip.

Figura 28 BeadChip mostrando seções com falha



Quando a leitura é concluída e os dados de leitura são gravados na pasta de saída, o botão Rescan (Ler novamente) torna-se ativo.

Quando Rescan (Ler novamente) é selecionado, o software realiza as seguintes etapas:

- ▶ Lê novamente amostras que contêm seções com falha usando uma sobreposição aumentada de bloco a bloco.
- ▶ Gera arquivos de saída na pasta de saída original.
- ▶ Sobrescreve os arquivos de saída anteriores das seções com falha.

- ▶ Adiciona o valor 1 ao contador de leituras para cada nova leitura, mas faz isso em segundo plano. O software não renomeia a pasta de saída.

Ler novamente ou iniciar nova leitura

- 1 Selecione **Rescan** (Ler novamente) para examinar amostras contendo seções que falharam.
- 2 Se a leitura continuar a falhar, encerre a leitura.
- 3 Remova o BeadChip e o adaptador e verifique se há poeira ou resíduos no BeadChip. Use ar comprimido ou outro método de varredura comprimida para limpar os resíduos.
- 4 Carregue o BeadChip novamente e inicie uma nova leitura.
Quando uma nova leitura é iniciada, o software realiza as seguintes etapas:
 - ▶ Lê todo o BeadChip.
 - ▶ Gera arquivos de saída em uma nova pasta de saída.
 - ▶ Adiciona o valor 1 ao contador de leituras com base na contagem de leituras da última nova leitura.

Substituir arquivos de manifesto e de cluster

- 1 Acesse a página de suporte da Illumina (support.illumina.com) do BeadChip que você está usando e clique na guia **Downloads**.
- 2 Faça download dos arquivos a substituir ou atualizar e copie-os para o local de rede desejado.



OBSERVAÇÃO

Certifique-se de selecionar os arquivos de manifesto e de cluster que sejam compatíveis com o sistema NextSeq 550. Os arquivos compatíveis incluem **NS550** no nome do arquivo.

- 3 Somente se o local tiver sido alterado, atualize o local na tela BeadChip Scan Configuration (Configuração da leitura do BeadChip) da seguinte maneira:
 - a Na tela Home (Início) do NCS, selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
 - b Selecione **System Configuration** (Configuração do sistema).
 - c Selecione **BeadChip Scan Configuration** (Configuração da leitura do BeadChip).
- 4 Selecione **Browse** (Procurar) e navegue até o local dos arquivos substituídos ou atualizados.

Receitas personalizadas e pastas de receitas

Não modifique as receitas originais. Sempre faça uma cópia da receita original com um novo nome. Se uma receita original for modificada, o atualizador de software não mais conseguirá reconhecer a receita para atualizações posteriores, e versões mais recentes não serão instaladas.

Armazene receitas personalizadas na pasta de receitas adequada. As pastas de receitas são organizadas da seguinte forma.

Personalizadas

 **Altas** — Receitas personalizadas usadas com um kit de alta produção.

 **Médias** — Receitas personalizadas usadas com um kit de média produção.

 **Altas** — Receitas originais usadas com um kit de alta produção.

 **Médias** — Receitas originais usadas com um kit de média produção.

 **Limpeza** — Contém a receita da limpeza manual.

Verificação do sistema

Não é necessário realizar uma verificação do sistema para a operação normal ou a manutenção do instrumento. No entanto, um representante do suporte técnico da Illumina pode pedir que você realize uma verificação do sistema para fins de solução de problemas.

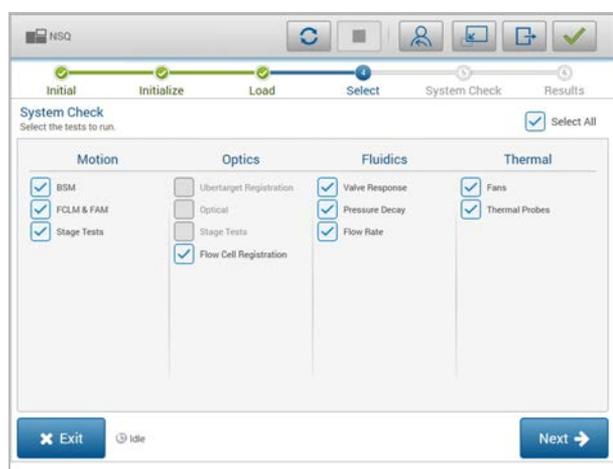


OBSERVAÇÃO

Se estiver no prazo de realização de uma limpeza do instrumento, realize-a antes de iniciar uma verificação do sistema.

Iniciar uma verificação do sistema encerra automaticamente o software de controle e inicializa o NextSeq Service Software (NSS). O software do serviço é iniciado e aberto na tela de carregamento, que é configurada para usar a opção de carregamento avançado.

Figura 29 Verificações do sistema disponíveis



Caixas de seleção inativas na tela Select (Selecionar) indicam testes que exigem a ajuda de um representante de campo da Illumina.

Executar uma verificação do sistema

- 1 Na tela Manage Instrument (Gerenciar instrumento), selecione **System Check** (Verificação do sistema). Quando for solicitado que você feche o software de controle, selecione **Yes** (Sim).
- 2 Carregue os materiais de consumo da seguinte forma:
 - a Se não houver uma lâmina de fluxo usada no instrumento, carregue uma lâmina de fluxo usada.



OBSERVAÇÃO

A Illumina recomenda o uso de uma lâmina de fluxo de alta saída para fins de verificação do sistema.

- b Esvazie o receptáculo de reagentes gastos e recoloque-o no instrumento.
- c Carregue o cartucho de limpeza de tampão contendo 120 ml de água aprovada para uso em laboratório no reservatório central.
- d Carregue o cartucho de limpeza de reagente. Certifique-se de que o cartucho de limpeza de reagente esteja vazio e limpo.

- 3 Selecione **Load** (Carregar). O software move a lâmina de fluxo e o cartucho de limpeza de reagente para a posição. Selecione **Next** (Avançar).
- 4 Selecione **Next** (Avançar). A verificação do sistema começa.
- 5 **[Opcional]** Quando a verificação do sistema for concluída, selecione **View** (Visualizar) ao lado do nome da verificação para visualizar os valores associados a cada verificação.
- 6 Selecione **Next** (Avançar). O relatório de verificação do sistema é aberto.
- 7 Selecione **Save** (Salvar) para salvar o relatório em um arquivo compactado. Navegue até um local de rede para salvar o arquivo.
- 8 Quando terminar, selecione **Exit** (Sair).
- 9 Quando for solicitado que você feche o software de serviço e reinicialize o software de controle, selecione **Yes** (Sim). O software de controle reinicia automaticamente.

Verificações de movimento

Verificação do sistema	Descrição
BSM	Verifica o ganho e a distância do mecanismo de canudo do frasco (BSM, Bottle Straw Mechanism) para confirmar se o módulo está funcionando adequadamente.
FCLM e FAM	Verifica o ganho e a distância do mecanismo de carregamento da lâmina de fluxo (FCLM, Flow Cell Load Mechanism) e do módulo de automação fluidica (FAM, Fluid Automation Module) para confirmar se os módulos estão funcionando adequadamente.
Testes de plataforma	Verifica os limites de percurso e desempenho das plataformas XY e 6 Z, uma para cada câmera.

Verificação óptica

Verificação do sistema	Descrição
Registro da lâmina de fluxo	Mede a inclinação da lâmina de fluxo em um plano óptico, testa a funcionalidade da câmera, testa o módulo de imagem e verifica o registro da lâmina de fluxo na posição de imagem correta.

Verificações fluidicas

Verificação do sistema	Descrição
Resposta da válvula	Verifica a precisão dos movimentos de válvulas e bombas e testa o intervalo de movimento da seringa da bomba.
Queda de pressão	Verifica a taxa de vazamento de um sistema de fluxo lacrado, o que confirma se a lâmina de fluxo está devidamente montada na posição de sequenciamento.
Taxa de fluxo	Verifica a funcionalidade dos sensores de bolha, utilizados para detectar a presença de ar nas linhas de reagentes. Mede as taxas de fluxo para verificar se há obstruções ou vazamentos.

Verificações térmicas

Verificação do sistema	Descrição
Ventiladores	Verifica a velocidade dos ventiladores do sistema em pulsos por minuto (PPM) para confirmar se estão funcionando. Quando os ventiladores não estão funcionando, eles retornam um valor negativo.
Sondas térmicas	Verifica a temperatura média de cada sensor térmico. Quando os sensores térmicos não estão funcionando, eles retornam um valor negativo.

Mensagem de erro RAID

O computador do NextSeq é equipado com dois discos rígidos. Se um disco rígido começar a falhar, o sistema gerará uma mensagem de erro RAID e sugerirá que você entre em contato com o suporte técnico da Illumina. Normalmente, uma substituição de disco rígido é necessária.

Você pode prosseguir com as etapas de configuração da execução e com a operação normal. A finalidade da mensagem é agendar serviço com antecedência para evitar interrupções na operação normal do instrumento. Para continuar, selecione **Acknowledge** (Confirmar) e, em seguida, **Close** (Fechar).

Erro de armazenamento da rede

Os erros de armazenamento da rede resultam de um dos seguintes motivos:

- ▶ **Espaço de armazenamento insuficiente para a pasta de saída** — Aumente a quantidade de espaço no dispositivo de armazenamento ou mova a pasta de saída para um local com armazenamento suficiente.
- ▶ **Não é possível conectar-se ao armazenamento da rede** — Verifique o caminho para a pasta de saída. Consulte *Definir local da pasta de saída na página 56*.
- ▶ **O sistema não pode gravar no armazenamento da rede** — Consulte o administrador de TI para verificar as permissões. A conta do Windows no sistema operacional do instrumento requer permissão para ler e gravar na pasta de saída.

A conta do Windows no Local Run Manager também requer permissão para ler e gravar na pasta de saída. Consulte Especificar as configurações da conta de serviço no *Guia do software Local Run Manager (n.º do documento 1000000002702)*.

Definir as configurações do sistema

O sistema é configurado durante a instalação. No entanto, se uma alteração é necessária ou se o sistema tem de ser reconfigurado, utilize as opções de configuração do sistema.

- ▶ **Network Configuration** (Configuração de rede) — Fornece opções de configuração de endereço IP, endereço de Domain Name Server (DNS), nome do computador e nome do domínio.
- ▶ **BaseSpace Sequence Hub** — Se o BaseSpace Sequence Hub estiver em uso, ele fornecerá opções de local para onde os dados serão transferidos para armazenamento e análise.
- ▶ **Output Folder Location** (Localização da pasta de saída) — Fornece opções de caminho para a pasta de saída.
- ▶ **BeadChip Scan Configuration** (Configuração da leitura do BeadChip) — Oferece opções para especificar o seguinte.
 - ▶ Local da pasta DMAP padrão

- ▶ Local da pasta de saída
- ▶ Formato do arquivo das imagens salvas
- ▶ Tipo de arquivo de saída

Definir configuração de rede

- 1 Na tela Manage Instrument (Gerenciar instrumento), selecione **System Configuration** (Configuração do sistema).
- 2 Selecione **Network Configuration** (Configuração de rede).
- 3 Selecione **Obtain an IP address automatically** (Obter um endereço IP automaticamente) para obter o endereço IP usando o servidor DHCP.



OBSERVAÇÃO

O Dynamic Host Configuration Protocol (DHCP) é um protocolo de rede padrão usado em redes IP para distribuir dinamicamente os parâmetros de configuração de rede.

Também é possível selecionar **Use the following IP address** (Usar o seguinte endereço IP) para conectar o instrumento a outro servidor manualmente da maneira a seguir. Entre em contato com o administrador da rede para obter os endereços específicos da sua instalação.

- ▶ Insira o endereço IP. O endereço IP é composto por quatro séries de números separadas por pontos. Por exemplo, 168.62.20.37.
 - ▶ Insira a máscara de sub-rede, que é uma subdivisão da rede IP.
 - ▶ Insira o gateway padrão, que é o roteador da rede que se conecta à internet.
- 4 Selecione **Obtain a DNS server address automatically** (Obter um endereço de servidor DNS automaticamente) para conectar o instrumento ao servidor de nome de domínio associado ao endereço IP.
Também é possível selecionar **Use the following DNS server addresses** (Usar os seguintes endereços de servidor DNS) para conectar o instrumento ao servidor de nome de domínio manualmente, da seguinte maneira.
 - ▶ Insira o endereço DNS desejado. O endereço DNS é o nome do servidor usado para traduzir nomes de domínio para endereços IP.
 - ▶ Insira o endereço DNS alternativo. O servidor alternativo será usado se o DNS preferencial não conseguir traduzir um nome de domínio específico para um endereço IP.
 - 5 Selecione **Save** (Salvar) para avançar para a tela Computer (Computador).



OBSERVAÇÃO

O nome do computador do instrumento é atribuído ao computador do instrumento no momento da fabricação. Quaisquer alterações ao nome do computador podem afetar a conectividade e exigir a ajuda de um administrador de rede.

- 6 Conecte o computador do instrumento a um domínio ou a um grupo de trabalho da seguinte forma.
 - ▶ **Para instrumentos conectados à internet** — Selecione **Member of domain** (Membro de domínio) e insira o nome do domínio associado à conexão de internet de sua instalação. Alterações de domínio exigem um nome de usuário e senha de administrador.
 - ▶ **Para instrumentos não conectados à internet** — Selecione **Member of work group** (Membro de grupo de trabalho) e insira um nome de grupo de trabalho. O nome do grupo de trabalho é exclusivo da sua instalação.
- 7 Selecione **Save** (Salvar).

Definir a configuração do BaseSpace Sequence Hub

- 1 Na tela Home (Página inicial), selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **System Configuration** (Configuração do sistema).
- 3 Selecione **BaseSpace Sequence Hub Configuration** (Configuração do BaseSpace Sequence Hub).
- 4 Selecione uma das seguintes opções para especificar um local para onde os dados serão transferidos para análise.
 - ▶ Na lista Hosting Location (Local de hospedagem), selecione o local do servidor para o qual os dados são enviados.
 - ▶ Se você tiver uma assinatura do Enterprise, marque a caixa de seleção **Private Domain** (Domínio privado) e digite o nome do domínio (URL) usado para fazer logon único no BaseSpace Sequence Hub.
Por exemplo: <https://seulaboratório.basespace.illumina.com>.
- 5 Selecione **Save** (Salvar).

Definir local da pasta de saída

O NextSeq requer uma pasta de saída para todas as execuções. Use o caminho de Convenção de nomenclatura universal (UNC) completo para a pasta de saída. O caminho UNC contém duas barras invertidas, o nome do servidor e o diretório, mas *não* uma letra para uma unidade de rede mapeada.

- ▶ Os caminhos para a pasta de saída que possuem um nível exigem uma barra invertida à direita.
 - ▶ Exemplo de caminho UNC: \\servername\directory1\
- ▶ Os caminhos para a pasta de saída que possuem dois ou mais níveis não exigem uma barra invertida à direita.
 - ▶ Exemplo de caminho UNC: \\servername\directory1\directory2
- ▶ Os caminhos para uma unidade de rede mapeada causam erros. **Não use.**
 - ▶ Exemplo de um caminho de unidade de rede mapeada: T:\sbsfiles

Para o modo de execução do Local Run Manager, defina o local da pasta de saída no software Local Run Manager. Para obter mais informações, consulte o *Guia do software Local Run Manager (documento n.º 100000002702)*.

Configuração da leitura do BeadChip

- 1 Na tela Manage Instrument (Gerenciar instrumento), selecione **System Configuration** (Configuração do sistema).
- 2 Selecione **BeadChip Scan Configuration** (Configuração da leitura do BeadChip).
- 3 Para especificar o local de uma pasta DMAP padrão, selecione **Browse** (Procurar) e navegue até o local da pasta desejada na rede de sua instalação.



OBSERVAÇÃO

Antes de cada leitura, faça download do conteúdo DMAP e copie-o para esse local. O conteúdo DMAP é necessário para cada BeadChip e é exclusivo para cada código de barras de BeadChip.

- 4 Para especificar um local de saída padrão, selecione **Browse** (Procurar) e navegue até o local desejado na rede de sua instalação.
- 5 Selecione um formato de arquivo de imagem para as imagens salvas. O tipo de imagem padrão é **JPG**.

- 6 Selecione um formato de arquivo de saída para os dados da leitura. O tipo de arquivo de saída padrão é **somente GTC**.
- 7 Selecione **Save** (Salvar).
- 8 Na tela Scan Map (Mapa de leitura), especifique o caminho completo do arquivo de manifesto e do arquivo de cluster para cada tipo de BeadChip. Selecione **Browse** (Procurar) para cada tipo de arquivo e navegue até o local da pasta que contém esses arquivos.

Apêndice B Real-Time Analysis

Visão geral do Real-Time Analysis (RTA)	58
Fluxo de trabalho do Real-Time Analysis	59

Visão geral do Real-Time Analysis (RTA)

O NextSeq 550 utiliza uma implementação do software Real-Time Analysis (RTA) chamada RTA 2. O RTA 2 é executado no computador do instrumento e extrai intensidades de imagens, realiza identificação de bases e atribui uma pontuação de qualidade à identificação de bases. O RTA2 e o software de controle se comunicam por meio de uma interface HTTP da Web e de arquivos de memória compartilhada. Se o RTA2 for encerrado, o processamento não será retomado, e os dados da execução não serão salvos.



OBSERVAÇÃO

O desempenho de demultiplexação não é calculado. Portanto, a guia Index (Índice) do Sequencing Analysis Viewer (SAV) não é preenchida.

Entradas do RTA2

O RTA2 requer a seguinte entrada para o processamento:

- ▶ As imagens de blocos contidas na memória do sistema local.
- ▶ **RunInfo.xml**, que é gerado automaticamente no início da execução. O arquivo fornece as seguintes informações.
 - ▶ Nome da execução
 - ▶ Número de ciclos
 - ▶ Se uma leitura é indexada
 - ▶ Número de blocos na lâmina de fluxo
- ▶ **RTA.exe.config**, que é um arquivo de configuração de software em formato XML.

O RTA2 recebe comandos do software de controle sobre a localização do arquivo **RunInfo.xml** e se foi especificada uma pasta de saída opcional.

Arquivos de saída do RTA v2

As imagens de cada canal são passadas na memória como blocos. Os blocos são pequenas áreas de imagem na lâmina de fluxo definidas como o campo de visão pela câmera. A partir dessas imagens, o software produz a saída como um conjunto de arquivos de identificação de bases com pontuações de qualidade e arquivos de filtro. Todos os outros arquivos são arquivos de saída de apoio.

Tipo de arquivo	Descrição
Arquivos de identificação de bases	Cada bloco analisado é incluído em um arquivo de identificação de bases agregado (*.bcl) para cada cavidade e para cada ciclo. O arquivo de identificação de bases agregado contém a identificação de bases e a pontuação de qualidade associada para cada cluster na cavidade.
Arquivos de filtro	Cada bloco produz informações de filtro que são agregadas em um arquivo de filtro (*.filter) para cada cavidade. O arquivo de filtro especifica se um cluster passa pelos filtros.
Arquivos de localização de cluster	Os arquivos de localização de cluster (*.locs) contêm as coordenadas X e Y para cada cluster em um bloco. Um arquivo de localização de cluster é gerado para cada cavidade durante a geração de um modelo.
Arquivos de índice de identificação de bases	Um arquivo de índice de identificação de bases (*.bci) é produzido para cada cavidade para preservar as informações originais do bloco. O arquivo de índice contém um par de valores para cada bloco: o número do bloco e o número de clusters do bloco.

Os arquivos de saída são usados para análise posterior no BaseSpace. Você também pode usar o software de conversão bcl2fastq para a conversão de FASTQ e de soluções de análise de terceiros. Os arquivos do NextSeq exigem o bcl2fastq v2.0 ou versões posteriores. Para obter a versão mais recente do bcl2fastq, visite a [página de downloads do NextSeq](#) no site da Illumina.

O RTA v2 fornece medidas de qualidade de execução em tempo real armazenadas como arquivos InterOp. Arquivos InterOp são uma saída binária contendo medidas de bloco, ciclo e nível de leitura e são necessários para visualizar medidas em tempo real usando o Sequencing Analysis Viewer (SAV). Para obter a versão mais recente do SAV, visite a [página de downloads do SAV](#) no site da Illumina.

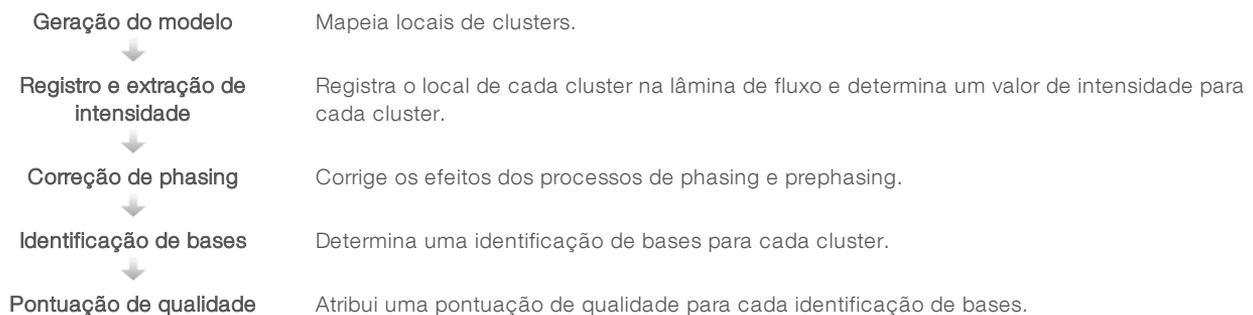
Tratamento de erros

O RTA 2 cria arquivos de registro e os grava na pasta RTALogs (Registros de RTA). Os erros são registrados em um arquivo de erros no formato *.tsv.

Os arquivos de registro e de erros a seguir são transferidos para o destino de saída final no final do processamento:

- ▶ *GlobalLog*.tsv, resume eventos importantes da execução.
- ▶ *LaneNLog*.tsv, lista os eventos de processamento para cada cavidade.
- ▶ *Error*.tsv, lista os erros que ocorreram durante uma execução.
- ▶ *WarningLog*.tsv lista as advertências que ocorreram durante uma execução.

Fluxo de trabalho do Real-Time Analysis



Geração do modelo

A primeira etapa do fluxo de trabalho do RTA é a geração do modelo, que define a posição de cada cluster em um bloco usando as coordenadas X e Y.

A geração do modelo exige dados de imagem dos primeiros cinco ciclos da execução. Após a captura da imagem do último ciclo do modelo de um bloco, o modelo é gerado.



OBSERVAÇÃO

Para detectar um cluster durante a geração do modelo, deve haver pelo menos uma base diferente de G nos primeiros **cinco** ciclos. Para quaisquer sequências de índice, o RTA v2 exige pelo menos uma base diferente de G nos primeiros **dois** ciclos.

O modelo é usado como uma referência para a etapa posterior de registro e extração de intensidade. As posições de cluster para toda a lâmina de fluxo são gravadas nos arquivos de local de cluster (*.locs), um arquivo para cada cavidade.

Registro e extração de intensidade

O registro e a extração de intensidade começam após a geração do modelo.

- ▶ O registro alinha as imagens produzidas ao longo de cada ciclo subsequente de imagem em relação ao modelo.
- ▶ A extração de intensidade determina um valor de intensidade de cada cluster no modelo para uma dada imagem.

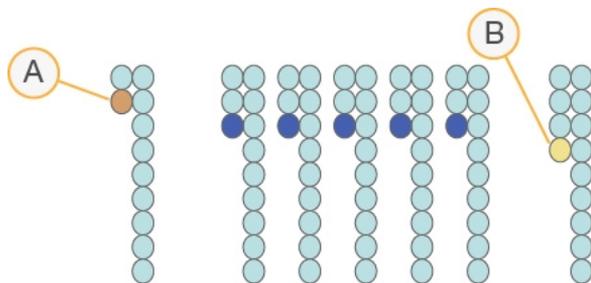
Se o registro falhar para qualquer imagem em um ciclo, identificações de bases não serão geradas para o bloco no ciclo. Use o software Sequencing Analysis Viewer (SAV) para examinar as imagens em miniatura e identificar as imagens que tiveram falha no registro.

Correção de phasing

Durante a reação de sequenciamento, cada fita de DNA em um cluster se estende por uma base por ciclo. Os processos de phasing e prephasing ocorrem quando uma fita fica fora de fase com o ciclo de incorporação atual.

- ▶ O phasing ocorre quando uma base fica para trás.
- ▶ O prephasing ocorre quando uma base fica adiantada.

Figura 30 Phasing e prephasing



- A Leitura com uma base em phasing
- B Leitura com uma base em prephasing

O RTA2 corrige os efeitos do phasing e do prephasing, o que maximiza a qualidade dos dados em cada ciclo ao longo da execução.

Identificação de bases

A identificação de bases determina uma base (A, C, G ou T) para cada cluster de um determinado bloco em um ciclo específico. O NextSeq 550 utiliza o sequenciamento de dois canais, o que requer apenas duas imagens para codificar os dados de quatro bases de DNA, uma imagem do canal vermelho e outra do canal verde.

Intensidades extraídas a partir de uma imagem comparada com outra imagem resultam em quatro populações distintas, cada uma correspondendo a um nucleotídeo. O processo de identificação de bases determina a que população cada cluster pertence.

Figura 31 Visualização de intensidades de clusters

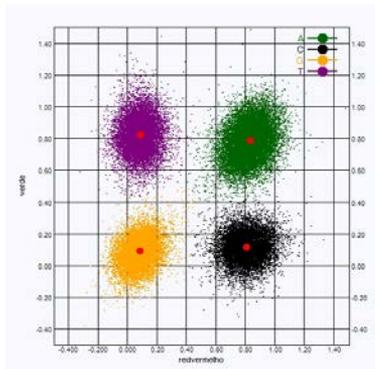


Tabela 1 Identificações de bases em sequenciamento de dois canais

Base	Canal vermelho	Canal verde	Resultado
A	1 (ligado)	1 (ligado)	Clusters que mostram intensidade nos canais vermelho e verde.
C	1 (ligado)	0 (desligado)	Clusters que mostram intensidade apenas no canal vermelho.
G	0 (desligado)	0 (desligado)	Clusters que não mostram nenhuma intensidade em locais de cluster conhecidos.
T	0 (desligado)	1 (ligado)	Clusters que mostram intensidade apenas no canal verde.

Filtro de passagem de clusters

Durante a execução, o RTA2 filtra os dados brutos para remover leituras que não estão de acordo com o limite de qualidade dos dados. Clusters de sobreposição e de baixa qualidade são removidos.

Para a análise em dois canais, o RTA2 usa um sistema de base populacional para determinar a pureza de uma identificação de bases. O filtro de passagem (PF, passing filter) de clusters tem pureza < 0,63 quando não há mais de uma identificação de bases nos primeiros 25 ciclos. Os clusters que não passam pelo filtro não passam pelo processo de identificação de bases.

Considerações de indexação

O processo para leituras de índice de identificação de bases difere da identificação de bases durante outras leituras.

As leituras de índice devem começar com pelo menos uma base diferente de G em qualquer um dos primeiros dois ciclos. Se uma leitura de índice inicia com duas identificações de bases de G, nenhuma intensidade de sinal é gerada. O sinal deve estar presente em um dos dois primeiros ciclos para garantir o desempenho da demultiplexação.

Para aumentar a robustez da demultiplexação, selecione sequências de índices que fornecem sinal em pelo menos um canal, de preferência em ambos os canais, para cada ciclo. Ao seguir essa orientação, evita-se que combinações de índice resultem em apenas bases G em qualquer ciclo.

- ▶ Canal vermelho — A ou C
- ▶ Canal verde — A ou T

Esse processo de identificação de bases garante a precisão na análise de amostras de baixo plex.

Pontuação de qualidade

Uma pontuação de qualidade, ou Q-score, é uma previsão da probabilidade de uma identificação de bases incorreta. Um Q-score mais alto indica que uma identificação de bases tem mais qualidade e probabilidade de estar correta.

O Q-score é uma maneira compacta de comunicar baixas probabilidades de erro. Q(X) representa pontuações de qualidade, em que X é a pontuação. A tabela a seguir mostra a relação entre a pontuação de qualidade e a probabilidade de erro.

Q-Score Q(X)	Probabilidade de erro
Q40	0,0001 (1 em 10.000)
Q30	0,001 (1 em 1.000)
Q20	0,01 (1 em 100)
Q10	0,1 (1 em 10)



OBSERVAÇÃO

A pontuação de qualidade se baseia em uma versão modificada do algoritmo Phred.

A pontuação de qualidade calcula um conjunto de prognosticadores para cada identificação de bases e usa esses valores para consultar o Q-score em uma tabela de qualidade. Tabelas de qualidade são criadas para fornecer previsões de qualidade com precisão ideal para execuções geradas por uma configuração específica de plataforma de sequenciamento e versão de química.

Após a determinação do Q-Score, os resultados são registrados em arquivos de identificação de bases.

Apêndice C Pastas e arquivos de saída

Arquivos de saída de sequenciamento	63
Estrutura da pasta de saída de sequenciamento	67
Leitura dos arquivos de saída	68
Estrutura da pasta de saída da leitura	68

Arquivos de saída de sequenciamento

Tipo de arquivo	Descrição, local e nome do arquivo
Arquivos de identificação de bases	<p>Cada bloco analisado é incluído em um arquivo de identificação de bases, agregado em um arquivo para cada cavidade e para cada ciclo. O arquivo agregado contém a identificação de bases e a pontuação de qualidade codificada para cada cluster da cavidade.</p> <p>Data\Intensities\BaseCalls\L00[X] — Os arquivos são armazenados em uma pasta para cada cavidade.</p> <p>[Ciclo].bcl.bgzf, em que [Ciclo] representa o número do ciclo com quatro algarismos. Os arquivos de identificação de bases são compactados com a compactação de blocos gzip.</p>
Arquivo de índice de identificação de bases	<p>Para cada cavidade, um arquivo de índice binário lista as informações originais do bloco em um par de valores para cada bloco, que são número do bloco e número de clusters para o bloco. Os arquivos de índice de identificação de bases são criados na primeira vez em que um arquivo de identificação de bases é criado para a cavidade.</p> <p>Data\Intensities\BaseCalls\L00[X] — Os arquivos são armazenados em uma pasta para cada cavidade.</p> <p>s_[Cavidade].bci</p>
Arquivos de localização de cluster	<p>Para cada bloco, as coordenadas XY para cada cluster são agregadas em um arquivo de localização de cluster para cada cavidade. Os arquivos de localização de cluster são o resultado da geração do modelo.</p> <p>Data\Intensities\L00[X] — Os arquivos são armazenados em uma pasta para cada cavidade.</p> <p>s_[cavidade].locs</p>
Arquivos de filtro	<p>O arquivo de filtro especifica se um cluster passou pelos filtros. As informações de filtro são agregadas em um arquivo de filtro para cada cavidade e leitura.</p> <p>Os arquivos de filtro são gerados no ciclo 26 usando 25 ciclos de dados.</p> <p>Data\Intensities\BaseCalls\L00[X] — Os arquivos são armazenados em uma pasta para cada cavidade.</p> <p>s_[lane].filter</p>
Arquivos InterOp	<p>Arquivos binários de relatórios utilizados para o Sequencing Analysis Viewer (SAV). Os arquivos InterOp são atualizados ao longo da execução.</p> <p>Pasta InterOp</p>
Arquivo de configuração do RTA	<p>Criado no início da execução, o arquivo de configuração do RTA lista as configurações da execução.</p> <p><Nome da pasta de execução>, RTAConfiguration.xml</p>
Arquivo de informações da execução	<p>Lista o nome da execução, o número de ciclos em cada leitura, se a leitura é uma leitura indexada e o número de feixes e blocos da lâmina de fluxo. O arquivo de informações da execução é criado no início da execução.</p> <p><Nome da pasta de execução>, RunInfo.xml</p>
Arquivos de miniaturas	<p>Para cada canal de cor (vermelho e verde) para os blocos 1, 6 e 12, uma imagem em miniatura é gerada de todas as câmeras, das superfícies superior e inferior, em cada ciclo durante o processo de obtenção de imagem.</p> <p>Thumbnail_Images\L00[X]\C[X.1] — Os arquivos são armazenados em uma pasta para cada cavidade e em uma subpasta para cada ciclo.</p> <p>s_[cavidade]_[bloco]_[canal].jpg — No nome do arquivo, o bloco é representado com um número de cinco algarismos que indica a superfície, o feixe, a câmera e o bloco. Para obter mais informações, consulte <i>Numeração dos blocos na página 65</i> e <i>Nomenclatura de imagens em miniatura na página 66</i>.</p>

Blocos da lâmina de fluxo

Os blocos são pequenas áreas de imagem na lâmina de fluxo definidas como o campo de visão pela câmera. O número total de blocos depende do número de cavidades, feixes e superfícies que têm sua imagem captada na lâmina de fluxo e de como as câmeras trabalham juntas para coletar as imagens.

- ▶ Lâminas de fluxo de alta produção têm um total de 864 blocos.
- ▶ Lâminas de fluxo de média produção têm um total de 288 blocos.

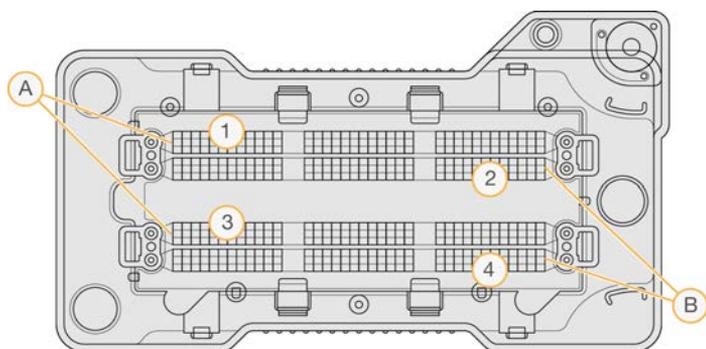
Tabela 2 Blocos da lâmina de fluxo

Componente da lâmina de fluxo	Alta produção	Média produção	Descrição
Cavidades	4	4	Uma cavidade é um canal físico com portas de entrada e de saída dedicadas.
Superfícies	2	2	A imagem da lâmina de fluxo é captada em duas superfícies, a superior e a inferior. A imagem da superfície superior de um bloco é captada, depois a imagem da superfície inferior do mesmo bloco é captada antes de avançar para o próximo bloco.
Feixes por cavidade	3	1	Um feixe é uma coluna de blocos em uma cavidade.
Segmentos de câmera	3	3	O instrumento usa seis câmeras para captar a imagem da lâmina de fluxo em três segmentos para cada cavidade.
Blocos por feixe por segmento de câmera	12	12	Um bloco é a área da lâmina de fluxo que a câmara vê como uma imagem.
Total de blocos com imagem gerada	864	288	O número total de blocos é igual a cavidades × superfícies × feixes × segmentos de câmera × blocos por feixe por segmento.

Numeração das cavidades

As cavidades 1 e 3, chamadas de par de cavidades A, têm a imagem capturada ao mesmo tempo. As cavidades 2 e 4, chamadas par de cavidades B, têm sua imagem capturada quando a imagem do par A é concluída.

Figura 32 Numeração das cavidades

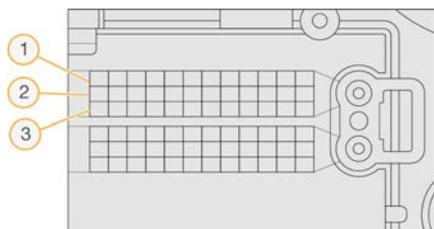


- A Par de cavidades A — Cavidades 1 e 3
- B Par de cavidades B — Cavidades 2 e 4

Numeração dos feixes

A imagem de cada cavidade é captada em três feixes. Os feixes são numerados de 1 a 3 para lâminas de fluxo de alta produção.

Figura 33 Numeração dos feixes

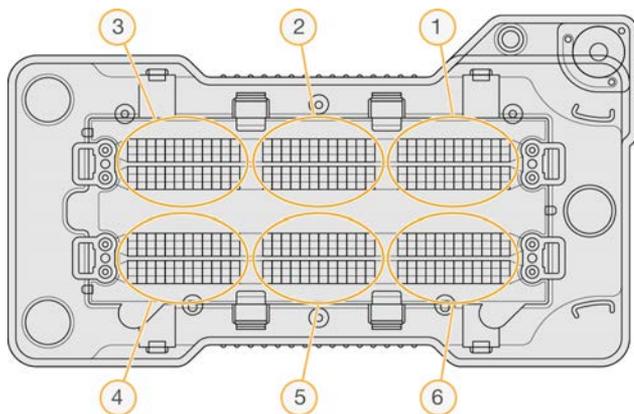


Numeração das câmeras

O NextSeq 550 usa seis câmeras para captar a imagem da lâmina de fluxo.

As câmeras são numeradas de 1 a 6. As câmeras 1 a 3 captam a imagem da cavidade um. As câmeras 4 a 6 captam a imagem da cavidade três. Após captar a imagem das cavidades 1 e 3, o módulo de imagem se move para o eixo X para captar a imagem das cavidades 2 e 4.

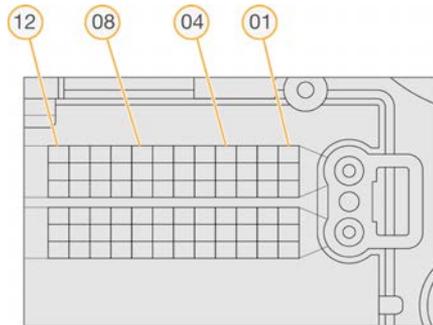
Figura 34 Numeração das câmeras e segmentos (lâmina de fluxo de alta produção exibida)



Numeração dos blocos

Há 12 blocos em cada feixe de cada segmento de câmera. Os blocos são numerados de 01 a 12, independentemente do número do feixe ou do segmento da câmera, e representados em dois dígitos.

Figura 35 Numeração dos blocos



O número completo do bloco tem cinco dígitos para representar a localização, como segue:

- ▶ **Superfície** — 1 representa a superfície superior; 2 representa a superfície inferior
- ▶ **Feixe** — 1, 2 ou 3
- ▶ **Câmera** — 1, 2, 3, 4, 5 ou 6
- ▶ **Bloco** — 01, 02, 03, 04, 05, 06, 07, 08, 09, 10, 11 ou 12

Exemplo: o número de bloco 12508 indica superfície superior, feixe 2, câmera 5 e bloco 8.

O número completo de cinco dígitos do bloco é usado no nome de arquivo de imagens em miniatura e arquivos de phasing empírico. Para obter mais informações, consulte [Arquivos de saída de sequenciamento](#) na página 63.

Nomenclatura de imagens em miniatura

Para cada canal de cor (vermelho e verde) para os blocos 1, 6 e 12, uma imagem em miniatura é gerada de todas as câmeras, das superfícies superior e inferior, em cada ciclo durante o processo de obtenção de imagem. Os arquivos de miniatura são gerados no formato de arquivo JPG.

Cada imagem é nomeada com o número do bloco conforme indicado pela convenção de nomenclatura a seguir, que sempre começa com **s_**:

- ▶ **Cavidade** — 1, 2, 3 ou 4
- ▶ **Bloco** — Um número de cinco dígitos, que indica a superfície, o feixe, a câmera e o bloco
- ▶ **Canal** — Vermelho ou verde

Exemplo: `s_3_12512_green.jpg`, que indica cavidade 3, superfície superior, feixe 2, câmera 5, bloco 12 e canal verde.

Estrutura da pasta de saída de sequenciamento

O software de controle gera o nome da pasta de saída automaticamente.

Data (Dados)

Intensities (Intensidades)

BaseCalls (Identificações de bases)

 **L001** — Arquivos de identificação de bases da cavidade 1 agregados em um arquivo por ciclo.

 **L002** — Arquivos de identificação de bases da cavidade 2 agregados em um arquivo por ciclo.

 **L003** — Arquivos de identificação de bases da cavidade 3 agregados em um arquivo por ciclo.

 **L004** — Arquivos de identificação de bases da cavidade 4 agregados em um arquivo por ciclo.

 **L001** — Um arquivo *.locs agregado da cavidade 1.

 **L002** — Um arquivo *.locs agregado da cavidade 2.

 **L003** — Um arquivo *.locs agregado da cavidade 3.

 **L004** — Um arquivo *.locs agregado da cavidade 4.

Images (Imagens)

Focus (Foco)

 **L001** — Imagens de foco da cavidade 1.

 **L002** — Imagens de foco da cavidade 2.

 **L003** — Imagens de foco da cavidade 3.

 **L004** — Imagens de foco da cavidade 4.

 **InterOp** — Arquivos binários usados pelo Sequencing Analysis Viewer (SAV).

 **Logs** (Registros) — Arquivos de registro descrevendo etapas operacionais.

 **Recipe** (Receita) — Arquivo de receita específico para a execução com o ID do cartucho de reagente.

 **RTALogs** (Registros de RTA) — Arquivos de registro descrevendo etapas de análise.

 **Thumbnail_Images** (Imagens em miniatura) — Imagens em miniatura dos blocos 1, 6 e 12 em cada feixe e em cada ciclo.

 RTAComplete.xml

 RTAConfiguration.xml

 RunInfo.xml

 RunNotes.xml

 RunParameters.xml

Leitura dos arquivos de saída

Tipo de arquivo	Descrição, local e nome do arquivo
Arquivos GTC	Arquivo de identificação de genótipo. Um arquivo GTC é gerado para cada amostra lida no BeadChip. O nome do arquivo inclui o código de barras e a amostra lida. [código de barras]_[amostra].gtc
Arquivos de imagem	Os arquivos de imagem são nomeados de acordo com a área lida no BeadChip. O nome inclui o código de barras, a amostra e a seção do BeadChip, a faixa e o canal de imagem (vermelho ou verde). [código de barras]_[amostra]_[seção]_[faixa]_[câmera]_[bloco]_[canal].jpg <ul style="list-style-type: none"> • Código de barras: o nome do arquivo começa com o código de barras do BeadChip. • Amostra: uma área do BeadChip, numerada como uma linha (R0X), de cima para baixo, e uma coluna (C0X), da esquerda para a direita. • Seção: uma linha numerada dentro de uma amostra. • Faixa: a imagem dos BeadChips é capturada como um conjunto de blocos sobrepostos. Portanto, somente uma faixa é usada para capturar a imagem da seção. • Câmera: a câmera usada para coletar a imagem. • Bloco: uma área de imagem definida como o campo de visão pela câmera. • Canal: o canal pode ser vermelho ou verde.

Estrutura da pasta de saída da leitura

-  [Data]_[Nome do instrumento]_[N.º da leitura]_[Código de barras]
 -  [Código de barras]
 -  **Config** (Configuração)
 -  Effective.cfg: registra as definições de configuração usadas durante a leitura.
 -  **Focus** (Foco): contém arquivos de imagem usados para focar a leitura.
 -  **Logs** (Registros): contém arquivos de registro que enumeram cada etapa realizada durante a leitura.
 -  **PreScanDiagnosticFiles**
 -  **[Data_Hora] Barcode Scan** (Leitura do código de barras)
 -  ProcessedBarcode.jpg: imagem do código de barras do BeadChip.
 -  Scanning Diagnostics (Diagnósticos de leitura) (arquivos de registro)
 -  PreScanChecks.csv: registra os resultados da verificação automática.
 -  Arquivos GTC — Arquivos de identificação do genótipo (um arquivo por amostra).
 -  Arquivos IDAT — [Opcional] Arquivos de dados de intensidade (dois arquivos por amostra; um para cada canal).
 -  Arquivos de imagem: imagens da leitura de cada amostra, seção, faixa, câmera, bloco e canal.
 -  [Código de barras]_sample_metrics.csv
 -  [Código de barras]_section_metrics.csv
 -  ScanParameters.xml

Apêndice D Considerações sobre o modo de pesquisa do NextSeq 550Dx

Introdução	69
Compatibilidade de materiais de consumo do NextSeq 550Dx	69
Como iniciar o instrumento NextSeq 550Dx	70
Indicadores de modo do instrumento NextSeq 550Dx	71
Opções de reinicialização e desligamento do NextSeq 550Dx	71

Introdução

As instruções deste guia, com algumas exceções, aplicam-se ao instrumento NextSeq 550Dx quando estiver no modo de pesquisa com o NCS v4.0 ou posterior. Quando estiver no modo de pesquisa com o NCS v3.0, consulte o *Guia de referência do instrumento NextSeq 550Dx no modo de pesquisa (documento n.º 1000000041922)*.

Sua fonte de instruções gerais para o software Local Run Manager depende do modo em uso no instrumento NextSeq 550Dx. Quando estiver no modo de pesquisa, consulte o *Guia do software Local Run Manager (documento n.º 1000000002702)*. Quando estiver no modo de diagnóstico, consulte as instruções do software Local Run Manager no *Guia de referência do instrumento NextSeq 550Dx (documento n.º 1000000009513)*. O software Local Run Manager não está disponível para o NCS v3.0.

As diferenças entre o NextSeq 550Dx no modo de pesquisa e o NextSeq 550 abrangem o seguinte.

- ▶ Compatibilidade de materiais de consumo.
- ▶ Iniciar o instrumento.
- ▶ Reinicialização e desligamento do instrumento.

Compatibilidade de materiais de consumo do NextSeq 550Dx

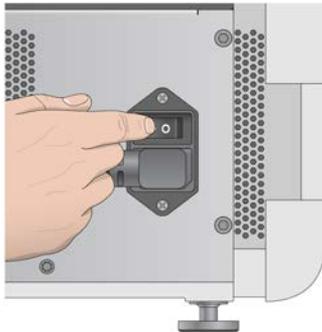
A realização de uma execução de sequenciamento no NextSeq 550Dx exige um kit NextSeq 550/550 de uso único ou um kit de reagentes NextSeq 550Dx de alta produção.

Se você usar um kit de reagentes NextSeq 550Dx de alta produção para uma execução no modo de pesquisa, todos os componentes devem ser do mesmo lote do kit. Um kit NextSeq 550/550 não pode ser usado para uma execução no modo de diagnóstico.

Como iniciar o instrumento NextSeq 550Dx

Ligue o interruptor de alimentação de alternância na posição I (ligado).

Figura 36 Interruptor localizado na parte traseira do instrumento



- 1 Pressione o botão de energia acima do compartimento do reagente. O botão de energia liga a energia do instrumento e inicia o computador e software integrado do instrumento. Por padrão, o instrumento inicia no modo de diagnóstico.

Figura 37 Botão de energia localizado na parte dianteira do instrumento



- 2 Espere até que o sistema operacional termine de carregar. O NextSeq 550Dx Operating Software (NOS) é ativado e inicializa o sistema automaticamente. Quando a etapa de inicialização estiver concluída, a tela Home (Página inicial) será aberta.
- 3 Informe seu nome de usuário e senha do Local Run Manager. Para obter informações sobre as senhas do Local Run Manager, consulte o *Guia de referência do instrumento NextSeq 550Dx (documento n.º 1000000009513)*.
- 4 Selecione **Login**. É aberta a tela Home (Página inicial) com os ícones de sequenciamento, Local Run Manager, gerenciamento do instrumento e realizar limpeza.
- 5 Use o comando Reboot to RUO (Reiniciar em URP) no NOS para desligar o instrumento com segurança e reiniciar no modo de pesquisa.
 - ▶ Selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
 - ▶ Selecione **Reboot / Shutdown** (Reiniciar/Desligar).
 - ▶ Selecione **Reboot to RUO** (Reiniciar em URP).

- 6 Espere até que o sistema operacional termine de carregar.
O NCS é ativado e inicializa o sistema automaticamente. Quando a etapa de inicialização estiver concluída, a tela Home (Página inicial) será aberta.
- 7 Se o seu sistema foi configurado para exigir credenciais de login, faça login no Windows com o nome de usuário e senha de seu local.



OBSERVAÇÃO

Se você não tem certeza sobre o modo em que está o instrumento, consulte *Indicadores de modo do instrumento NextSeq 550Dx*.

Indicadores de modo do instrumento NextSeq 550Dx

A tabela a seguir relaciona os indicadores de modo do instrumento na tela do NCS ou do NOS. Para obter informações sobre a troca do modo de pesquisa para o modo de diagnóstico, consulte *Opções de reinicialização e desligamento do NextSeq 550Dx* na página 71.

Modo	Tela Home (Página inicial)	Barra de cores	Orientação do ícone de status
Modo de diagnóstico	Bem-vindo ao NextSeqDx	Azul	Horizontal
Modo de pesquisa	Bem-vindo ao NextSeq	Laranja	Vertical

Opções de reinicialização e desligamento do NextSeq 550Dx

Acesse os seguintes recursos no NextSeq 550Dx quando estiver no modo de pesquisa selecionando o botão Shutdown Options (Opções de desligamento):

- ▶ Reboot to Dx (Reiniciar em Dx) — O instrumento abre no modo de diagnóstico.
- ▶ Reboot to RUO (Reiniciar em URP) — O instrumento abre no modo de pesquisa.
- ▶ Shutdown (Desligar) — O instrumento abre no modo de diagnóstico.
- ▶ Exit to Windows (Sair para o Windows) — Dependendo das permissões, você pode fechar o NCS e exibir o Windows.



OBSERVAÇÃO

Se você usar o NextSeq 550Dx no modo de pesquisa, ao retornar para o modo de diagnóstico será avisado a realizar uma limpeza após a execução.

Reiniciar no modo de diagnóstico

Use o comando Reboot to Dx (Reiniciar em Dx) para desligar o instrumento com segurança e reiniciar no modo de diagnóstico.

- 1 Selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **Shutdown Options** (Opções de desligamento).
- 3 Selecione **Reboot to Dx** (Reiniciar em Dx).

Reiniciar no modo de pesquisa

Use o comando Reboot to RUO (Reiniciar em URP) para desligar o instrumento com segurança e reiniciar no modo de pesquisa.

- 1 Selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **Shutdown Options** (Opções de desligamento).
- 3 Selecione **Reboot to RUO** (Reiniciar em URP).

Desligar o instrumento

- 1 Selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **Shutdown Options** (Opções de desligamento).
- 3 Selecione **Shutdown** (Desligar).

O comando Shut Down (Desligar) encerra o software e desliga a energia do instrumento com segurança. Aguarde pelo menos 60 segundos antes de ligar o instrumento novamente.



OBSERVAÇÃO

Por padrão, o instrumento inicia no modo de diagnóstico quando é ligado.



CUIDADO

Não mude o instrumento de lugar. Mover o instrumento de maneira inadequada pode afetar o alinhamento óptico e comprometer a integridade dos dados. Se for necessário mudar o instrumento de lugar, entre em contato com um representante da Illumina.

Sair para o Windows

O comando Exit to Windows (Sair para o Windows) oferece acesso ao sistema operacional do instrumento e a qualquer pasta do computador do instrumento. O comando desliga o software com segurança e sai para o Windows.

- 1 Selecione **Manage Instrument** (Gerenciar instrumento).
- 2 Selecione **Shutdown Options** (Opções de desligamento).
- 3 Selecione **Exit to Windows** (Sair para o Windows).

Índice

A

- adaptador
 - carregamento do BeadChip 33
 - orientação do BeadChip 32
 - visão geral 6
- ajuda
 - documentação 2
- alertas de status 5
- algoritmo Phred 62
- análise
 - arquivos de saída 63
 - opções 20
- análise, primário
 - pureza de sinal 61
- arquivos de entrada, leitura
 - arquivos de cluster 30, 51
 - arquivos de manifesto 30, 51
 - pasta DMAP 30
 - pasta DMAP, download 31
- arquivos de filtro 63
- arquivos de identificação de bases 63
- arquivos de registro
 - GlobalLog 59
 - LaneNLog 59
- arquivos de saída 63
- arquivos de saída, leitura
 - GTC, IDAT 68
- arquivos de saída, sequenciamento 63
- arquivos GTC 68
- arquivos InterOp 43, 63
- arquivos locs 63
- assistência técnica 77
- atualização do software 40

B

- barra de status 3
- BaseSpace Sequence Hub 1, 20
 - configuração 56
 - ícones de transferência 27
 - login 21, 49
- BeadChip
 - adaptador 6, 32
 - análise 1
 - carregamento 33
 - falha de registro 50
 - não é possível ler o código de barras 50
 - orientação do código de barras 32
 - tipos 1

- botão de energia 6, 11

C

- cartucho de reagente
 - preparação 17
 - reservatório n.º 28 37
 - visão geral 9
- cartucho de tampão 10, 24
- ciclos em uma leitura 17
- compartimento da solução tampão 3
- compartimento de imagem 3
- compartimento do filtro de ar 3-4
- compartimento do reagente 3
- compatibilidade
 - rastreamento RFID 9
- componentes
 - barra de status 3
 - compartimento da solução tampão 3
 - compartimento de imagem 3
 - compartimento do filtro de ar 3
 - compartimento do reagente 3
- configuração de execução, opção avançada 13
- considerações de indexação 61
- criar uma execução 17

D

- Decode File Client 30
 - acesso por BeadChip 31
 - acesso por conta 31
- definições de configuração 54
- descartar materiais de consumo 14
- desligamento do instrumento 42
- documentação 2, 77
- duração da execução 17

E

- erro de armazenamento da rede 54
- erros
 - probabilidade 62
- erros de verificação antes da execução 45
- erros e advertências 5
 - nos arquivos de saída 59
- execuções
 - criar 17

F

- filtro de ar 39
- filtro de passagem (PF) 61
- filtro de passagem de clusters 61
- filtro de pureza 61
- fluxo de trabalho
 - BeadChip 33
 - cartucho de reagente 17, 24
 - cartucho de tampão 24
 - considerações de indexação 61
 - duração da execução 17
 - hipoclorito de sódio 37
 - lâmina de fluxo 22
 - login no BaseSpace Sequence Hub 21, 49
 - medidas de execução 26
 - modo Local Run Manager 21
 - modo manual 22
 - NCS 21
 - opção de carregamento avançado 13
 - porta do compartimento da lâmina de fluxo 20
 - preparação da lâmina de fluxo 18
 - reagentes gastos 23
 - Run Manager 21
 - sequenciamento 59
 - verificação antes da execução 26, 34
- fluxo de trabalho de sequenciamento 59
- formamida, posição 6 25

G

- geração do modelo 59
- gerenciar instrumento
 - desligar 42

H

- hipoclorito de sódio, limpeza 37

I

- ícones
 - erros e advertências 5
 - minimizar NCS 5
 - status 5
- identificação de bases 60
 - considerações de indexação 61
- imagem, sequenciamento de dois canais 60
- imagens em miniatura 63

instrumento

- botão de energia 6
- definições de configuração 54
- inicialização 11
- intensidades 60
- interruptor de alimentação 11

L

- lâmina de fluxo
 - blocos 64
 - embalagens 18
 - imagens 65
 - limpeza 18
 - nomenclatura do arquivo de imagem 66
 - nova hibridização 48
 - numeração de cavidades 64
 - numeração dos blocos 65
 - número do feixe 65
 - pares de cavidades 8
 - pinos de alinhamento 22
 - tipos 1
 - visão geral 8
- ler arquivos de saída
 - GTC, IDAT 68
- limpeza
 - automática 28
 - componentes de limpeza 36
 - limpeza manual 36
 - materiais de consumo fornecidos pelo usuário 36
- limpeza após a execução 28
- limpeza do instrumento 36
- local da pasta 22
- Local Run Manager 21
 - criar uma execução 17
 - módulos 20
- localização de cluster
 - arquivos 63
 - geração do modelo 59

M

- manutenção do instrumento
 - materiais de consumo 14
- manutenção preventiva 36
- manutenção, preventiva 36
- materiais de consumo
 - água aprovada para uso em laboratório 15
 - execuções de sequenciamento 14
 - lâmina de fluxo 8

- manutenção do instrumento 14
- materiais de consumo de limpeza 36-37
- materiais de consumo fornecidos pelo usuário 14
- material de consumo
 - cartucho de reagente 9
 - cartucho de tampão 10
- medidas
 - ciclos de densidade de cluster 27
 - ciclos de intensidade 27
 - identificação de bases 60
- medidas de execução 26
- mensagem de erro RAID 54
- modo de execução
 - Local Run Manager 21
 - manual 21-22
- modo manual
 - criar uma execução 17
- módulos, Local Run Manager 20

N

- NextSeq 550Dx
 - desligamento 71
 - desligar o instrumento 72
 - indicadores de modo 71
 - inicialização do instrumento 70
 - inicialização do software 70
 - interruptor de alimentação 70
 - nome e senha do usuário do sistema 70
 - reinicialização do instrumento 71
 - reiniciar 71-72
 - reiniciar instrumento em Dx 71
 - reiniciar instrumento em URP 72
 - sair para o Windows 72
 - software Local Run Manager 69
- nome de usuário do sistema e senha 11
- nome de usuário e senha 11
- nova hibridização de primer 48
- nova hibridização, Leitura 1 48
- numeração das câmeras 65
- numeração de cavidades 64
- numeração do feixe 65
- numeração dos blocos 65

O

- opção de carregamento avançado 13
- orientações sobre água aprovada para uso em laboratório 15

P

- parâmetros de execução
 - editar parâmetros 21
 - modo Local Run Manager 21
 - modo manual 22
- pares de cavidades 64
- pasta de saída 20
- pasta DMAP
 - Decode File Client 30
 - fazer download 31
- phasing 60
- porta do compartimento da lâmina de fluxo 20
- prephasing 60

Q

- Q-scores 62

R

- reagentes
 - descarte adequado 24
- reagentes gastos
 - descarte 23, 38
 - receptáculo cheio 48
- RTA v2
 - encerramento 58
 - visão geral 58
- RTA2
 - tratamento de erros 59
- RunInfo.xml 43, 63

S

- sequenciamento
 - materiais de consumo fornecidos pelo usuário 14
- Sequencing Analysis Viewer 16
- serviço de cópia universal 28
- serviço de monitoramento Illumina Proactive 13
- software
 - análise de imagem, identificação de bases 4
 - atualização automática 41
 - atualização manual 41
 - criar uma execução 17
 - definições de configuração 54
 - do instrumento 4
 - duração da execução 17
 - inicialização 11

- software BlueFuse Multi 1
- software de controle 4
- software Real-Time Analysis 1, 4
 - resultados 63
- solução de problemas
 - arquivos específicos para a execução 43
 - arquivos específicos para a leitura 44
 - falha de registro de leitura 50
 - medidas de baixa qualidade 48
 - não é possível ler o código de barras do BeadChip 50
 - opções de contato 43
 - receptáculo de reagentes gastos 48
 - substituir arquivos de manifesto e de cluster 51
 - verificação antes da execução 45
 - verificação do sistema 52
- suporte ao cliente 77

T

- tabelas de qualidade 62
- tamanho da leitura 17
- técnica, ajuda 77
- transferência de dados
 - dados de leitura 35
 - ícones de atividade 27
 - serviço de cópia universal 28
- treinamento on-line 2

V

- verificação antes da execução 26, 34
- verificação do sistema 52

W

- Windows
 - acesso 5
 - senha 6

Assistência técnica

Para obter assistência técnica, entre em contato com o Suporte técnico da Illumina.

Site: www.illumina.com
E-mail: techsupport@illumina.com

Telefones do suporte ao cliente da Illumina

Região	Ligação gratuita	Regional
América do Norte	+1.800.809.4566	
Alemanha	+49 8001014940	+49 8938035677
Austrália	+1.800.775.688	
Áustria	+43 800006249	+43 19286540
Bélgica	+32 80077160	+32 34002973
China	400.066.5835	
Cingapura	+1.800.579.2745	
Coreia do Sul	+82 80 234 5300	
Dinamarca	+45 80820183	+45 89871156
Espanha	+34 911899417	+34 800300143
Finlândia	+358 800918363	+358 974790110
França	+33 805102193	+33 170770446
Hong Kong	800960230	
Irlanda	+353 1800936608	+353 016950506
Itália	+39 800985513	+39 236003759
Japão	0800.111.5011	
Noruega	+47 800 16836	+47 21939693
Nova Zelândia	0800.451.650	
Países Baixos	+31 8000222493	+31 207132960
Reino Unido	+44 8000126019	+44 2073057197
Suécia	+46 850619671	+46 200883979
Suíça	+41 565800000	+41 800200442
Taiwan	00806651752	
Outros países	+44.1799.534000	

Fichas de dados de segurança (SDSs) — Disponíveis no site da Illumina em support.illumina.com/sds.html.

Documentação do produto — Disponível para download em PDF no site da Illumina. Acesse support.illumina.com, selecione um produto e depois selecione **Documentation & Literature** (Documentação e literatura).



Illumina

5200 Illumina Way

San Diego, Califórnia 92122, EUA

+1 (800) 809-ILMN (4566)

+1 (858) 202-4566 (fora da América do Norte)

techsupport@illumina.com

www.illumina.com

Somente para pesquisa. Não deve ser usado para procedimentos de diagnóstico.

© 2019 Illumina, Inc. Todos os direitos reservados.

illumina[®]